

Figura 3.1. Relações entre médias genóticas ajustadas pela análise intrablocos (MAJFIX_1) e pela análise com recuperação da informação interblocos (MAJMXA_2), para uma amostra de dez linhagens experimentais e duas testemunhas (HALE-321 e FOSCARIN), entre 1228 genótipos avaliados em blocos aumentados (ensaio AREÃO-12, grupo Precoce, ESALQ-USP, 1992/93).

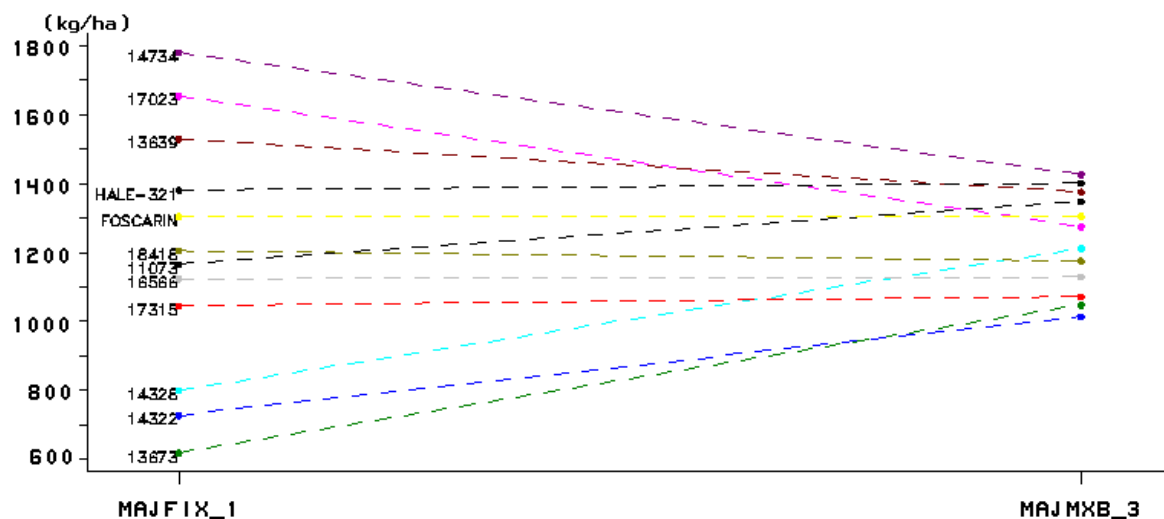


Figura 3.2. Relações entre médias genóticas ajustadas pela análise intrablocos (MAJFIX_1) e pela análise com recuperação da informação intergenotípica (MAJMXB_3), para uma amostra de dez linhagens experimentais e duas testemunhas (HALE-321 e FOSCARIN), entre 1228 genótipos avaliados em blocos aumentados (ensaio AREÃO-12, grupo Precoce, ESALQ-USP, 1992/93).

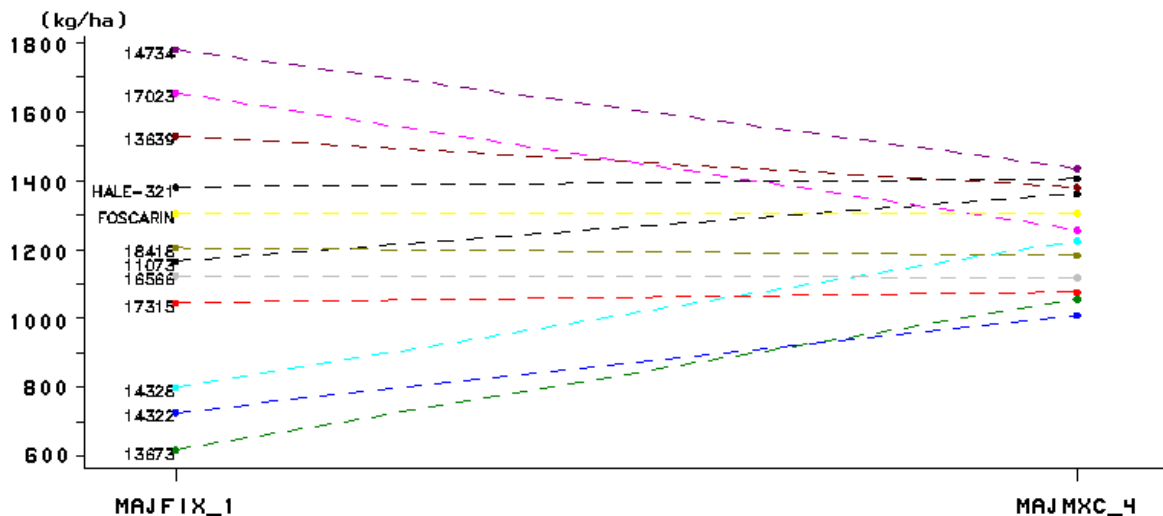


Figura 3.3. Relações entre médias genóticas ajustadas pela análise intrablocos (MAJFIX_1) e pela análise recuperando as informações interblocos e intergenotípica (MAJMXC_4), para uma amostra de dez linhagens experimentais e duas testemunhas (HALE-321 e FOSCARIN), entre 1228 genótipos avaliados em blocos aumentados (ensaio AREÃO-12, grupo Precoce, ESALQ-USP, 1992/93).

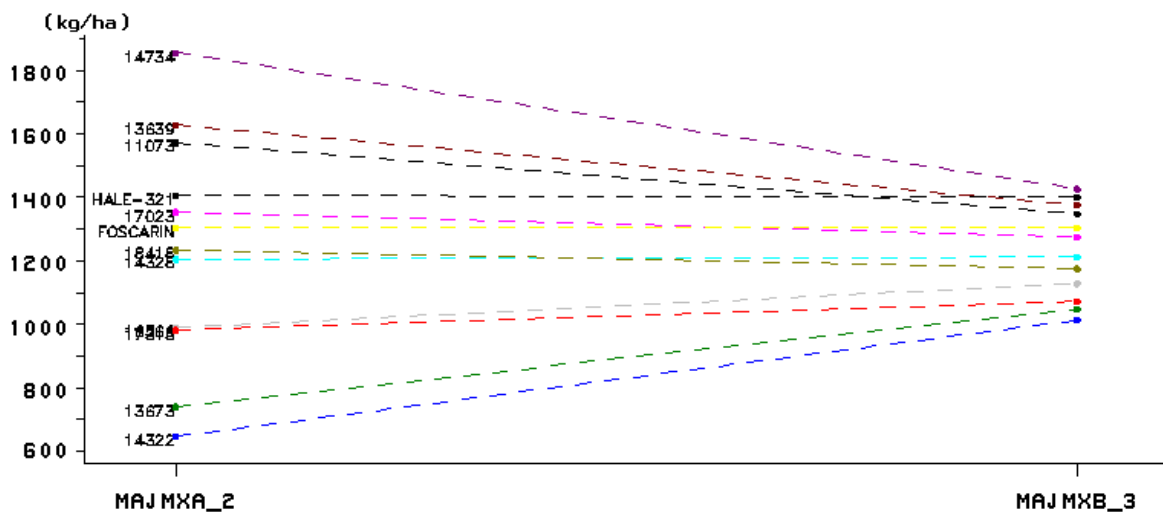


Figura 3.4. Relações entre médias genóticas ajustadas pelas análises recuperando a informação interblocos (MAJMXA_2) e recuperando a informação intergenotípica (MAJMXB_3), para uma amostra de dez linhagens experimentais e duas testemunhas (HALE-321 e FOSCARIN), entre 1228 genótipos avaliados em blocos aumentados (ensaio AREÃO-12, grupo Precoce, ESALQ-USP, 1992/93).

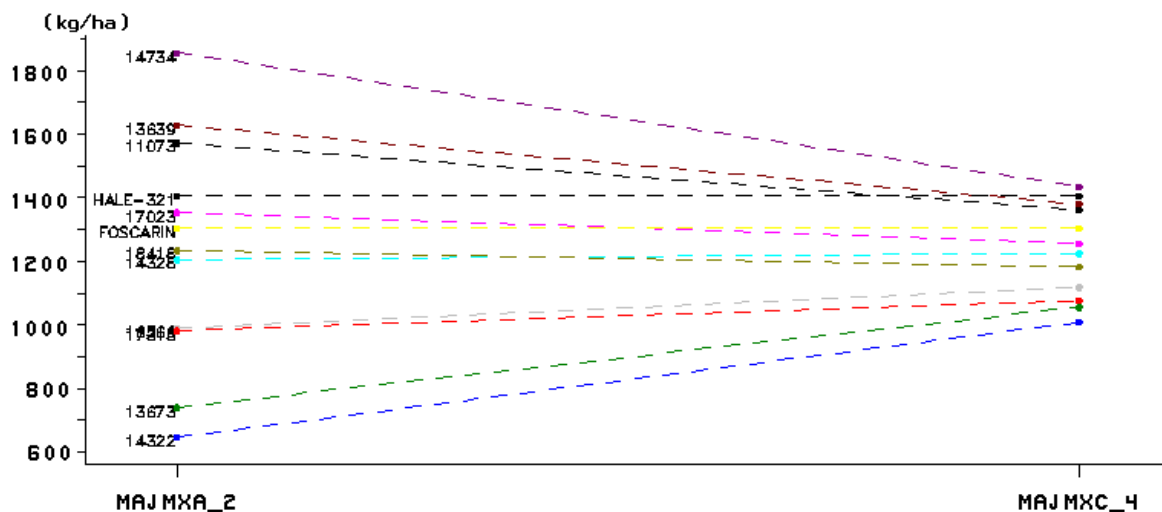


Figura 3.5. Relações entre médias genóticas ajustadas pelas análises recuperando a informação interblocos (MAJMXA_2) e recuperando as informações interblocos e intergenotípica (MAJMXC_4), para uma amostra de dez linhagens experimentais e duas testemunhas (HALE-321 e FOSCARIN), entre 1228 genótipos avaliados em blocos aumentados (grupo Precoces, AREÃO-12, ESALQ-USP, 1992/93).

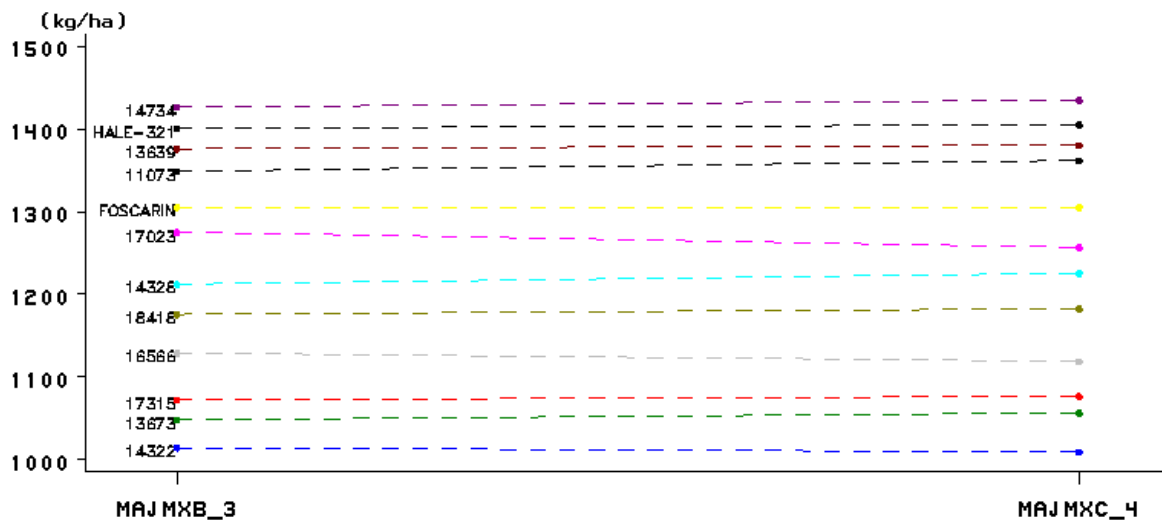


Figura 3.6. Relações entre médias genóticas ajustadas pelas análises recuperando informação intergenotípica (MAJMXB_3) e recuperando as informações interblocos e intergenotípica (MAJMXC_4), para uma amostra de dez linhagens experimentais e duas testemunhas (HALE-321 e FOSCARIN), entre 1228 genótipos avaliados em blocos aumentados (AREÃO-12 / Precoces, ESALQ-USP, 1992/93).

