CAROLINA MIYUKI SUGUIMOTO

Protocolo clínico para avaliação de ajustes posturais
antecipatórios: desenvolvimento e validação

Dissertação apresentada à
Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo
para obtenção do título de Mestre em Ciências

Área de Concentração: Movimento, Postura e Ação Humana
Orientadora: Profa. Dra. Clarice Tanaka

São Paulo
2010

AUTORIZO A REPRODUÇÃO E DIVULGAÇÃO TOTAL OU PARCIAL DESTE TRABALHO, POR QUALQUER MEIO CONVENCIONAL OU ELETRÔNICO, PARA FINS DE ESTUDO E PESQUISA, DESDE QUE CITADA A FONTE.

Dados Internacionais de Catalogação na Publicação (CIP)

Preparada pela Biblioteca da

Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo

©reprodução autorizada pelo autor

Suguimoto, Carolina Miyuki

Protocolo clínico para avaliação de ajustes posturais antecipatórios : desenvolvimento e validação / Carolina Miyuki Suguimoto. -- São Paulo, 2010.

Dissertação(mestrado)--Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo.

Departamento de Fisioterapia, Fonoaudiologia e Terapia Ocupacional.

Área de concentração: Movimento, Postura e Ação Humana.

Orientadora: Clarice Tanaka.

Descritores: 1.Fisioterapia (Especialidade) 2.Biomecânica 3.Avaliação 4.Estudos de validação 5.Equilíbrio musculoesquelético 6.Postura

USP/FM/SBD-053/10

DEDICATÓRIA

Dedico...

Aos meus pais Yassuo e Midori, ao meu marido Rodrigo e aos meus irmãos Márcia, Cristina e Fernando com muito amor, carinho, admiração e gratidão pela compreensão, paciência, presença e incansável apoio ao longo do período de elaboração deste trabalho.

AGRADECIMENTOS

À Profa. Dra. Clarice Tanaka, que nesses anos de convivência muito me ensinou, contribuindo para meu crescimento científico, intelectual e pessoal, além da atenção e do apoio durante todo o processo de orientação.

À Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo e ao Departamento de Fisioterapia, Fonoaudiologia e Terapia Ocupacional pela oportunidade de realização do mestrado.

Ao Prof. Dr. André Fábio Kohn por colocar à disposição a área experimental e o laboratório.

Aos amigos Profa. Dra. Carolina Fu, Cássio, Gabriel, Renê e Carolina Carmo pelo auxílio prestado durante toda a trajetória e pela amizade.

Ao Prof. Dr. Carlos Hitoshi Morimoto, Silvia Esparrachiari e Bruno pela preciosa ajuda com o software.

A todos os funcionários do Serviço de Fisioterapia, Fonoaudiologia e Terapia Ocupacional pela imensa ajuda.

Aos membros e ex membros do Grupo de Pesquisa em Reeducação Funcional da Postura e do Movimento.

A todos os sujeitos que participaram da pesquisa.

A todos os meus amigos e colegas, do meio acadêmico ou não, que me apoiaram e incentivaram.

E claro, a meu marido Rodrigo, a toda minha família e a família do Rodrigo, que é minha segunda família, pela confiança depositada e pela paciência.

Das utopias:
Se as coisas são inatingíveis... ora!
Não é motivo para não querê-las...
Que tristes os caminhos, se não fora
A presença distante das estrelas!

(Mário Quintana)

NORMALIZAÇÃO ADOTADA

Esta dissertação está de acordo com:

Referências: adaptado de *International Committee of Medical Journals Editors* (Vancouver)

Universidade de São Paulo. Faculdade de Medicina. Sistema Integrado de Bibliotecas – SIBi. Diretrizes para apresentação de Dissertações e Teses da USP. Documento eletrônico e impresso. 2004

Abreviaturas dos títulos dos periódicos de acordo com *List of Journals Indexed in Index Medicus*

SUMÁRIO

LISTA DE FIGURAS	8
LISTA DE TABELAS	9
LISTA DE ANEXOS	10
LISTA DE ABREVIATURAS	11
RESUMO	12
SUMMARY	14
1. INTRODUÇÃO	16
2. OBJETIVOS	19
3. MÉTODOS	20
3.1 Sujeitos	20
3.1.1 Critérios de seleção do Grupo Avaliado (GA)	20
3.1.2 Critérios de seleção do Grupo Examinador (GE)	20
3.2 Materiais	21
3.3 Procedimentos	21
3.3.1 Aquisição de dados	21
3.3.2 Processamento dos vídeos	23
3.3.3 Avaliações clínicas pelos grupos examinadores	25
3.3.4 As avaliações clínica pelos grupos examinadores	33
3.3.5 Processamento dos dados do <i>software</i>	33
3.3.6 A pontuação do protocolo de avaliação do APA	35
3.3.7 Esboço do programa para avaliação dos ajustes posturais	41
3.4 Análise dos Dados	42
3.4.1 Concordância intra-examinador	42
3.4.2 Concordância inter-examinadores	43
3.4.3 Concordância com análise cinemática	43
4. RESULTADOS	44
4.1 Concordância intra-examinador	44
4.2 Concordância inter-examinadores	46
4.3 Concordância com análise cinemática (<i>Software APAS</i>)	47
5. DISCUSSÃO	49

5.1 Caracterização do Grupo Avaliado	50
5.2 Caracterização do Grupo Examinador	51
5.3 Concordância intra-examinador	51
5.4 Concordância inter-examinadores	52
5.5 Concordância com análise cinemática	54
5.7 Limitações do trabalho e propostas futuras.....	54
6. CONCLUSÃO	55
7. REFERÊNCIAS.....	56
8. ANEXOS.....	59

LISTA DE FIGURAS

Figura 1 - Alinhamento postural segundo Kendall & McCreary [2].....	16
Figura 2 - Modelo pêndulo invertido: (a) simples e (b) duplo segmento.....	17
Figura 3 - Localização dos 8 pontos controle e ponto fixo para processo de digitalização do vídeo.	24
Figura 4 - Instruções para realização das avaliações: Avaliação Clínica Tradicional e Protocolo Proposto.....	26
Figura 5 - Protocolo da Avaliação Clínica Tradicional. Tornozelo.....	27
Figura 6 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Joelho.....	27
Figura 7 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Pelve 1	28
Figura 8 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Pelve 2	28
Figura 9 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Tronco superior.....	28
Figura 10 - Instruções para Protocolo Proposto quanto às referências anatômicas.....	29
Figura 11 - Protocolo Proposto. Tornozelo	30
Figura 12 - Protocolo Proposto. Joelho	30
Figura 13 - Protocolo Proposto. Pelve 1	31
Figura 14 - Protocolo Proposto. Pelve 2.....	31
Figura 15 - Protocolo Proposto. Tronco superior	32
Figura 16 - Instruções para Protocolo Proposto. Parâmetros gerais para avaliação	32
Figura 17 – Pontuação do protocolo e gráfico de dispersão para o tipo de estratégia	42
Figura 18 - Valores Kappa para concordância intra-examinador	44
Figura 19 - Valores Kappa para concordância inter-examinadores	46
Figura 20 - Concordância de GE1, GE2 e GE3 com análise cinemática.....	47

LISTA DE TABELAS

Tabela 1 - As coordenadas espaciais dos 8 pontos de referência para calibração dos dados cinemáticos.....	25
Tabela 2 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Tornozelo.....	36
Tabela 3 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Joelho.....	37
Tabela 4 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Pelve 1	38
Tabela 5 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Pelve 2	39
Tabela 6 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Tronco Superior.....	40
Tabela 7 - Valores referência de Kappa para concordância [28]	42
Tabela 8 - Concordância intra-examinador. Valores kappa, erro padrão e p.....	45
Tabela 9 - Concordância com dados cinemáticos (<i>software</i> APAS). Frequência e % de erros e acertos no teste e reteste.	48
Tabela 10 - Caracterização do GA quanto à idade, peso, altura e índice de massa corporal	50
Tabela 11 - Caracterização do GE quanto ao tempo de formação, campo de atuação e tempo de Especialização em Postura quando aplicável.....	51
Tabela 12 - Concordância inter-examinadores em porcentagem entre os grupos GE1, GE2 e GE3 para cada classificação no teste e reteste	53

LISTA DE ANEXOS

Anexo 1 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 1 do GE1	59
Anexo 2 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 2 do GE1.....	61
Anexo 3 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 3 do GE1.....	63
Anexo 4 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 1 do GE2.....	65
Anexo 5 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 2 do GE2	67
Anexo 6 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 3 do GE2	69
Anexo 7 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 1 do GE3.....	71
Anexo 8 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 2 do GE3	73
Anexo 9 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 3 do GE3.....	75
Anexo 10 - Aprovação Cappesq - 1ª mudança de título	77
Anexo 11 - Aprovação Cappesq - 2ª mudança de título	78
Anexo 12 - Submissão para Congresso “Progress in Motor Control” 2009 I.....	79
Anexo 13 - Submissão para Congresso “Progress in Motor Control” 2009 II.....	80
Anexo 14 - Aceite do Congresso “Progress in Motor Control” 2009”.....	81
Anexo 15 - Pôster apresentado ao Congresso “Progress in Motor Control”	82
Anexo 16 - Termo de Consentimento Livre e Esclarecido.....	83
Anexo 17 - Submissão do artigo na revista Manual Therapy.....	88
Anexo 18 - Artigo submetido na revista Manual Therapy	89

LISTA DE ABREVIATURAS

APA: Ajuste postural antecipatório

APAS: (*Software*) *Ariel Posture Analysis System*

C7: Sétima vértebra cervical

EIAS: Espinha ilíaca ântero-superior

EIPS: Espinha ilíaca pósterio-superior

GA: Grupo de sujeitos avaliados

GE: Grupo de sujeitos examinadores

GE1: Grupo de examinadores não especialistas

GE2: Grupo de examinadores especialistas

GE3: Grupo de examinadores não especialistas utilizando protocolo

MIA: Máxima inclinação anterior

MIP: Máxima inclinação posterior

RESUMO

Suguimoto, CM. **Protocolo clínico para avaliação de ajustes posturais antecipatórios: desenvolvimento e validação** [dissertação]. São Paulo: Faculdade de Medicina, Universidade de São Paulo; 2010

Introdução: A avaliação do controle motor é prática frequente na rotina fisioterapêutica, onde o fisioterapeuta avalia os ajustes posturais antecipatórios (APAs) e compensatórios. Os APAs, assunto deste trabalho, precedem perturbações posturais planejadas e as minimiza através de correções com a finalidade de manutenção da estabilidade. Está bem documentada na literatura a relação entre os APAs e desordens musculoesqueléticas. Entretanto o fisioterapeuta não dispõe de instrumentos adequados que sejam de fácil manuseio e de baixo custo até o presente momento; usualmente esta avaliação é feita através de estimativa visual. Essa estimativa, no entanto, é uma medida subjetiva; sua confiabilidade é questionada, pois apresenta baixos índices de concordância intra- e inter-examinadores. **Objetivos:** i) Desenvolver um protocolo de avaliação clínica para APA; ii) Validar este protocolo através da análise de concordância intra e inter-examinadores; iii) Determinar índice de confiabilidade através da comparação das respostas dos examinadores com dados cinemáticos provenientes do *software Ariel Posture Analysis System* (APAS) como padrão ouro, e; iv) Determinar uma pontuação para o protocolo proposto com base em dados cinemáticos. **Metodologia:** Marcadores esféricos foram posicionados em 9 proeminências ósseas do lado direito de 19 sujeitos jovens, do sexo feminino, saudáveis e sem algias (aqui denominado Grupo Avaliado). Os sujeitos foram filmados, sendo requisitados a inclinar o corpo anterior e posteriormente utilizando somente o tornozelo. As imagens foram coletadas usando-se uma câmera do lado direito do sujeito para captação de movimento no plano sagital. Dos vídeos foram feitas fotografias de 3 momentos distintos: 1) postura inicial, 2) máxima inclinação anterior e 3) máxima inclinação posterior. Esses 3 momentos foram avaliados por 3 grupos de 3 examinadores cada para determinação de concordância inter-examinador. Os Grupos Examinadores: GE1) grupo de fisioterapeutas sem especialização em postura e sem protocolo; GE2) grupo de fisioterapeutas com especialização em postura e sem protocolo; e GE3) grupo de fisioterapeutas sem

especialização em postura com protocolo. A avaliação foi repetida após 15 dias para análise da concordância intra-examinador. Os vídeos foram analisados em modo 2 dimensões (2D) utilizando-se o *software* APAS para validar o protocolo com dados cinemáticos. Após coleta de dados foi determinada uma pontuação para o protocolo proposto para viabilizar seu uso. **Resultados:** Valores Kappa por segmento (tornozelo, joelho, pelve 1 em antepulsão / retropulsão e pelve 2 em anteversão / retroversão e tronco superior) para concordância intra-examinador ($p < 0.001$): GE1 = pobre - moderada; GE2 = moderada – substancial, e GE3 = quase perfeita. Concordância Inter-examinadores ($p < 0.001$): GE1 = fraca - moderada; GE2 = moderada – substancial, e GE3 = quase perfeita. Valores percentuais para concordância com análise cinemática para GE1, GE2 e GE3 foram respectivamente ($p < 0.001$): 28%; 67,3% e 91,2% para tornozelo; 29,2%; 37,4% e 69,6% para joelho; 18,1%; 46,8% e 82,5% para pelve 1; 36,8%; 86,0% e 88,9% para pelve 2; e, 22,8%; 44,4% e 91,2% para tronco superior. **Conclusão:** O protocolo proposto para avaliação do APA apresentou concordância perfeita e quase perfeita para concordância intra- e inter-examinadores e alto índice de confiabilidade ao ser comparado com um padrão ouro de análise cinemática.

Descritores: Fisioterapia (Especialidade), Biomecânica, Avaliação, Estudos de Validação, Equilíbrio musculoesquelético, Postura

SUMMARY

Suguimoto, CM. **Clinical protocol for assessment of anticipatory postural adjustments: development and validation** [dissertação]. São Paulo: Faculdade de Medicina, Universidade de São Paulo; 2010

Evaluating motor control is a recurrent practice in physiotherapeutic routine, in which physiotherapist analyzes anticipatory postural adjustments (APAs) and compensatory postural adjustments (CPAs). APAs, subject of interest, precede planned postural perturbation and minimized them through corrections to maintaining the stability. It is known the relationship between postural adjustment and musculoskeletal disorders. However, proper tools to assess postural adjustments easy handling and low cost are not available yet; up to this moment evaluation is done by direct observation. A comprehensive examination is limited with high examiners variability. Functional diagnoses and the baseline for further follow-up are not well established. **Objectives:** 1. Develop a protocol to evaluate APAs. 2. Validate this protocol through intra- and inter-rater agreement analysis; 3. Determine agreement between data from raters with kinematic data from software Ariel Posture Analysis System (gold standard), and; 4. Determine a score for the proposed protocol based in kinematic data. **Methods:** spherical reflective markers were placed in nine landmarks on the right side of 19 able-bodied participants (Group Assessed) who were bending forward and backward over the ankle (APAs). Images were collected using a camera on the right side of the participant to capture movements in sagittal plane. From the video, 3 frames were selected: 1) initial posture, 2) maximum anterior bending, and 3) maximum posterior bending. These frames were evaluated by three groups with three physiotherapist each (Group Examiner), for inter-rater agreement analysis: GE1) no posture specialization and no protocol; GE2) posture specialization and no protocol; and GE3) no posture specialization and protocol. Evaluation was repeated after 15 days to verify intra-rater agreement. The videos were analyzed in 2 dimensions (2D) mode using the software Ariel Posture Analysis System to validate the protocol with kinematic data. After the data collection, a score was determined for the proposed protocol to enable its use. **Results:** Kappa values by segments

(ankle, knee, pelvis in antepulsion / retropulsion, pelvis in anteversion / retroversion and trunk) for intra-rater agreement ($p < 0.001$): GE1 = poor - moderate; GE2 = moderate - substantial and GE3 = almost perfect. Inter-rater agreement ($p < 0.001$): GE1 = fair - moderate; GE2 = moderate – substantial, and GE3 = almost perfect. Percentage Values for agreement to kinematic analysis ($p < 0.001$): Ankle: GE1 = 28%; GE2 = 67,3%; GE3 = 91,2%. Knee: GE1 = 29,2%; GE2 = 37,4%; GE3 = 69,6%. Pelvis1: GE1 = 18,1%; GE2 = 46,8%; GE3 = 82,5%. Pelvis2: GE1 = 36,8%; GE2 = 86,0%; GE3 = 88,9%. Trunk: GE1 = 22,8%; GE2 = 44,4%; GE3 = 91,2%. **Conclusion:** Protocol revealed high agreement intra and inter-rater and high correlation with kinematic data from software APAS when compared using the protocol.

Descriptors: Physical Therapy (Specialty), Biomechanics, Evaluation, Validation Studies, Musculoskeletal Equilibrium, Posture.

1. INTRODUÇÃO

A avaliação postural é prática frequente na rotina fisioterapêutica e está bem documentada na literatura. Na clínica esta avaliação é feita usualmente por observação, através de estimativa visual do alinhamento e identificação de alterações [1]. Para esta finalidade tem-se o método tradicional descrito por Kendall e McCreary [2], onde o sujeito é analisado sob orientação de um fio de prumo (Figura 1).

Figura 1 - Alinhamento postural segundo Kendall & McCreary [2]

Outro método frequente para a avaliação postural utiliza o registro fotográfico com base em marcadores fixados sobre referências anatômicas [3], sendo este um instrumento de medida confiável [4]. Entretanto, tanto a análise por fotografia com marcadores anatômicos como com fio de prumo ainda é subjetiva, pois corresponde ao momento do disparo da câmera sendo que mesmo na postura bípede quieta ocorrem ajustes posturais constantes, com oscilação natural do corpo [5].

Apesar da comprovada importância da avaliação do controle postural, o fisioterapeuta não dispõe de instrumentos objetivos e adequados para tal [6]. Similarmente à avaliação estática, a avaliação do controle postural é feita

por estimativa visual, sendo assim uma medida subjetiva e de confiabilidade questionada, com grande variabilidade intra- e inter-examinadores [7].

Foram identificadas duas estratégias para o controle postural no plano sagital: a estratégia de tornozelo, que é caracterizada pelo modelo pêndulo invertido [8] (Figura 2a), e a de quadril, caracterizada pelo modelo pêndulo invertido de duplo segmento [9] (Figura 2b). Por não ter sido observada a estratégia pura até então [9], elas são chamadas de estratégias mistas [10].

Figura 2 - Modelo pêndulo invertido: (a) simples e (b) duplo segmento

A pesquisa dos ajustes posturais tem focalizado principalmente a regulação da posição ortostática quando perturbada por forças externas, como por exemplo, movimento da base de suporte [8]. No entanto, a regulação da postura quieta é fundamental para bom desempenho dos movimentos voluntários [11]. O ajuste postural antecipatório (APA), nesse caso, precede perturbações posturais planejadas e as minimiza com correções antecipatórias [12, 13 e 14]

Está bem documentada a relação entre APAs e desordens musculoesqueléticas [15, 16, 17 e 18]. A antecipação da contração do transverso do abdômen em relação ao músculo deltóide durante o movimento de flexão, abdução e extensão de ombro, por exemplo, tem sido comparada entre sujeitos controles e lombálgicos. O início da contração do transverso do abdômen entre os lombálgicos apresenta-se significativamente atrasado durante movimento, indicando déficit no controle motor e sugerindo ineficiência muscular ao estabilizar a coluna [19].

Por outro lado, há pouca evidência na literatura para a avaliação do APA de maneira quantitativa por ser uma atividade dinâmica. A mensuração do controle postural é tarefa difícil [20 e 21], pois os ajustes ocorrem em escalas de movimento complicadas de se detectar através da simples observação. Dessa forma, o comportamento esperado não está claramente definido [20]. Há pouco substrato na literatura para a avaliação quantitativa do APA. O ato de localizar pontos anatômicos através de palpação por si só já demonstra baixa concordância inter-examinadores [22].

Um dos instrumentos mais utilizados para a avaliação clínica inferindo sobre o APA é o teste de alcance funcional, que mede a distância anterior máxima alcançada usando-se uma base fixa de suporte sem dar passo nem perder o equilíbrio, podendo ser útil para detectar déficits do equilíbrio. Um alcance maior indicaria maior limite de estabilidade e, portanto melhor capacidade de equilíbrio dinâmico, independentemente de utilizar o modelo em pêndulo invertido ou em duplo segmento [23]. No entanto, há divergências sobre a relação alcance e estabilidade, como algumas pesquisas sobre sujeitos idosos [24] ou com Parkinson [25], que demonstram não haver correlação entre deslocamento do centro de pressão e a distância alcançada. Um dos fatores que poderiam afetar a forma de alcance funcional influenciando no equilíbrio dinâmico seria o tipo de estratégia adotada, ou seja, não é só a distância alcançada, mas também o padrão de movimento que desempenharão papéis importantes na dinâmica do equilíbrio [26].

Dessa forma, nós nos propusemos a desenvolver e validar um protocolo para avaliação do APA, utilizando como tarefa a máxima inclinação anterior e posterior. O protocolo utiliza fotos baseadas em vídeos da máxima inclinação anterior e posterior, foi validado através da análise cinemática usando um padrão ouro e corrigido pela estimativa do erro devido ao tamanho do marcador utilizado para a análise cinemática. A reprodutibilidade foi testada intra- e inter-examinadores.

2. OBJETIVOS

Os objetivos deste estudo são:

- i) Desenvolver um protocolo de avaliação clínica para APA;
- ii) Validar este protocolo através da análise de concordância intra- e inter-examinadores;
- iii) Determinar índice de confiabilidade através da comparação das respostas dos examinadores e compará-las aos dados cinemáticos do *software* APAS (padrão ouro); e
- iv) Determinar uma pontuação para o protocolo proposto baseada em dados cinemáticos.

3. MÉTODOS

3.1 Sujeitos

Participaram desta pesquisa 2 grupos: Avaliado (GA) e Examinador (GE).

3.1.1 Critérios de seleção do Grupo Avaliado (GA)

O GA consistia de 19 indivíduos do sexo feminino com idade entre 18 e 31 anos com idade média de 22,9 anos $\pm$ 3 e IMC de 20,14 $\pm$ 1,5. Foram excluídos sujeitos que apresentavam patologias neurológica, musculoesquelética, vestibular ou queixa álgica no momento do teste e sujeitos que praticavam atividade física de caráter competitivo.

3.1.2 Critérios de seleção do Grupo Examinador (GE)

O GE consistia de 9 fisioterapeutas de 24 a 30 anos, com experiência variando de 3 e 7 anos de atividade, com conhecimentos em avaliação postural clínica tradicional. O grupo foi dividido em três subgrupos, cada qual contendo três fisioterapeutas:

- GE1: grupo sem Especialização em Postura e sem o protocolo proposto;
- GE2: grupo com Especialização em Postura e sem o protocolo proposto; e
- GE3: grupo sem Especialização em Postura e com o protocolo proposto.

Examinadores do GE1 foram preferencialmente incluídos pelo maior tempo de formação uma vez que estes não dispunham de Especialização em Postura nem do protocolo proposto, além de atuarem em áreas distintas da área musculoesquelética. Examinadores do GE2 foram incluídos com a condição de apresentarem Especialização em Postura em um período máximo de cinco anos. Estes foram recrutados por apresentarem sólida experiência em avaliação

postural clínica, bem como conhecimento padronizado para esta avaliação. Examinadores do GE3 foram preferencialmente incluídos pelo menor tempo de formação e ausência de Especialização em Postura, uma vez que estes tinham à disposição o protocolo para realização das avaliações.

Foram excluídos da seleção fisioterapeutas com mais de 10 anos de formação e com mais de 05 anos de especialização em postura. Os participantes do GA leram e assinaram o termo de consentimento livre e esclarecido aprovado pelo Comitê de Ética do Hospital das Clínicas da Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo (Protocolo de Pesquisa nº 276/06).

3.2 Materiais

Para aquisição dos dados cinemáticos foi utilizada uma câmera digital de marca Panasonic™ e modelo PV-GS250 e frequência de amostragem de 60 Hz, sendo esta fixada em tripé. O uso de uma câmera fotográfica não-profissional e com lente convencional não descaracteriza as imagens a ponto de interferir nas avaliações, mostrando-se adequada para esta análise [27]. Marcadores anatômicos esféricos com 2 cm de diâmetro recobertos por fitas retro-reflexivas (3M™ *high gain* 7610) foram posicionadas sobre proeminências ósseas. Para processamento dos dados cinemáticos foram utilizados um computador pessoal e o *software Ariel Posture Analysis System* (APAS).

3.3 Procedimentos

3.3.1 Aquisição de dados

A aquisição dos dados foi realizada no Laboratório de Engenharia Biomédica (LEB) da Escola Politécnica da Universidade de São Paulo (POLI-USP). Para a aquisição dos dados cinemáticos os participantes do GA permaneciam sem calçados e trajando roupas de ginástica. Uma câmera digital

foi fixada em tripé posicionado a 2 metros do lado direito do sujeito à altura da cicatriz umbilical a fim de capturar movimentos no plano sagital. Marcadores anatômicos foram afixados no antímero direito dos sujeitos nas seguintes proeminências ósseas:

- Cabeça do quinto metatarso;
- Maléolo lateral;
- Cabeça da fíbula;
- Trocânter maior do fêmur;
- Espinha ilíaca ântero-superior (EIAS);
- Espinha ilíaca pósterio-superior (EIPS), e;
- Processo espinhoso da sétima vértebra cervical (C7);

Os pontos do trocânter maior, EIAS e EIPS foram afixados sobre a roupa, porém esta se encontrava bem ajustada ao corpo para que não houvesse alteração importante dos dados.

A aquisição iniciava-se com a estabilização do participante na postura bípede quieta sobre superfície estável, com pés voltados para frente e afastados na largura dos quadris. Os braços permaneciam cruzados sobre o peito, a cabeça voltada para frente e era, então, solicitado que permanecessem parados nesta posição. Após 6 segundos era solicitado realizar máxima inclinação anterior utilizando somente a articulação do tornozelo. Após 12 segundos de máxima inclinação anterior, o sujeito era orientado a retornar à posição inicial. Para a máxima inclinação posterior o mesmo era solicitado, porém com inclinação posterior.

3.3.2 Processamento dos vídeos

Os vídeos foram transferidos para um computador pessoal e através do *software* APAS os marcadores foram digitalizados para análise em 2D. A seguir, os procedimentos necessários para processamento dos vídeos em ordem estabelecida por este *software*:

Primeiramente foi selecionada a opção *Digitize* (digitalização) a fim de digitalizar o vídeo. Na identificação dos pontos (*Points ID*) deveria ser estabelecido o lado avaliado, que neste projeto foi o lado direito; nomeadas e enumeradas as referências anatômicas:

- Cabeça do quinto metatarso;
- Maléolo lateral;
- Cabeça da fíbula;
- Trocânter maior do fêmur;
- EIAS;
- EIPS; e;
- Processo espinhoso da C7.

Na opção *Segments* deveriam ser estabelecidos os segmentos a serem avaliados a partir das referências anatômicas estabelecidas na etapa anterior:

- Pé = segmento entre cabeça do quinto metatarso e maléolo lateral;
- Perna = segmento entre maléolo lateral e cabeça da fíbula;
- Coxa = segmento entre cabeça da fíbula e trocânter maior do fêmur;
- Pelve = segmento entre EIAS e EIPS;
- Pelve anterior = segmento entre trocânter maior do fêmur e EIAS;
- Pelve posterior = segmento entre trocânter maior do fêmur e EIPS;
- Coluna = segmento entre EIPS e processo espinhoso da C7;

Para a calibração espacial dos dados cinemáticos, as coordenadas espaciais de oito pontos de referência foram fixadas em dois fios de prumo localizados no mesmo plano ântero-posterior. Além dos pontos de referência, foi necessário estabelecer um ponto fixo, que foi o puxador do armário do laboratório (Figura 3).

Figura 3 - Localização dos 8 pontos controle e ponto fixo para processo de digitalização do vídeo. Os 8 pontos controle são identificados pelos círculos brancos com números ao lado e o ponto fixo pela seta branca

Os pontos de referências foram então inseridos no sistema durante o processo de digitalização (opção *Control XYZ* - Controle XYZ) (Tabela 1). A coluna X corresponde ao eixo X ou comprimento; a coluna Y corresponde ao eixo Y ou altura; e a coluna Z corresponde à profundidade.

Tabela 1 - As coordenadas espaciais dos 8 pontos de referência para calibração dos dados cinemáticos

Pontos	X (cm)	Y (cm)	Z (cm)
1	0	0	0
2	0	50	0
3	0	100	0
4	0	150	0
5	140	0	0
6	140	50	0
7	140	100	0
8	140	150	0

No processo de digitalização, cada ponto anatômico estabelecido anteriormente deveria ser demonstrado durante digitalização do vídeo, obedecendo à sequência imposta pelo programa. Ao final, o *software* gerava um arquivo em formato ASCII (*American Standard Code for Information Interchange*, que significa "Código Padrão Americano para o Intercâmbio de Informação") com os ângulos das articulações solicitadas obtidos durante os 30 segundos de cada teste para posterior processamento.

3.3.3 Avaliações clínicas pelos grupos examinadores

Dos vídeos foram captadas 3 fotos de 3 momentos distintos do vídeo:

- (i) Posição inicial (PI): frame correspondente ao momento 0 segundo, tanto para vídeos de inclinação anterior quanto posterior;
- (ii) Máxima inclinação anterior (MIA): frame extraído do 11º segundo do vídeo durante a máxima inclinação anterior, e;
- (iii) Máxima inclinação posterior (MIP): frame extraído do 11º segundo do vídeo durante a máxima inclinação posterior.

Para as avaliações posturais clínicas dos APAs foram desenvolvidos 2 tipos de documentos a serem respondidos: i) Avaliação Clínica Tradicional e ii) Avaliação Clínica com Protocolo Proposto. Ambos foram desenvolvidos como documentos Microsoft Power Point 2007 e continham exatamente as mesmas fotos. Ao início de ambos os documentos, os examinadores dispunham de orientações necessárias para efetuarem as avaliações (Figura 4)

Figura 4 - Instruções para realização das avaliações: Avaliação Clínica Tradicional e Protocolo Proposto

Os segmentos avaliados e as respectivas opções:

- Tornozelo: alinhado, flexionado ou estendido;
- Joelho: alinhado, hiperextendido ou semiflexionado;
- Pelve 1: alinhada, antepulsionada ou retropulsionada (plano sagital);
- Pelve 2: alinhada, antevertida ou retrovertida (plano transversal); e
- Tronco Superior: alinhado, flexionado ou estendido.

Cada documento continha 95 slides; cada slide continha 3 fotos - PI, MIA e MIP, sendo um segmento por slide, totalizando 285 fotos. Ou seja, 19 participantes x 5 segmentos de cada participante avaliado x 3 frames (PI, MIA e MIP) de cada segmento. Em cada slide o examinador dispunha de um *check box* localizado abaixo de cada foto, para que optasse por uma das 3 opções de avaliação.

Avaliação Clínica Tradicional:

Nesta avaliação os examinadores de GE1 e GE2 avaliaram as fotografias do GA com marcadores anatômicos afixados ao corpo. A seguir os slides da Avaliação Clínica Tradicional, sendo cada slide referente a um segmento e as respectivas opções de classificação (Figuras 5 a 9):

Figura 5 - Protocolo da Avaliação Clínica Tradicional. Tornozelo

Figura 6 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Joelho

Figura 7 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Pelve 1

Figura 8 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Pelve 2

Figura 9 - Protocolo de Avaliação Clínica Tradicional. Tronco superior

Protocolo Proposto

Nesta avaliação os examinadores do GE3 avaliavam as mesmas fotografias com os mesmos marcadores anatômicos que a Avaliação Clínica Tradicional. Entretanto esta continha retas – ângulos articulares provenientes de duas proeminências ósseas pré-estabelecidas com base no alinhamento relacionado ao fio de prumo (4 Kendal & McCreary 1995), ou por meio de retas verticais e horizontais partindo de proeminências ósseas pré-estabelecidas como medida de padronização para avaliação. A seguir slide de instrução (Figura 10).

Referências Anatômicas		
Segmento	Ângulo	Posição
Tornozelo	Alinhado	Cabeça da fibula coincide com a reta
	Flexionado	Cabeça da fibula está anterior à reta
	Estendido	Cabeça da fibula está posterior à reta
Joelho	Alinhado	Cabeça da fibula coincide com a reta
	Hiperextendido	Cabeça da fibula está posterior à reta
	Semiflexionado	Cabeça da fibula está anterior à reta
Pelve 1	Alinhada	Trocânter maior coincide com a reta
	Antepulsionada	Trocânter maior está anterior à reta
	Retropulsionada	Trocânter maior está posterior à reta
Pelve 2	Alinhada	EIAS e EIPS estão em alinhamento
	Antevertida	EIAS está abaixo da reta
	Retrovertida	EIAS está acima da reta
Tronco superior	Alinhado	C7 coincide com a reta
	Estendido	C7 está posterior à reta
	Flexionado	C7 está anterior à reta

Figura 10 - Instruções para Protocolo Proposto quanto às referências anatômicas

Com este protocolo é possível avaliar a posição da articulação do tornozelo, joelho, pelve quanto à antepulsão / retropulsão (aqui chamada de pelve 1) e anteversão / retroversão (aqui chamada de pelve 2) e tronco superior. Para definição do alinhamento articular, foram estabelecidos os seguintes critérios:

- Tornozelo: definido pelo alinhamento da fíbula no plano sagital. O protocolo analisa a posição da cabeça da fíbula com relação à reta perpendicular partindo do maléolo lateral em direção ascendente. As opções: i) Alinhado: coincide com a reta; ii) Flexionado: anterior à reta; e iii) Estendido: posterior à reta. (Figura 11)

Figura 11 - Protocolo Proposto. Tornozelo

- Joelho: definido pelo posicionamento do fêmur com relação à fíbula no plano sagital. O protocolo analisa a posição da cabeça da fíbula com relação à reta, que parte do maléolo lateral em direção ao trocânter maior. As opções: i) Alinhado: coincide com a reta; ii) Hiperextendido: posterior à reta; e iii) Semiflexionado: anterior à reta. (Figura 12)

Figura 12 - Protocolo Proposto. Joelho

- Pelve 1 (ante- retropulsão): definido pelo alinhamento da pelve com relação ao maléolo lateral no plano sagital. O protocolo analisa a posição do trocânter maior com relação à reta perpendicular partindo do maléolo lateral em direção ascendente. As opções: i) Alinhada: coincide com a reta; ii) Antepulsionada: anterior à reta; e iii) Retropulsionada: posterior à reta. (Figura 13)

Figura 13 - Protocolo Proposto. Pelve 1

- Pelve 2 (ante- retroversão): definido pelo alinhamento das EIAS no plano sagital. O protocolo analisa a posição da EIAS com relação a uma reta horizontal partindo da EIPS em direção anterior. As opções: i) Alinhada: coincide com a reta; ii) Antevertida: inferior à reta; e iii) Retrovertida: superior à reta. (Figura 14)

Figura 14 - Protocolo Proposto. Pelve 2

- Tronco Superior: definido pela posição do tronco com relação à pelve no plano sagital. O protocolo analisa a posição da C7 com relação a uma linha perpendicular partindo da EIPS em direção ascendente. As opções: i) Alinhado: coincide com a reta. ii) Flexionado: anterior à reta; e iii) Estendido: posterior à reta. (Figura 15)

Figura 15 - Protocolo Proposto. Tronco superior

Nota-se que para o traçado das retas a localização dos pontos foi considerada exatamente ao centro do marcador anatômico para diminuir ao máximo os erros e desvios. E para cada classificação, levando-se em consideração o tamanho dos marcadores anatômicos, não foi aceito que o marcador tangenciasse a reta; seria aceito se parte do marcador anatômico estivesse do outro lado da reta. (Figura 16)

Figura 16 - Instruções para Protocolo Proposto. Parâmetros gerais para avaliação

3.3.4 As avaliações clínica pelos grupos examinadores

Todos os indivíduos do GE realizaram as avaliações duas vezes para efeito de teste-reteste com intervalo de 15 dias, sendo a 1ª avaliação o teste e a 2ª avaliação o reteste. O reteste foi realizado a fim de se analisar a concordância intra-examinador. O documento era obrigatoriamente respondido no computador pessoal da autora deste trabalho e na presença dela.

3.3.5 Processamento dos dados do *software*

Para efeito de análise, os vídeos foram divididos em 3 partes: PI, MIA / MIP e retorno à PI. Os vídeos totalizavam 30 segundos cada, e cada segundo continha 60 frames. Para a análise cinemática os vídeos foram considerados em intervalos de um segundo correspondendo à:

- PI: uma média dos ângulos dos segmentos durante 1 segundo, correspondendo ao 1º segundo do vídeo (1 segundo equivale a 60 frames do vídeo);
- MIA e MIP: uma média dos ângulos dos segmentos durante 1 segundo, correspondendo do 11º ao 12º segundo da máxima inclinação anterior e posterior respectivamente.
- Retorno à PI: não foi utilizado.

Esses parâmetros foram escolhidos, pois um único frame poderia não representar adequadamente o momento escolhido.

Foi estabelecido um valor de tolerância de + 2º a - 2º graus para opção Alinhado (a), pois ângulos estimados visualmente não admitem exatidão, principalmente quando comparamos com a precisão de *softwares* de análise cinemática. Além disso, 2º representam uma média aproximada do diâmetro do marcador anatômico, considerando-se a tolerância de o marcador não cruzar a reta exatamente ao centro e sim aceitando se o marcador apresenta parte dele cruzando a reta.

Nota-se a superposição de valores para classificação Alinhado (a) para todos os segmentos (segundo valores provenientes do *software* e valores de tolerância de 2º estabelecidos pela autora do trabalho:

- Tornozelo: i) Alinhado = 90º, com tolerância de 88º a 92º; ii) Flexionado = <90º; e iii) Estendido = >90º. Para valores entre 88,1º a 89,9º as respostas Alinhado e Flexionado serão consideradas corretas. E valores entre 90,1º a 91,9º as respostas Alinhado e Estendido serão consideradas corretas.
- Joelho: i) Alinhado = 180º, com tolerância de 178º a 182º; ii) Hiperextendido = <180º; e iii) Semiflexionado = >180º. Para valores entre 178,1º a 179,9º as respostas Alinhado e Hiperextendido serão consideradas corretas. E valores entre 180,1º a 182º as respostas Alinhado e Semiflexionado serão consideradas corretas.
- Pelve 1: i) Alinhada = 180º, com tolerância de 178º a 182º; ii) Antepulsionada = <180º; e iii) Retropulsionada = >180º. Para valores entre 178,1º a 179,9º as respostas Alinhada e Antepulsionada serão consideradas corretas. E valores entre 180,1º a 182º as respostas Alinhada e Retropulsionada serão consideradas corretas.
- Pelve 2: i) Alinhada = 0º com tolerância de 2º a -2º; ii) Antevertida = >2º, e iii) Retrovertida = <-2º. Para valores entre 0,1º a 1,9º as respostas Alinhada e Antevertida serão consideradas corretas. E valores entre -1,9º a -0,1º as respostas Alinhada e Retropulsionada serão consideradas corretas.
- Tronco Superior: i) Alinhado = 90º, com tolerância de 88º a 92º; ii) Flexionado = <90º; e iii) Estendido = >90º. Para valores entre 88,1º a 89,9º as respostas Alinhado e Flexionado serão consideradas corretas. E valores entre 90,1º a 91,9º as respostas Alinhado e Flexionado serão consideradas corretas.

3.3.6 A pontuação do protocolo de avaliação do APA

Foi elaborado um sistema de pontuação para o protocolo proposto. As pontuações são dadas segundo os segmentos: tornozelo, joelho, pelve 1 para ante- retropulsão, pelve 2 para ante- retroversão e tronco superior e correspondem à combinação dos ângulos de cada segmento nas posições inicial com APA, isto é, a combinação de como determinado segmento corporal estava na posição inicial e como ficou na posição de máxima inclinação.

As respostas posturais esperadas para a MIA e MIP variam entre o modelo de corpo em pêndulo invertido e o modelo de corpo de duplo segmento. A variação angular dos 5 segmentos foi analisada através do *software* APAS e foram atribuídos escores máximos para tornozelo=32, joelho=12, pelve 1 em ante- retropulsão=18, pelve 2 em ante- retroversão=12 e tronco=26 com variação de 0 a 100.

O valor máximo era o que mais se aproximava ao modelo de pêndulo invertido (predominância em tornozelo) e o valor mínimo o que mais se aproximava do modelo duplo segmento (predominância em quadril). Pontuações próximas a 50 estavam relacionadas aos ajustes mistos. As tabelas 2, 3, 4, 5 e 6 apresentam as pontuações a partir de ângulos estabelecidos pelo *software* APAS e sua respectiva equivalência para o protocolo proposto.

Tabela 2 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Tornozelo
 (Variação da posição final com inicial para APA anterior segundo dados software APAS, pontuação proposta para software e respectiva pontuação para protocolo proposto. Equivalência com software APAS)

Software APAS						Protocolo clínico		
	Posição Inicial	Ângulo inicial	Descrição	Ângulo final	Pts	Posição Inicial	Posição Final	Pts
Tornozelo	Alinhado	89,1 a 90,9	Permaneceu alinhado variando em até 2°	89,1 a 90,9	10	Alinhado	90°	16
		89,1 a 90,9	Flexionou diminuindo o ângulo em até 5°	89 a 84,1	20		< que 90°	32
		89,1 a 90,9	Flexionou diminuindo o ângulo além de 5°	≤84	30			
		89,1 a 90,9	Estendeu aumentando o ângulo em até 5°	91 a 95,9	5		> que 90°	4
		89,1 a 90,9	Estendeu aumentando o ângulo além de 5°	≥96	0			
		≤89	Alcançou 90° aumentando pouco o ângulo em até 5°	89,1 a 90,9	5		90°	10
	Flexionado	≤89	Alcançou 90° aumentando muito o ângulo além de 5°	89,1 a 90,9	3	Flexionado	< que 90°	20
		≤89	Permaneceu <90° variou em até 5°	<89	15			
		≤89	Permaneceu <90° variou além de 5°	89 a 84,1	20		> que 90°	0
		≤89	Ficou >90° aumentando pouco o ângulo em até 5°	91 a 95,9	2			
		≤89	Ficou >90° aumentou muito o ângulo além de 5°	>95,9	0			
		≥91	Alcançou 90° diminuindo pouco o ângulo em até 5°	89,1 a 90,9	10	Estendido	90°	20
	Estendido	≥91	Alcançou 90° diminuindo muito o ângulo além de 5°	89,1 a 90,9	15		< que 90°	24
		≥91	Ficou <90° diminuindo pouco o ângulo em até 5°	89 a 84,1	20			
		≥91	Ficou <90° diminuindo muito o ângulo além de 5°	<89	25		> que 90°	0
		≥91	Permaneceu >90° o ângulo variou pouco em até 5°	>91 a 95,9	5			
		≥91	Permaneceu >90° o ângulo variou muito além de 5°	≥96	0			

Tabela 3 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Joelho
 (Variação da posição final com inicial para APA anterior segundo dados software APAS, pontuação proposta para software e respectiva pontuação para protocolo proposto. Equivalência com software APAS)

Software APAS						Protocolo clínico		
Segmento	Posição Inicial	Ângulo inicial	Descrição	Ângulo final	Pts	Posição Inicial	Posição Final	Pts
Joelho	Alinhado	179,1 a 180,9	Permaneceu alinhado variando em até 2°	179,1 a 180,9	12	Alinhado	Alinhado	12
		179,1 a 180,9	Hiperextendeu, diminuindo o ângulo em até 3°	179 a 176,1	2		Hiperextendido	4
		179,1 a 180,9	Hiperextendeu, diminuindo o ângulo além de 3°	≤176	0			
		179,1 a 180,9	Semiflexionou, aumentando o ângulo em até 3°	181 a 183,9	6		Semiflexionado	6
		179,1 a 180,9	Semiflexionou, aumentando o ângulo além de 3°	≥184	4			
	Hiperextendido	≤179	Alinhou, diminuindo o ângulo em até 3°	179,1 a 180,9	7	Hiperextendido	Alinhado	8
		≤179	Alinhou, diminuindo o ângulo além de 3°	179,1 a 180,9	8		Hiperextendido	2
		≤179	Permaneceu hiperextendido, variando em até 3°	1 79 a 176,1	2			
		≤179	Permaneceu hiperextendido, variando além de 3°	≤176	0			
		≤179	Semiflexionou, aumentando o ângulo em até 3°	18 1 a 183,9	5		Semiflexionado	6
		≤179	Semiflexionou, aumentando o ângulo além de 3°	≥184	3			
		≥181	Alinhou, aumentando o ângulo em até 3°	179,1 a 180,9	8		Semifletido	10
		≥181	Alinhou, aumentando o ângulo além de 3°	179,1 a 180,9	10			
		≥181	Hiperextendeu, aumentando o ângulo em até 3°	179 a 176,1	2		Hiperextendido	0
		≥181	Hiperextendeu, aumentando o ângulo além de 3°	≤176	0			
		≥181	Permaneceu semiflexionado, variando em até 3°	181 a 183,9	4			
	Semiflexionado	≥181	Permaneceu semiflexionado, variando além de 3°	≥184	6		Semiflexionado	6

Tabela 4 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Pelve 1
(Variação da posição final com inicial para APA anterior segundo dados software APAS, pontuação proposta para software e respectiva pontuação para protocolo proposto. Equivalência com software APAS)

Software APAS						Protocolo clínico		
Segmento	Posição Inicial	Ângulo inicial	Descrição	Ângulo final	Pts	Posição Inicial	Posição Final	Pts
Pelve 1 em ante-retropulsão	Alinhada	179,1 a 180,9	Permaneceu alinhada, variando em até 2°	179,1 a 180,9	8	Alinhada	Alinhado	8
		179,1 a 180,9	Antepulsionou, diminuindo o ângulo em até 7°	179 a 172,1	10		Antepulsionada	18
		179,1 a 180,9	Antepulsionou, diminuindo o ângulo além de 7°	≤172	14			
		179,1 a 180,9	Retropulsionou, aumentando o ângulo em até 7°	180,9 a 187,9	2		Retropulsionada	2
		179,1 a 180,9	Retropulsionou, aumentando o ângulo além de 7°	≥188	0			
		≤179	Alinhou a pelve, variando o ângulo em até 7°	179,1 a 180,9	6		Alinhado	4
		≤179	Alinhou a pelve, variando o ângulo além de 7°	179,1 a 180,9	4			
	Antepulsionada	≤179	Permaneceu antepulsionada, variando em até 7°	179 a 172,1	10	Antepulsionada	Antepulsionada	10
		≤179	Permaneceu antepulsionada, variando além de 7°	≤172	8			
		≤179	Retropulsionou, aumentando o ângulo em até 7°	180,9 a 187,9	2		Retropulsionada	0
		≤179	Retropulsionou, aumentando o ângulo além de 7°	≥188	0			
		≥181	Alinhou a pelve, diminuindo o ângulo em até 7°	179,1 a 180,9	8		Alinhado	8
		≥181	Alinhou a pelve, diminuindo o ângulo além de 7°	179,1 a 180,9	6			
	Retropulsionada	≥181	Antepulsionou, diminuindo o ângulo em até 7°	179 a 172,1	10	Retropulsionada	Antepulsionada	12
		≥181	Antepulsionou, diminuindo o ângulo além de 7°	≤172	12			
		≥181	Permaneceu retropulsionada, variando em até 7°	180,9 a 187,9	2		Retropulsionada	2
		≥181	Permaneceu retropulsionada, variando além de 7°	≥188	0			

Tabela 5 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Pelve 2

(Variação da posição final com inicial para APA anterior segundo dados software APAS, pontuação proposta para software e respectiva pontuação para protocolo proposto. Equivalência com software APAS)

Software APAS						Protocolo clínico		
Segmento	Posição Inicial	Ângulo inicial	Descrição	Ângulo final	Pts	Posição Inicial	Posição Final	Pts
Pelve 2 em ante-retroversão	Alinhada	-0,9 a +0,9	Permaneceu alinhada variando em até 2°	-0,9 a +0,9	4	Alinhada	Alinhada	4
		-0,9 a +0,9	Anteverteu, aumentando o ângulo em até 10°	≥1 a 9,9	14		Antevertida	12
		-0,9 a +0,9	Anteverteu, aumentando o ângulo além de 10°	>10	8			
		-0,9 a +0,9	Retroverteu, diminuindo o ângulo em até 10°	≤-1 a -9,9	2		Retrovertida	1
		-0,9 a +0,9	Retroverteu, diminuindo o ângulo além de 10°	<-10	0			
	Antevertida	≥1	Alinhou a pelve, variando o ângulo em até 10°	-0,9 a +0,9	2	Antevertida	Alinhada	2
		≥1	Alinhou a pelve, variando o ângulo além de 10°	-0,9 a +0,9	4		Antevertida	8
		≥1	Permaneceu antevertida, variando em até 10°	≥1 a 9,9	8			
		≥1	Permaneceu antevertida, variando além de 10°	>10	6			
		≥1	Retroverteu, diminuindo o ângulo em até 10°	≤-1 a -9,9	1		Retrovertida	0
		≥1	Retroverteu, diminuindo o ângulo além de 10°	<-10	0			
		≤-1	Alinhou a pelve, variando o ângulo em até 8°	-0,9 a +0,9	5	Retrovertida	Alinhada	5
		≤-1	Alinhou a pelve, variando o ângulo além de 8°	-0,9 a +0,9	4		Antevertida	8
		≤-1	Anteverteu, aumentando o ângulo em até 8°	≥1 a 9,9	6			
		≤-1	Anteverteu, aumentando o ângulo além de 8°	>10	8		Retrovertida	1
		≤-1	Permaneceu retrovertida, variando em até 8°	≤-1 a -9,9	2			
		≤-1	Permaneceu retrovertida, variando além de 8°	<-10	0			

Tabela 6 - Pontuação do Protocolo Proposto. Equivalência com software APAS. Segmento Tronco Superior
(Variação da posição final com inicial para APA anterior segundo dados software APAS, pontuação proposta para software e respectiva pontuação para protocolo proposto. Equivalência com software APAS)

Software APAS						Protocolo clínico		
Segmento	Posição Inicial	Ângulo inicial	Descrição	Ângulo final	Pts	Posição Inicial	Posição Final	Pts
Tronco Superior	Alinhado	89,1 a 90,9	Permaneceu alinhado variando o ângulo em até 2°	89,1 a 90,9	30	Alinhado	Alinhado	26
		89,1 a 90,9	Estendeu, aumentando o ângulo em até 10°	91 a 100,9	10		Estendido	10
		89,1 a 90,9	Estendeu, aumentando o ângulo além de 10°	≥101	6			
		89,1 a 90,9	Flexionou, diminuindo o ângulo em até 10°	89 a 79,1	4		Flexionado	4
		89,1 a 90,9	Flexionou, diminuindo o ângulo além de 10°	≤79	0			
	Estendido	≥91	Alinhou, diminuindo o ângulo em até 10°	89,1 a 90,9	16	Estendido	Alinhado	16
		≥91	Alinhou, diminuindo o ângulo além de 10°	89,1 a 90,9	10		Estendido	8
		≥91	Permaneceu estendido, variando em até 10°	91 a 100,9	8			
		≥91	Permaneceu estendido, variando além de 10°	≥101	6			
		≥91	Flexionou, diminuindo o ângulo em até 10°	89 a 79,1	2		Flexionado	0
		≥91	Flexionou, diminuindo o ângulo além de 10°	≤79	0			
	Flexionado	≤89	Alinhou, aumentando o ângulo em até 10°	89,1 a 90,9	20	Flexionado	Alinhado	20
		≤89	Alinhou, aumentando o ângulo além de 10°	89,1 a 90,9	16		Estendido	6
		≤89	Estendeu, aumentando o ângulo em até 10°	91 a 100,9	8			
		≤89	Estendeu, aumentando o ângulo além de 10°	≥101	6			
		≤89	Permaneceu flexionado, variando em até 10°	89 a 79,1	2		Flexionado	2
		≤89	Permaneceu flexionado, variando além de 10°	≤79	0			

Critérios para estabelecer a pontuação do protocolo proposto: Tornozelo e Tronco superior apresentam maior pontuação, pois o sujeito deveria apresentar maior movimento de tornozelo e menor no tronco, satisfazendo o modelo pêndulo invertido. Quanto maior movimentação no tornozelo e menor no tronco, maior pontuação; Pelve 1 em ante- retropulsão, Joelho e Pelve 2 em ante- retroversão apresentam pontuações menores, pois suas variações não representam diretamente o tipo de APA e por consequência influenciam indiretamente e em menor escala sua pontuação.

3.3.7 Esboço do programa para avaliação dos ajustes posturais

Com a finalidade de otimizar as avaliações feitas com o protocolo e torná-las viáveis sugere-se um programa de análise de vídeo para avaliar componentes dinâmicos. Inicialmente o usuário do programa seria solicitado determinar no vídeo os pontos anatômicos presentes no sujeito a ser avaliado e a ligação entre eles para que se formem os segmentos de interesse. Dessa forma o programa deverá realizar o rastreamento e análise dos marcadores anatômicos anexados ao corpo do sujeito no vídeo.

Após o rastreamento dos marcadores durante toda a sequência de vídeo, os critérios de pontuação deverão ser aplicados e será gerado um pequeno resumo indicando as médias dos ângulos inicial e final e a pontuação final. Um gráfico de dispersão apresentará a conclusão final estabelecida através da pontuação do sujeito avaliado, indicando qual tipo de APA o sujeito se enquadra (predomínio em tornozelo, quadril ou misto) (Figura 17), possibilitando ao usuário do programa uma melhor análise de desempenho apresentado.

Figura 17 – Pontuação do protocolo e gráfico de dispersão para o tipo de estratégia
Eixo x=sujeito; eixo y=pontos

3.4 Análise dos Dados

3.4.1 Concordância intra-examinador

Para análise da concordância intra-examinador foi utilizado o teste estatístico Kappa (valores de referência - Tabela 7), considerando-se um mesmo examinador e dois momentos distintos (teste e reteste), baseando-se no número de respostas concordantes, ou seja, no número de casos cujo resultado é o mesmo no teste e reteste. A escolha deste teste foi devido à natureza dos dados, pois estes são classificados como categóricos e não quantitativos.

Tabela 7 - Valores referência de Kappa para concordância [28]

Valores para Kappa	Interpretação
<0	No agreement
0-0.19	Poor agreement
0.20-0.39	Fair agreement
0.40-0.59	Moderate agreement
0.60-0.79	Substantial agreement
0.80-1.00	Almost perfect agreement

Esta medida de concordância tem como valor máximo 1, onde este representa total concordância; valores próximos a 1 representam forte concordância e valores próximos a zero representam concordância fraca. Valor mínimo (zero) representa total discordância ou foi exatamente a esperada pelo acaso. Além disso, existe a possibilidade de o valor ser negativo, significando que a concordância foi menor que o acaso. O teste Kappa foi utilizado quando as 3 opções disponíveis para cada segmento foram selecionadas pelo examinador, pelo menos uma vez.

Para uso deste trabalho, a tradução para a tabela foi feita da seguinte forma em relação à concordância: no agreement: ausência de; poor agreement: pobre; Fair agreement: fraca; moderate agreement: moderada; substantial agreement: substancial; e almost perfect agreement: quase perfeita.

3.4.2 Concordância inter-examinadores

Para análise de concordância inter-examinador o mesmo teste foi utilizado, sendo as respostas dos examinadores comparadas entre si dentro do respectivo grupo. A escolha do teste foi devido à natureza dos dados, sendo estes não paramétricos (não seguirem uma tendência normal) e independentes (categorizados segundo postos). Se as amostras comparadas forem iguais, a média dos postos correspondentes a cada amostra será aproximadamente igual. Senão, as amostras pertencerão provavelmente a populações diferentes, ou seja, serão diferentes entre si – não havendo concordância. Além disso, foi realizado um cálculo das porcentagens do número de respostas concordantes para cada classificação com relação ao total de avaliações realizadas para cada segmento.

3.4.3 Concordância com análise cinemática

Os dados cinemáticos do software foram comparados às respostas do GE1, GE2 e GE3. Para a comparação entre a avaliação dos examinadores com a análise cinemática extraída do *software* foi realizado um cálculo percentual de respostas concordantes no teste e reteste.

4. RESULTADOS

Os resultados serão apresentados em relação à concordância intra-, inter-examinadores e análise cinemática (concordância entre examinadores com dados do padrão ouro *software* APAS). Para concordância intra-examinador foram comparados os dados do teste com o reteste realizados pelo mesmo examinador. Para concordância inter-examinadores foram comparados os dados do teste e reteste entre examinadores de mesmo grupo. Para a concordância dos dados com dados do APAS foram comparados os dados do GE1, GE2 e GE3 com os dados cinemáticos do *software* APAS.

4.1 Concordância intra-examinador

Para concordância intra-examinador foram comparados os dados do teste com o reteste realizados pelo mesmo examinador (Figura 18). Os valores Kappa foram descritos, bem como o erro padrão e valor p (Tabela 8).

Figura 18 - Valores Kappa para concordância intra-examinador GE1, GE2 e GE3 e todos os segmentos. $p \leq 0,001$ * impossível calcular valor kappa devido à falta de uma das 3 opções disponíveis para o grupo GE3

Tabela 8 - Concordância intra-examinador. Valores kappa, erro padrão e p.

	grupo	valor kappa	erro padrão	p
Tornozelo	GE1	0.412	0.061	≤0,001
	GE2	0.467	0.071	≤0,001
	GE3	0.968	0.022	≤0,001
Joelho	GE1	0.624	0.053	≤0,001
	GE2	0.469	0.055	≤0,001
	GE3	0.98	0.014	≤0,001
Pelve 1	GE1	0.242	0.066	≤0,001
	GE2	0.55	0.058	≤0,001
	GE3	1	0	≤0,001
Pelve 2	GE1	0.201	0.058	≤0,001
	GE2	0.657	0.069	≤0,001
	GE3	*	*	*
Tronco Superior	GE1	0.516	0.056	≤0,001
	GE2	0.637	0.05	≤0,001
	GE3	0.982	0.013	≤0,001

* impossível calcular valor kappa devido à falta de uma das 3 opções disponíveis

4.2 Concordância inter-examinadores

Para concordância inter-examinadores foram comparados os dados das avaliações entre examinadores de mesmo grupo através do valor Kappa (Figura 19).

Figura 19 - Valores Kappa para concordância inter-examinadores GE1, GE2 e GE3 para todos os segmentos. $p \leq 0,001$

4.3 Concordância com análise cinemática (*Software APAS*)

Para a concordância com análise cinemática foram comparados os dados dos examinadores com os dados cinemáticos do *software APAS* (Figura 20). A seguir a frequência e respectiva porcentagem de concordância com análise cinemática, especificando concordância no teste e reteste com o *software* (Tabela 9). Duplo acerto significa concordância no teste e reteste; duplo erro significa discordância no teste e reteste; e, um erro / um acerto significa concordância no teste ou reteste.

Figura 20 - Concordância de GE1, GE2 e GE3 com análise cinemática.
(Duplo acerto = concordância do examinador no teste e reteste, duplo erro = discordância do examinador no teste e reteste e 1 acerto / 1 erro = concordância no teste ou reteste)

Tabela 9 - Concordância com dados cinemáticos (*software* APAS). Frequência e % de erros e acertos no teste e reteste.

Duplo acerto = concordância do examinador no teste e reteste, duplo erro = discordância do examinador no teste e reteste e 1 acerto / 1 erro = concordância no teste ou reteste)

segmento	grupo		frequência	%
Tornozelo	GE1	duplo erro	58	33,9
		1 acerto / 1 erro	39	22,8
		duplo acerto	74	43,3
	GE2	duplo erro	70	40,9
		1 acerto / 1 erro	25	14,6
		duplo acerto	76	44,4
	GE3	duplo erro	13	7,6
		1 acerto / 1 erro	2	1,2
		duplo acerto	156	91,2
Joelho	GE1	duplo erro	87	50,9
		1 acerto / 1 erro	34	19,9
		duplo acerto	50	29,2
	GE2	duplo erro	62	36,3
		1 acerto / 1 erro	45	26,3
		duplo acerto	64	37,4
	GE3	duplo erro	50	29,2
		1 acerto / 1 erro	2	1,2
		duplo acerto	119	69,6
Pelve 1	GE1	duplo erro	74	43,3
		1 acerto / 1 erro	66	38,6
		duplo acerto	31	18,1
	GE2	duplo erro	50	29,2
		1 acerto / 1 erro	41	24,0
		duplo acerto	80	46,8
	GE3	1 acerto / 1 erro	30	17,5
		duplo acerto	141	82,5
Pelve 2	GE1	duplo erro	84	49,1
		1 acerto / 1 erro	63	36,8
		duplo acerto	24	14,0
	GE2	duplo erro	7	4,1
		1 acerto / 1 erro	17	9,9
		duplo acerto	147	86,0
	GE3	duplo erro	17	9,9
		1 acerto / 1 erro	2	1,2
		duplo acerto	152	88,9
Tronco Superior	GE1	duplo erro	58	33,9
		1 acerto / 1 erro	39	22,8
		duplo acerto	74	43,3
	GE2	duplo erro	70	40,9
		1 acerto / 1 erro	25	14,6
		duplo acerto	76	44,4
	GE3	duplo erro	13	7,6
		1 acerto / 1 erro	2	1,2
		duplo acerto	156	91,2

5. DISCUSSÃO

Nosso objetivo foi desenvolver e validar um protocolo para avaliação do ajuste postural antecipatório, utilizando como tarefa a máxima inclinação anterior e posterior. Segundo Horak 1987 e Huxham 2001 esta é uma tarefa difícil devido aos movimentos complexos para se detectar através da simples observação justificando a literatura é escassa [20 e 21]. Além disso, o comportamento esperado não está claramente definido [20].

No alinhamento postural o fio de prumo deve coincidir com determinados pontos anatômicos [2]. Entretanto, para analisarmos os componentes dinâmicos do ajuste postural antecipatório, optamos por avaliar fotos da PI, MIA e MIP. Para a sistema de pontuação do protocolo foi considerada a posição obtida na MIA ou na PIA em relação à PI.

Nosso protocolo utiliza fotos captadas de vídeos de avaliação para ajuste postural antecipatório, em que sujeito realiza máxima inclinação anterior e posterior. A análise dos movimentos complexos durante o ajuste é facilitada porque a posição de cada segmento é avaliada isoladamente com o auxílio de retas de referencia horizontal ou vertical. Apesar de nosso protocolo utilizar fotos captadas de vídeo, esta avaliação não retrata um frame específico, como discutido por Duarte 2000 sobre a oscilação do corpo [5], porque foi validado através da análise cinemática durante um segundo na posição inicial, na máxima inclinação anterior ou posterior.

A análise de reprodutibilidade do protocolo proposto foi testada revelando alto nível de concordância intra- e inter-examinadores mesmo para profissionais sem especialização em postura. A avaliação sem utilização do protocolo proposto, feita por estimativa visual, apresentaram baixa concordância em consonância com a literatura [29 e 7].

Um sistema de pontuação do protocolo foi proposto com o objetivo de quantificar o ajuste postural antecipatório deixando possibilidades de continuidade em futuros estudos para melhor diagnóstico funcional e acompanhamento. Para estabelecer as pontuações foram rastreadas todas as possibilidades de variação inicial x final de cada segmento pela análise cinemática e fez-se uma equivalência para este protocolo.

5.1 Caracterização do Grupo Avaliado

Caracterização do GA quanto à idade, peso, altura e índice de massa corporal (Tabela 10)

Tabela 10 - Caracterização do GA quanto à idade, peso, altura e índice de massa corporal

Sujeito	Idade (anos)	Peso (Kg)	Altura (m)	IMC
1	23	52,2	1,64	19,41
2	31	63	1,64	23,42
3	25	54	1,62	20,58
4	24	50	1,57	20,28
5	21	56	1,64	20,82
6	20	49,5	1,62	18,86
7	25	47	1,48	21,46
8	27	50	1,65	18,37
9	23	50	1,57	20,28
10	23	59	1,71	20,18
11	20	60	1,68	21,26
12	22	55	1,58	22,03
13	22	50	1,62	19,05
14	21	45	1,57	18,26
15	20	49	1,63	18,44
16	18	52	1,67	18,65
17	20	57	1,67	20,44
18	25	60	1,64	22,31
19	25	50	1,64	18,59

5.2 Caracterização do Grupo Examinador

Caracterização do GE quanto ao tempo de formação, campo de atuação e tempo de Especialização em Postura quando aplicável (Tabela 11)

Tabela 11 - Caracterização do GE quanto ao tempo de formação, campo de atuação e tempo de Especialização em Postura quando aplicável

Grupo	Examinador	Tempo de formação (em anos)	Área de atuação e tempo de experiência em postura
GE1	1	3	Dermato-funcional
	2	7	Massoterapia e acupuntura
	3	4	Cardiorrespiratório
GE 2	1	7	Especial. Postura – 5 anos
	2	7	Especial. Postura – 5 anos
	3	4	Especial. Postura – 2 anos
GE 3	1	2	Musculoesquelética
	2	4	Musculoesquelética
	3	3	Musculoesquelética

5.3 Concordância intra-examinador

O grupo de examinadores especializados foi incluído nesta pesquisa para confirmação da literatura de que a experiência na avaliação melhora o índice de concordância intra- e inter-examinadores. Segundo Billis et al 2003, profissionais obtiveram melhores resultados quando comparados aos estudantes [30].

Nossos resultados revelaram concordância intra-examinador de GE2 acima de GE1 para todos os segmentos, com exceção do joelho. A concordância de GE3 foi acima de GE1 e GE2 para todos os segmentos, com concordância variando de perfeita a quase perfeita (Figura 18). No teste-reteste, nas situações onde o GE3 apresentava discordância, a discordância ficava entre respostas de posições próximas e não entre os extremos.

Examinadores do GE3 não classificaram nenhuma pelve como retrovertida, tornando assim impossível calcular valor kappa devido à falta de uma das 3 opções disponíveis.

O índice de concordância mostrou-se mais homogêneo com respostas menos discrepantes entre examinadores do GE2 do que GE1 (Figura 18). Essa situação é condizente com a prática clínica dos especialistas em postura (GE2) que adotam uma convenção para avaliar a retroversão e anteversão da pelve: a EIAS localizada um polegar abaixo da linha horizontal passando pela EIPS indica que a pelve está alinhada. A posição da EIAS acima ou abaixo desta referencia indica retroversão ou anteversão respectivamente. Na literatura não existe tal afirmação, no entanto sendo estabelecida uma convenção, a concordância aumenta.

5.4 Concordância inter-examinadores

GE1, GE2 e GE3 comportaram-se de forma esperada, com exceção do joelho, onde GE1 obteve concordância superior ao GE2. GE3 obteve concordância quase perfeita ou perfeita (Figura 19); e ao discordar no teste-reteste o erro estava próximo ao alinhamento.

O melhor índice foi a posição da pelve para ante- retroversão dentre examinadores do GE2 (Figura 19), por existir uma convenção entre os especialistas em postura ao avaliar esse segmento. Índices negativos, como para a ante-retropulsão da pelve e para o tronco refletem concordância pior que ao acaso.

Para GE1, baixas concordâncias ocorriam entre classificações menos freqüentes (tornozelo estendido, joelho semiflexionado, pelve retropulsionada, pelve retrovertida e tronco flexionado). Inversamente, as concordâncias elevadas para GE1 e GE2 estavam relacionadas principalmente a opções menos freqüentes.

Na tabela 12 seguem os valores percentuais das concordâncias entre os grupos examinadores, sendo especificados os segmentos e suas classificações (Tabela 12).

Tabela 12 - Concordância inter-examinadores em porcentagem entre os grupos GE1, GE2 e GE3 para cada classificação no teste e reteste
A concordância deve ser feita cruzando-se linha com coluna.

Segmento	Grupo	Classificação Teste	Classificação Reteste		
			Alinhado	Flexionado	Estendido
Tornozelo	GE1	Alinhado	82.10%	4.50%	13.40%
		Flexionado	32.60%	50.00%	17.40%
		Estendido	46.20%	15.40%	38.50%
	GE2	Alinhado	69.40%	27.80%	2.80%
		Flexionado	16.80%	82.40%	0.80%
		Estendido	50.00%	25.00%	25.00%
	GE3	Alinhado	100.00%	0.00%	0.00%
		Flexionado	1.50%	98.50%	0.00%
		Estendido	0.00%	0.00%	100.00%
Joelho	GE1	Alinhado	91.90%	4.70%	3.50%
		Hiperextensão	26.50%	69.40%	4.10%
		Semiflexionado	38.90%	5.60%	55.60%
	GE2	Alinhado	81.50%	9.20%	9.20%
		Hiperextensão	30.80%	67.70%	1.50%
		Semiflexionado	36.60%	24.40%	39.00%
	GE3	Alinhado	98.90%	1.10%	0.00%
		Hiperextensão	1.50%	98.50%	0.00%
		Semiflexionado	0.00%	0.00%	100.00%
Pelve 1	GE1	Alinhada	67.00%	21.30%	11.70%
		Antepulsionada	46.20%	52.30%	1.50%
		Retropulsionada	58.30%	16.70%	25.00%
	GE2	Alinhada	69.70%	21.20%	9.10%
		Antepulsionada	18.20%	76.40%	5.50%
		Retropulsionada	7.10%	17.90%	75.00%
	GE3	Alinhada	100.00%	0.00%	*
		Antepulsionada	0.00%	100.00%	*
Pelve 2	GE1	Alinhada	65.90%	17.10%	17.10%
		Antevertida	44.30%	39.30%	16.40%
		Retrovertida	35.70%	32.10%	32.10%
	GE2	Alinhada	61.90%	23.80%	14.30%
		Antevertida	3.60%	95.70%	0.70%
		Retrovertida	20.00%	20.00%	60.00%
	GE3	Alinhada	96.30%	0.00%	3.70%
		Antevertida	0.70%	99.30%	0.00%
Tronco Superior	GE1	Alinhado	76.40%	11.10%	12.50%
		Flexionado	37.70%	62.30%	0.00%
		Estendido	32.60%	2.20%	65.20%
	GE2	Alinhado	73.30%	11.10%	15.60%
		Flexionado	11.60%	83.70%	4.70%
		Estendido	20.00%	12.50%	67.50%
	GE3	Alinhado	100.00%	0.00%	0.00%
		Flexionado	1.30%	98.70%	0.00%
		Estendido	1.70%	0.00%	98.30%

* Classificação ausente entre GA segundo GE3.

5.5 Concordância com análise cinemática

GE3 obteve alto índice de concordância com o software sendo que, os menores índices de concordância para todos os segmentos concentraram-se nas medidas próximas ao alinhamento. Os grupos GE1 e GE2 comportaram-se de forma similar para os segmentos tornozelo, joelho e tronco, entretanto para o segmento pelve para ante- retroversão a porcentagem de duplo acerto (concordância de teste e reteste com o software) foi similar ao GE3 pela padronização existente ao avaliar tal segmento (Figura 20). Concordando com a literatura [7, 22 e 29], os dados deste trabalho apontam baixa confiabilidade para estimativa visual, tanto avaliações estáticas quanto dinâmicas.

5.7 Limitações do trabalho e propostas futuras

Segundo Horak 1987 ferramentas quantitativas para a avaliação dos ajustes posturais devem possibilitar análise da capacidade funcional, sensibilidade para detecção de anormalidades, confiabilidade e validade, e facilidade no uso e baixo custo.

Nosso protocolo proposto para avaliação do ajuste postural antecipatório foi desenhado para discriminar os movimentos dos segmentos corporais, tem confiabilidade e validade, é de uso relativamente fácil e de baixo custo. O protocolo apresenta inerente potencial clínico por ter sido validado com participantes sem patologias, cujas respostas são mais sutis e difíceis de se detectar. Entretanto, há necessidade de se verificar a sensibilidade para detecção de anormalidades em patologias. Para tal, está em andamento um projeto utilizando o protocolo em pacientes com artrite reumatóide e lombalgia crônica.

A praticidade deste protocolo também está sendo aprimorada. Um software está sendo desenvolvido onde os cálculos do sistema de pontuação serão incorporados à avaliação das fotos. Uma limitação importante deste trabalho para a qual estudos futuros necessitam ser desenhados é a ausência da avaliação da posição da cabeça e coluna cervical. O segmento cervico-cefálico tem grande importância na avaliação do ajuste postural, mas é de difícil avaliação pela falta de referências anatômicas confiáveis.

6. CONCLUSÃO

O protocolo proposto para avaliação do ajuste postural antecipatório apresentou concordância perfeita e quase perfeita para concordância intra- e inter-examinadores e alto índice de confiabilidade ao ser comparado com um padrão ouro de análise cinemática.

7. REFERÊNCIAS

1. Watson AWS, Mac Donncha C. A reliable technique for the assessment of posture: assessment criteria for aspects of posture. *J Sports Med Phys Fitness*. 2000;40:260-70
2. Kendall FP, McCreary EK, Provance PG, Rodgers MM, Romani WA. *Muscles – Testing and function with posture and pain*. 5th ed. Lippincott: Williams & Wilkins; 1995
3. Viton JM, Timsit M, Mesure S, Massion J, Franceschi JP, Delarque A. Asymmetry of gait initiation in patients with unilateral knee arthritis. *Arch Phys Med Rehabil*. 2000;81:194-200
4. Zonnemberg AJJ, Van Maanen CJ, Elvers JWH, Oostendorp RAB. Intra-Interrater reliability of measurements on body posture photographs. *Cranio*. 1996;14(4):326-31
5. Duarte M. Análise estabilométrica da postura ereta humana quasi-estática. [tese]. São Paulo (SP): Universidade de São Paulo; 2000
6. Comerlato T. Avaliação da postura corporal estática no plano frontal a partir de imagem digital [dissertação de mestrado]. Porto Alegre (RS): Universidade Federal do Rio Grande do Sul; 2007
7. Watkins MA, Riddle DL, Lamb RL, Personius WJ. Reliability of goniometric measurements and visual estimates of knee range of motion obtained in a clinical setting. *Phys Ther*. 1991;71(2):90-6. IN Poletto PR, Sato TO, Carnaz L, Lobo da Costa PH, Gil Coury HJC. Indivíduos que apresentam diferença estática entre os joelhos também apresentam diferença durante a marcha? *Rev. bras. fisioter*. São Carlos. 2007;11(1):43-8.
8. Nashner L, McCollum G. The organization of human postural movements: a formal basis and experimental synthesis. *Behav Brain Sci*. 1985;8:135–72
9. Runge CF, Shupert CL, Horak FB, Zajac FE. Ankle and hip postural strategies defined by joint torques. *Gait Posture*. 1999;10:161–70
10. McCollum G, Horak F, Nashner L. Parsimony in neural calculations for postural movements. In: Bloedel J, Dichgans J, Precht W, editors. *Cerebellar Functions*. New York: Springer–Verlag, 1984:52–66
11. Frank JS & Earl M. Coordination of posture and movement, *Phys Ther*. 1990;70(12):855-63

12. Massion J. Postural control systems in developmental perspective. *Neuroscience and Biobehavioral Reviews*. 1998;22(4):465–72
13. Li X, Aruin AS. The effect of changes in body mass distribution on feed-forward postural control: a pilot study. *Engineering in Medicine and Biology 27th Annual Conference Shanghai, China, 2005 September*
14. Laessle U, Voigt M. Anticipatory postural control strategies related to predictive perturbations. *Gait Posture*. 2007; 28 (2008) 62-8
15. McClure PW, Esola M, Schreier R, Siegler S. Kinematic analysis of lumbar and hip motion while rising from a forward, flexed position in patients with and without a history of low back pain. *Spine*. 1997;22(5):552-8
16. Mok NW, Brauer SG, Hodges PW. Hip strategy for balance control in quiet standing is reduced in people with low back pain. *Spine*. 2004;29(6):E107-12
17. Mok NW, Brauer SG, Hodges PW. Failure to use movement in postural strategies leads to increased spinal displacement in low back pain. *Spine*. 2007;32(19):E537-43
18. Van Wingerden JP, Vleeming A, Ronchetti I. Differences in standing and forward bending in women with chronic low back pain or pelvic girdle pain: indications for physical compensation strategies. *Spine*. 2009;33(11):E334-41
19. Hodges PW, Richardson CA. Inefficient muscular stabilization of the lumbar spine associated with low back pain. A motor control evaluation of transversus abdominis. *Spine*. 1996;21(22):2640-50
20. Horak FB. Clinical measurement of postural control in adults. *Phys Ther*. 1987;67(12):1881–5
21. Huxham FE, Goldie PA, Patla AE. Theoretical considerations in balance assessment. *Aust J Physiother*. 2001;47:89-100
22. Billis EV, Foster NE, Wright CC. Reproducibility and repeatability: errors of three groups of physiotherapists in locating spinal levels by palpation. *Manual Ther*. 2003; 8(4):223-32
23. Duncan PW, Weiner DK, Chandler J, Studenski S. Functional reach: a new clinical measure of balance. *J Gerontol* 1990;45:M192–7
24. Jonsson E, Henriksson M, Hirschfeld H. Does the functional reach test reflect stability limits in elderly people? *J Rehabil Med* 2003;35:26–30.

25. Brusse KJ, Zimdars S, Zalewski KR, Steffen TM. Testing functional performance in people with Parkinson disease. *Phys Ther* 2005;85:134–41.
26. Chien-Fen Liao b, Sang-I. Lin. Effects of different movement strategies on forward reach distance Gait Posture. 2007, doi:10.1016/j.gaitpost.2007.09.009 Article in Press
27. Braz RG, Del Castilo Goes FP, Carvalho GA. Confiabilidade e validade de medidas angulares por meio do software para avaliação postural. *Fisioter. Mov.* 2008;21(3):117-126
28. Landis JR, Koch GG. The measurement of observer agreement for categorical data. *Biometrics* 1977; 33: 159-174
29. Tomsich DA, Nitz AJ, Threlkeld AJ, Shapiro R. Patellofemoral alignment: reliability. *J Orthop Sports Phys Ther.* 1996; 23(3):200-8
30. Billis EV, Foster NE, Wright CC. Reproducibility and repeatability: errors of three groups of physiotherapists in locating spinal levels by palpation. *Manual Ther.* 2003; 8(4):223-32

8. ANEXOS

Anexo 1 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 1 do GE1

(Concordância entre examinador 1 do GE1 com *software* APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo *software* APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

Suj.	Posição	Tornozelo			Joelho			Pelve 1			Pelve 2			Tronco		
		APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Estend	-1.07	176.707	Semiflex	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Flex	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Alinh	22.238	81.997	Estend	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Retrov	12.257	93.801	Alinh	3.801
2	PI	87.264	Estend	-2.735	173.232	Hiperext	6.767	170.496	Antep	9.503	4.254	Retrov	4.254	89.796	Flex	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Alinh	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Antep	4.48	-2.476	Antev	-2.476	93.014	Flex	3.014
3	PI	86.44	Estend	-3.559	177.824	Hiperext	2.175	174.265	Antep	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Hiperext	0.894	168.429	Alinh	11.57	14.26	Retrov	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Alinh	-3.477	183.422	Semiflex	3.422	179.944	Retrov	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Flex	2.129
4	PI	86.88	Estend	-3.119	174.283	Hiperext	5.716	171.164	Alinh	8.835	7.815	Alinh	7.815	91.457	Flex	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Retrov	16.651	15.808	Alinh	15.808	87.279	Alinh	-2.72
	MIP	87.778	Alinh	-2.221	176.905	Alinh	3.094	174.683	Antep	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Flex	11.133
5	PI	82.952	Estend	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Alinh	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Flex	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Hiperext	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Alinh	-6.14	186.249	Alinh	6.249	180.108	Antep	-0.108	-1.098	Antev	-1.098	93.627	Flex	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Semiflex	0.78	174.936	Alinh	5.063	14.888	Retrov	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Alinh	0.821	168.26	Retrov	11.739	23.469	Retrov	23.469	81.509	Estend	-8.49
	MIP	85.812	Alinh	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Antep	2.604	10.745	Alinh	10.745	94.614	Alinh	4.614
7	PI	87.954	Alinh	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Alinh	5.464	8.212	Retrov	8.212	86.138	Flex	-3.861
	MIA	83.312	Alinh	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Retrov	14.669	17.34	Retrov	17.34	81.122	Alinh	-8.887
	MIP	88.05	Alinh	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Alinh	3.388	97.233	Flex	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Retrov	1.484	10.191	Retrov	10.191	89.827	Estend	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Alinh	2.032	170.945	Retrov	9.054	19.051	Retrov	19.051	82.98	Estend	-7.19

	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Alinh	4.779	181.37	Alinh	-1.37	6.283	Alinh	6.283	95.472	Estend	5.472
9	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Antep	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Flex	1.207
	MIA	87.052	Flex	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Flex	-12.913
	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Alinh	3.851	2.216	Antev	2.216	95.967	Flex	5.967
10	PI	84.509	Alinh	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Alinh	3.258	12.533	Alinh	12.533	87.388	Alinh	-2.611
	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Hiperext	1.072	169.675	Alinh	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Alinh	-12.896
	MIP	83.962	Alinh	-6.037	188.71	Alinh	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Alinh	3.964	93.083	Estend	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Hiperext	2.596	172.008	Alinh	7.911	7.383	Alinh	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Alinh	13.654	15.762	Retrov	15.762	84.298	Alinh	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Alinh	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Alinh	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Alinh	5.565	175.126	Antep	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Flex	-4.405
	MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Retrov	14.438	75.409	Flex	-14.59
	MIP	88.775	Alinh	-1.224	177.604	Alinh	2.395	181.17	Retrov	-1.17	-2.346	Antev	-2.346	92.836	Flex	2.836
13	PI	83.443	Alinh	-6.556	180.743	Hiperext	2.743	176.187	Alinh	3.812	6.007	Alinh	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Hiperext	0.04	168.715	Alinh	11.284	16.629	Alinh	16.629	75.489	Alinh	-14.51
	MIP	84.763	Estend	-5.236	183.415	Alinh	3.415	178.179	Alinh	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Flex	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Alinh	9.888	170.423	Alinh	9.576	11.807	Alinh	11.807	88.129	Alinh	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Alinh	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Alinh	-10.562
	MIP	93.831	Alinh	3.831	169.893	Alinh	10.106	173.725	Alinh	6.274	9.134	Alinh	9.134	92.551	Alinh	2.551
15	PI	85.542	Alinh	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Alinh	8.76	8.443	Alinh	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Alinh	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Flex	-7.754
	MIP	86.867	Alinh	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Alinh	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Alinh	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Antep	4.635	2.66	Alinh	2.66	90.961	Alinh	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Alinh	13.284	15.178	Alinh	15.178	77.615	Alinh	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Hiperext	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Antev	-3.062	100.657	Alinh	10.657
17	PI	85.235	Alinh	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Alinh	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Alinh	-0.003
	MIA	78.613	Flex	-11.386	179.279	Hiperext	0.72	167.893	Alinh	12.106	18.242	Alinh	18.242	87.06	Flex	-2.939
	MIP	86.526	Alinh	-3.473	183.297	Alinh	3.297	179.824	Alinh	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Alinh	3.999
18	PI	89.365	Flex	-0.634	170.611	Alinh	9.388	169.976	Alinh	10.023	15.826	Alinh	15.826	86.519	Alinh	-3.48
	MIA	88.795	Flex	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Antep	12.988	26.794	Retrov	26.794	65.657	Estend	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Alinh	4.728	174.504	Alinh	5.495	9.953	Alinh	9.953	100.941	Alinh	10.941
19	PI	87.842	Alinh	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Alinh	4.818	19.732	Alinh	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Alinh	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Retrov	35.339	73.6	Estend	-16.99
	MIP	87.964	Alinh	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Alinh	1.497	14.901	Alinh	14.901	98.735	Alinh	8.735

Anexo 2 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 2 do GE1

(Concordância entre examinador 2 do GE1 com APAS. Suj=Sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

		Tornozelo			Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco		
Suj	Posição	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Flex	-1.07	176.707	Semiflex	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Flex	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Alinh	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Antev	22.238	81.997	Flex	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Semiflex	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Antev	12.257	93.801	Alinh	3.801
2	PI	87.264	Alinh	-2.735	173.232	Hiperext	6.767	170.496	Alinh	9.503	4.254	Alinh	4.254	89.796	Flex	-0.203
	MIA	82.421	Alinh	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Alinh	15.798	11.553	Retrov	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Alinh	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Retrov	4.48	-2.476	Retrov	-2.476	93.014	Alinh	3.014
3	PI	86.44	Alinh	-3.559	177.824	Alinh	2.175	174.265	Alinh	5.734	8.242	Alinh	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Estend	-10.675	179.105	Alinh	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Alinh	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Alinh	-3.477	183.422	Alinh	3.422	179.944	Alinh	0.055	5.118	Alinh	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Alinh	-3.119	174.283	Alinh	5.716	171.164	Antep	8.835	7.815	Alinh	7.815	91.457	Flex	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Antev	15.808	87.279	Flex	-2.72
	MIP	87.778	Alinh	-2.221	176.905	Alinh	3.094	174.683	Alinh	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Alinh	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Alinh	3.701	3.802	Alinh	3.802	89.924	Alinh	-0.07
	MIA	78.489	Alinh	-11.51	180.888	Semiflex	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Alinh	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Alinh	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Alinh	3.627
6	PI	85.717	Alinh	-4.283	179.219	Semiflex	0.78	174.936	Antep	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Alinh	-10.918	179.178	Semiflex	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Flex	-8.49
	MIP	85.812	Alinh	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Alinh	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Estend	4.614
7	PI	87.954	Alinh	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Alinh	5.464	8.212	Alinh	8.212	86.138	Alinh	-3.861
	MIA	83.312	Alinh	-6.687	172.018	Semiflex	7.981	165.33	Alinh	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Flex	-8.887
	MIP	88.05	Alinh	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Alinh	5.118	3.388	Alinh	3.388	97.233	Estend	7.233
8	PI	83.053	Alinh	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Alinh	1.484	10.191	Alinh	10.191	89.827	Alinh	-0.172
	MIA	78.913	Alinh	-11.086	182.032	Semiflex	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Alinh	-3.408	184.779	Alinh	4.779	181.37	Alinh	-1.37	6.283	Alinh	6.283	95.472	Estend	5.472
9	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Alinh	13.165	169.81	Alinh	10.189	5.689	Alinh	5.689	91.207	Alinh	1.207
	MIA	87.052	Alinh	-2.947	164.9	Semiflex	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Flex	-12.913

	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Alinh	3.851	2.216	Alinh	2.216	95.967	Estend	5.967
10	PI	84.509	Alinh	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Antep	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Alinh	-2.611
	MIA	80.747	Alinh	-9.254	181.072	Semiflex	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Flex	-12.896
	MIP	83.962	Alinh	-6.037	188.71	Alinh	8.71	182.672	Alinh	-2.672	3.964	Alinh	3.964	93.083	Alinh	3.083
11	PI	84.865	Alinh	-5.314	177.403	Semiflex	2.596	172.008	Alinh	7.911	7.383	Alinh	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Alinh	-7.694	174.04	Semiflex	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Flex	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Alinh	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Estend	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Alinh	5.565	175.126	Alinh	4.873	6.392	Alinh	6.392	85.594	Flex	-4.405
	MIA	84.963	Alinh	-5.036	174.529	Semiflex	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Flex	-14.59
	MIP	88.775	Alinh	-1.224	177.604	Alinh	2.395	181.17	Retrop	-1.17	-2.346	Alinh	-2.346	92.836	Estend	2.836
13	PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Semiflex	2.743	176.187	Alinh	3.812	6.007	Alinh	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Semiflex	0.04	168.715	Antep	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Flex	-14.51
	MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Alinh	3.415	178.179	Alinh	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Estend	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Alinh	9.888	170.423	Antep	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Semiflex	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Flex	-10.562
	MIP	93.831	Alinh	3.831	169.893	Alinh	10.106	173.725	Antep	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Estend	2.551
15	PI	85.542	Alinh	-4.457	175.696	Semiflex	4.303	171.239	Antep	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Estend	-0.505
	MIA	80.742	Alinh	-9.257	174.357	Semiflex	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Flex	-7.754
	MIP	86.867	Alinh	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Antep	2.338	3.968	Alinh	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Alinh	-1.049	176.414	Semiflex	3.585	175.364	Alinh	4.635	2.66	Alinh	2.66	90.961	Alinh	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Semiflex	8.44	166.714	Antep	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Flex	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Alinhado	1.66	177.364	Retrop	2.365	-3.062	Retrov	-3.062	100.657	Estend	10.657
17	PI	85.235	Alinh	-4.764	178.941	Semiflex	1.058	176.294	Antep	3.706	11.758	Alinh	11.758	89.996	Estend	-0.003
	MIA	78.613	Alinh	-11.386	179.279	Semiflexion	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Alinh	-2.939
	MIP	86.526	Alinh	-3.473	183.297	Alinhado	3.297	179.824	Alinh	0.175	8.196	Alinh	8.196	93.999	Alinh	3.999
18	PI	89.365	Flex	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Antep	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Flex	-3.48
	MIA	88.795	Flex	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Antep	12.988	26.794	Antev	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Alinh	4.728	174.504	Antep	5.495	9.953	Alinh	9.953	100.941	Estend	10.941
19	PI	87.842	Alinh	-2.157	177.339	Semiflex	2.66	175.181	Antep	4.818	19.732	Alinh	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Alinh	-3.742	171.42	Semiflex	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Alinh	35.339	73.6	Alinh	-16.99
	MIP	87.964	Alinh	-2.035	179.462	alinh	0.537	178.502	Alinh	1.497	14.901	Alinh	14.901	98.735	estendido	8.735

Anexo 3 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 3 do GE1

(Concordância entre examinador 3 do GE1 com APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

		Tornozelo			Joelho			Pelve 1			Pelve 2			Tronco		
Suj	Posição	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Estend	-1.07	176.707	Alinh	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Alinh	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Alinh	9.859	22.238	Alinh	22.238	81.997	Estend	-8.205
	MIP	90.153	Estend	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Alinh	12.257	93.801	Estend	3.801
2	PI	87.264	Estend	-2.735	173.232	Alinh	6.767	170.496	Alinh	9.503	4.254	Retrov	4.254	89.796	Alinh	-0.203
	MIA	82.421	Alinh	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Retrov	11.553	85.435	Alinh	-4.564
	MIP	87.745	Estend	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Antep	4.48	-2.476	Retrov	-2.476	93.014	Estend	3.014
3	PI	86.44	Alinh	-3.559	177.824	Alinh	2.175	174.265	Alinh	5.734	8.242	Alinh	8.242	86.194	Estend	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Hiperext	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Estend	-8.492
	MIP	86.522	Alinh	-3.477	183.422	Semiflex	3.422	179.944	Antep	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Alinh	-3.119	174.283	Alinh	5.716	171.164	Alinh	8.835	7.815	Alinh	7.815	91.457	Alinh	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Antev	15.808	87.279	Alinh	-2.72
	MIP	87.778	Alinh	-2.221	176.905	Alinh	3.094	174.683	Retrop	5.316	4.688	Alinh	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Alinh	-7.047	183.345	Alinh	3.345	176.298	Antep	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Alinh	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Hiperext	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Alinh	-7.064
	MIP	83.859	Alinh	-6.14	186.249	Alinh	6.249	180.108	Antep	-0.108	-1.098	Antev	-1.098	93.627	Estend	3.627
6	PI	85.717	Alinh	-4.283	179.219	Alinh	0.78	174.936	Alinh	5.063	14.888	Alinh	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Alinh	0.821	168.26	Alinh	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Alinh	-8.49
	MIP	85.812	Alinh	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Alinh	2.604	10.745	Retrov	10.745	94.614	Estend	4.614
7	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Alinh	5.464	8.212	Alinh	8.212	86.138	Alinh	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Alinh	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Alinh	-8.887
	MIP	88.05	Flex	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Alinh	3.388	97.233	Estend	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Alinh	1.484	10.191	Alinh	10.191	89.827	Alinh	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Alinh	2.032	170.945	Alinh	9.054	19.051	Alinh	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Alinh	-3.408	184.779	Alinh	4.779	181.37	Alinh	-1.37	6.283	Alinh	6.283	95.472	Estend	5.472
9	PI	92.975	Estend	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Alinh	10.189	5.689	Alinh	5.689	91.207	Alinh	1.207
	MIA	87.052	Alinh	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Alinh	18.047	18.213	Alinh	18.213	77.086	Alinh	-12.913

10	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Antep	3.851	2.216	Retrov	2.216	95.967	Estend	5.967
	PI	84.509	Alinh	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Alinh	3.258	12.533	Alinh	12.533	87.388	Alinh	-2.611
	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Hiperext	1.072	169.675	Alinh	10.324	22.211	Alinh	22.211	77.103	Alinh	-12.896
	MIP	83.962	Alinh	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Estend	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Alinh	2.596	172.008	Alinh	7.911	7.383	Retrov	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Alinh	13.654	15.762	Retrov	15.762	84.298	Alinh	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Alinh	2.92	1.835	Retrov	1.835	98.989	Alinh	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Hiperext	5.565	175.126	Alinh	4.873	6.392	Alinh	6.392	85.594	Alinh	-4.405
	MIA	84.963	Alinh	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Alinh	10.505	14.438	Alinh	14.438	75.409	Alinh	-14.59
	MIP	88.775	Alinh	-1.224	177.604	Alinh	2.395	181.17	Antep	-1.17	-2.346	Antev	-2.346	92.836	Estend	2.836
13	PI	83.443	Alinh	-6.556	180.743	Alinh	2.743	176.187	Alinh	3.812	6.007	Alinh	6.007	87.212	Alinh	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Hiperext	0.04	168.715	Alinh	11.284	16.629	Alinh	16.629	75.489	Alinh	-14.51
	MIP	84.763	Estend	-5.236	183.415	Alinh	3.415	178.179	Alinh	1.82	0.999	Retrov	0.999	96.309	Estend	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Alinh	9.888	170.423	Alinh	9.576	11.807	Retrov	11.807	88.129	Alinh	-1.87
	MIA	86.976	Alinh	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Alinh	15.751	21.41	Alinh	21.41	79.437	Alinh	-10.562
	MIP	93.831	Alinh	3.831	169.893	Alinh	10.106	173.725	Alinh	6.274	9.134	Alinh	9.134	92.551	Alinh	2.551
15	PI	85.542	Alinh	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Alinh	8.76	8.443	Alinh	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Alinh	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Alinh	14.899	16.403	Alinh	16.403	82.245	Estend	-7.754
	MIP	86.867	Alinh	-3.132	179.206	Semiflex	0.793	177.661	Alinh	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Alinh	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Alinh	4.635	2.66	Alinh	2.66	90.961	Alinh	0.961
	MIA	85.155	Alinh	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Alinh	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Flex	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Semiflex	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Antev	-3.062	100.657	Estend	10.657
17	PI	85.235	Alinh	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Alinh	3.706	11.758	Alinh	11.758	89.996	Alinh	-0.003
	MIA	78.613	Flex	-11.386	179.279	Hiperext	0.72	167.893	Alinh	12.106	18.242	Alinh	18.242	87.06	Estend	-2.939
	MIP	86.526	Alinh	-3.473	183.297	Alinh	3.297	179.824	Alinh	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Estend	3.999
18	PI	89.365	Alinh	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Alinh	10.023	15.826	Alinh	15.826	86.519	Flex	-3.48
	MIA	88.795	Alinh	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Retrop	12.988	26.794	Retrov	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Alinh	4.728	174.504	Alinh	5.495	9.953	Alinh	9.953	100.941	Alinh	10.941
19	PI	87.842	Alinh	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Alinh	4.818	19.732	Alinh	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Alinh	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Alinh	12.321	35.339	Retrov	35.339	73.6	Alinh	-16.99
	MIP	87.964	Alinh	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Alinh	1.497	14.901	Alinh	14.901	98.735	Estend	8.735

Anexo 4 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 1 do GE2

(Concordância entre examinador 1 do GE2 com APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

Suj	Posição	Tornozelo			Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco		
		APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Flex	-1.07	176.707	Hiperext	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Alinh	0.856
	MIA	85.408	< 90º	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Retrop	9.859	22.238	Alinh	22.238	81.997	Estend	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Alinh	12.257	93.801	Flex	3.801
2	PI	87.264	Flex	-2.735	173.232	Hiperext	6.767	170.496	Antep	9.503	4.254	Alinh	4.254	89.796	Estend	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Estend	-4.564
	MIP	87.745	Flex	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Antep	4.48	-2.476	Retrov	-2.476	93.014	Estend	3.014
3	PI	86.44	Flex	-3.559	177.824	Hiperext	2.175	174.265	Antep	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Alinh	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Hiperext	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Estend	-8.492
	MIP	86.522	Alinh	-3.477	183.422	Alinh	3.422	179.944	Antep	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Flex	-3.119	174.283	Alinh	5.716	171.164	Antep	8.835	7.815	Antev	7.815	91.457	Alinh	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Alinh	16.651	15.808	Alinh	15.808	87.279	Estend	-2.72
	MIP	87.778	Alinh	-2.221	176.905	Semiflex	3.094	174.683	Antep	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Flex	-7.047	183.345	Alinh	3.345	176.298	Antep	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Estend	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Hiperext	0.888	167.6	Alinh	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Flex	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Antep	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Estend	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Alinh	0.78	174.936	Antep	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Alinh	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Estend	-8.49
	MIP	85.812	Alinh	-4.187	181.583	Semiflex	1.583	177.395	Alinh	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Flex	4.614
7	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Antep	5.464	8.212	Antev	8.212	86.138	Alinh	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Alinh	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Estend	-8.887
	MIP	88.05	Alinh	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Antev	3.388	97.233	Flex	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Alinh	1.484	10.191	Antev	10.191	89.827	Alinh	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Hiperext	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Estend	-7.19
	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Alinh	4.779	181.37	Alinh	-1.37	6.283	Antev	6.283	95.472	Flex	5.472

9	PI	92.975	Flex	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Antep	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Estend	1.207
	MIA	87.052	Alinh	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Alinh	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Alinh	-12.913
	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Antep	3.851	2.216	Alinh	2.216	95.967	Flex	5.967
10	PI	84.509	Flex	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Antep	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Estend	-2.611
	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Alinh	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Alinh	-12.896
	MIP	83.962	Flex	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Flex	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Hiperext	2.596	172.008	Antep	7.911	7.383	Antev	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Estend	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Alinh	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Flex	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Hiperext	5.565	175.126	Antep	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Alinh	-4.405
	MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Alinh	-14.59
	MIP	88.775	Alinh	-1.224	177.604	Alinh	2.395	181.17	Retrop	-1.17	-2.346	Retrov	-2.346	92.836	Flex	2.836
13	PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Hiperext	2.743	176.187	Antep	3.812	6.007	Antev	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Hiperext	0.04	168.715	Antep	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Estend	-14.51
	MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Alinh	3.415	178.179	Alinh	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Flex	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Hiperext	9.888	170.423	Antep	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Alinh	-10.562
	MIP	93.831	Estend	3.831	169.893	Hiperext	10.106	173.725	Antep	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Flex	2.551
15	PI	85.542	Flex	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Antep	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Alinh	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Estend	-7.754
	MIP	86.867	Flex	-3.132	179.206	Semiflex	0.793	177.661	Antep	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Alinh	2.63
16	PI	88.95	Flex	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Antep	4.635	2.66	Antev	2.66	90.961	Alinh	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Antep	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Alinh	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Alinh	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Retrov	-3.062	100.657	Flex	10.657
17	PI	85.235	Flex	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Antep	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Alinh	-0.003
	MIA	78.613	Flex	-11.386	179.279	Alinh	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Estend	-2.939
	MIP	86.526	Flex	-3.473	183.297	Alinh	3.297	179.824	Antep	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Alinh	3.999
18	PI	89.365	Flex	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Antep	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Alinh	-3.48
	MIA	88.795	Flex	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Alinh	12.988	26.794	Alinh	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Alinh	4.728	174.504	Antep	5.495	9.953	Antev	9.953	100.941	Estend	10.941
19	PI	87.842	Flex	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Antep	4.818	19.732	Antev	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Flex	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Antev	35.339	73.6	Estend	-16.99
	MIP	87.964	Alinh	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Antep	1.497	14.901	Antev	14.901	98.735	Flex	8.735

Anexo 5 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 2 do GE2

(Concordância entre examinador 2 do GE2 com APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

		Tornozelo			Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco		
Suj	Posição	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Estend	-1.07	176.707	Alinh	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Alinh	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Alinh	22.238	81.997	Flex	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Alinh	12.257	93.801	Estend	3.801
2	PI	87.264	Flex	-2.735	173.232	Semiflex	6.767	170.496	Antep	9.503	4.254	Alinh	4.254	89.796	Estend	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Semiflex	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Flex	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Alinh	4.48	-2.476	Retrov	-2.476	93.014	Alinh	3.014
3	PI	86.44	Flex	-3.559	177.824	Semiflex	2.175	174.265	Antep	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Semiflex	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Alinh	-3.477	183.422	Alinh	3.422	179.944	Antep	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Flex	-3.119	174.283	Semiflex	5.716	171.164	Antep	8.835	7.815	Antev	7.815	91.457	Alinh	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Alinh	15.808	87.279	Flex	-2.72
	MIP	87.778	Alinh	-2.221	176.905	Semiflex	3.094	174.683	Antep	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Flex	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Antep	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Flex	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Hiperext	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Flex	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Alinh	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Estend	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Semiflex	0.78	174.936	Antep	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Flex	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Hiperext	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Flex	-8.49
	MIP	85.812	Alinh	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Antep	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Estend	4.614
7	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Semiflex	3.419	174.535	Antep	5.464	8.212	Antev	8.212	86.138	Flex	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Antep	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Flex	-8.887
	MIP	88.05	Alinh	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Antev	3.388	97.233	Estend	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Antep	1.484	10.191	Antev	10.191	89.827	Flex	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Hiperext	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Alinh	4.779	181.37	Antep	-1.37	6.283	Antev	6.283	95.472	Estend	5.472
9	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Antep	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Alinh	1.207
	MIA	87.052	Flex	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Flex	-12.913

10	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Semiflex	4.415	176.148	Retrop	3.851	2.216	Alinh	2.216	95.967	Estend	5.967
	PI	84.509	Alinh	-5.49	182.232	Semiflex	2.232	176.741	Antep	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Flex	-2.611
	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Hiperext	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Flex	-12.896
	MIP	83.962	Flex	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Estend	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Semiflex	2.596	172.008	Antep	7.911	7.383	Antev	7.383	92.165	Flex	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Flex	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Antep	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Estend	8.989
12	PI	90.691	Flex	0.691	174.434	Semiflex	5.565	175.126	Antep	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Flex	-4.405
	MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Flex	-14.59
	MIP	88.775	Alinh	-1.224	177.604	Semiflex	2.395	181.17	Retrop	-1.17	-2.346	Retrov	-2.346	92.836	Estend	2.836
13	PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Semiflex	2.743	176.187	Antep	3.812	6.007	Antev	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Hiperext	0.04	168.715	Retrop	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Flex	-14.51
	MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Alinh	3.415	178.179	Alinh	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Estend	6.309
14	PI	90.312	Flex	0.312	170.111	Hiperext	9.888	170.423	Antep	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Flex	-10.562
	MIP	93.831	Alinh	3.831	169.893	Alinh	10.106	173.725	Antep	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Estend	2.551
15	PI	85.542	Flex	-4.457	175.696	Semiflex	4.303	171.239	Antep	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Flex	-7.754
	MIP	86.867	Alinh	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Retrop	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Flex	-1.049	176.414	Semiflex	3.585	175.364	Antep	4.635	2.66	Antev	2.66	90.961	Alinh	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Retrop	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Flex	-12.384
	MIP	89.294	Flex	-0.705	178.339	Semiflex	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Retrov	-3.062	100.657	Estend	10.657
17	PI	85.235	Flex	-4.764	178.941	Semiflex	1.058	176.294	Antep	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Flex	-0.003
	MIA	78.613	Flex	-11.386	179.279	Hiperext	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Flex	-2.939
	MIP	86.526	Flex	-3.473	183.297	Semiflex	3.297	179.824	Antep	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Estend	3.999
18	PI	89.365	Flex	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Retrop	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Flex	-3.48
	MIA	88.795	Flex	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Retrop	12.988	26.794	Alinh	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Semiflex	4.728	174.504	Antep	5.495	9.953	Antev	9.953	100.941	Estend	10.941
19	PI	87.842	Flex	-2.157	177.339	Hiperext	2.66	175.181	Antep	4.818	19.732	Antev	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Flex	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Retrop	12.321	35.339	Antev	35.339	73.6	Flex	-16.99
	MIP	87.964	Flex	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Antep	1.497	14.901	Antev	14.901	98.735	Estend	8.735

Anexo 6 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 3 do GE2

(Concordância entre examinador 3 do GE2 com APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

Tornozelo				Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco			
	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	
	PI	88.929	Flex	-1.07	176.707	Semiflex	3.293	175.636	Alinh	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Alinh	0.856
	MIA	85.408	Alinh	-4.591	174.731	Alinh	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Antev	22.238	81.997	Alinh	-8.205
	MIP	90.153	Flex	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Retrop	1.4	12.257	Antev	12.257	93.801	Alinh	3.801
2	PI	87.264	Flex	-2.735	173.232	Alinh	6.767	170.496	Alinh	9.503	4.254	Alinh	4.254	89.796	Alinh	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Flex	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Retrop	4.48	-2.476	Retrov	-2.476	93.014	Alinh	3.014
3	PI	86.44	Flex	-3.559	177.824	Alinh	2.175	174.265	Alinh	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Alinh	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Alinh	-3.477	183.422	Semiflex	3.422	179.944	Retrop	0.055	5.118	Alinh	5.118	92.129	Flex	2.129
4	PI	86.88	Flex	-3.119	174.283	Alinh	5.716	171.164	Alinh	8.835	7.815	Antev	7.815	91.457	Flex	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Antev	15.808	87.279	Flex	-2.72
	MIP	87.778	Flex	-2.221	176.905	Alinh	3.094	174.683	Retrop	5.316	4.688	Alinh	4.688	101.133	Flex	11.133
5	PI	82.952	Flex	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Alinh	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Flex	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Hiperext	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Flex	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Retrop	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Flex	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Semiflex	0.78	174.936	Alinh	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Flex	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Hiperext	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Flex	-8.49
	MIP	85.812	Flex	-4.187	181.583	Semiflex	1.583	177.395	Retrop	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Flex	4.614
	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Alinh	5.464	8.212	Antev	8.212	86.138	Flex	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Antep	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Flex	-8.887
	MIP	88.05	Flex	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Retrop	5.118	3.388	Antev	3.388	97.233	Flex	7.233
	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Alinh	1.484	10.191	Antev	10.191	89.827	Flex	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Hiperext	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Alinh	4.779	181.37	Retrop	-1.37	6.283	Antev	6.283	95.472	Alinh	5.472
	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Alinh	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Flex	1.207

MIA	87.052	Flex	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Alinh	-12.913
MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Retrop	3.851	2.216	Antev	2.216	95.967	Flex	5.967
PI	84.509	Flex	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Alinh	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Flex	-2.611
MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Alinh	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Flex	-12.896
MIP	83.962	Flex	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Retrop	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Flex	3.083
PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Semiflex	2.596	172.008	Alinh	7.911	7.383	Antev	7.383	92.165	Alinh	2.165
MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Alinh	-5.701
MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Retrop	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Alinh	8.989
PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Hiperext	5.565	175.126	Alinh	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Flex	-4.405
MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Flex	-14.59
MIP	88.775	Flex	-1.224	177.604	Semiflex	2.395	181.17	Retrop	-1.17	-2.346	Retrov	-2.346	92.836	Flex	2.836
PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Alinh	2.743	176.187	Alinh	3.812	6.007	Antev	6.007	87.212	Flex	-2.787
MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Alinh	0.04	168.715	Antep	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Flex	-14.51
MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Alinh	3.415	178.179	Retrop	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Flex	6.309
PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Hiperext	9.888	170.423	Alinh	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Flex	-10.562
MIP	93.831	Estend	3.831	169.893	Alinh	10.106	173.725	Alinh	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Flex	2.551
PI	85.542	Flex	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Alinh	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Alinh	-0.505
MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Alinh	-7.754
MIP	86.867	Flex	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Retrop	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Alinh	2.63
PI	88.95	Alinh	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Alinh	4.635	2.66	Antev	2.66	90.961	Alinh	0.961
MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Antep	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Alinh	-12.384
MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Alinh	1.66	177.364	Retrop	2.365	-3.062	Antev	-3.062	100.657	Alinh	10.657
PI	85.235	Flex	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Alinh	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Alinh	-0.003
MIA	78.613	Flex	-11.386	179.279	Hiperext	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Flex	-2.939
MIP	86.526	Flex	-3.473	183.297	Semiflex	3.297	179.824	Retrop	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Alinh	3.999
PI	89.365	Flex	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Alinh	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Flex	-3.48
MIA	88.795	Flex	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Antep	12.988	26.794	Antev	26.794	65.657	Flex	24.342
MIP	89.233	Flex	-0.766	175.271	Alinh	4.728	174.504	Retrop	5.495	9.953	Antev	9.953	100.941	Flex	10.941
PI	87.842	Flex	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Alinh	4.818	19.732	Antev	19.732	91.591	Flex	1.591
MIA	86.257	Flex	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Antev	35.339	73.6	Flex	-16.99
MIP	87.964	Flex	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Alinh	1.497	14.901	Antev	14.901	98.735	Flex	8.735

Anexo 7 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 1 do GE3

(Concordância entre examinador 1 do GE3 com APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

Suj	Posição	Tornozelo			Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco		
		APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Alinh	-1.07	176.707	Alinh	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Alinh	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Antev	22.238	81.997	Flex	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Antev	12.257	93.801	Estend	3.801
2	PI	87.264	Flex	-2.735	173.232	Hiperext	6.767	170.496	Antep	9.503	4.254	Antev	4.254	89.796	Alinh	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Flex	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Antep	4.48	-2.476	Alinh	-2.476	93.014	Estend	3.014
3	PI	86.44	Flex	-3.559	177.824	Alinh	2.175	174.265	Antep	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Alinh	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Flex	-3.477	183.422	Alinh	3.422	179.944	Antep	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Flex	-3.119	174.283	Hiperext	5.716	171.164	Antep	8.835	7.815	Antev	7.815	91.457	Alinh	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Antev	15.808	87.279	Flex	-2.72
	MIP	87.778	Flex	-2.221	176.905	Hiperext	3.094	174.683	Antep	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Flex	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Antep	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Alinh	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Alinh	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Flex	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Antep	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Estend	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Alinh	0.78	174.936	Antep	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Alinh	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Flex	-8.49
	MIP	85.812	Flex	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Antep	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Estend	4.614
7	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Antep	5.464	8.212	Antev	8.212	86.138	Flex	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Antep	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Flex	-8.887
	MIP	88.05	Flex	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Antev	3.388	97.233	Estend	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Antep	1.484	10.191	Antev	10.191	89.827	Alinh	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Alinh	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Semiflex	4.779	181.37	Antep	-1.37	6.283	Antev	6.283	95.472	Estend	5.472
	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Antep	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Estend	1.207

9	MIA	87.052	Flex	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Flex	-12.913
	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Antep	3.851	2.216	Alinh	2.216	95.967	Estend	5.967
	PI	84.509	Flex	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Antep	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Flex	-2.611
10	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Hiperext	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Flex	-12.896
	MIP	83.962	Flex	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Alinh	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Alinh	2.596	172.008	Antep	7.911	7.383	Antev	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Flex	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Antep	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Estend	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Hiperext	5.565	175.126	Antep	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Flex	-4.405
	MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Flex	-14.59
	MIP	88.775	Flex	-1.224	177.604	Semiflex	2.395	181.17	Alinh	-1.17	-2.346	Alinh	-2.346	92.836	Estend	2.836
13	PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Alinh	2.743	176.187	Antep	3.812	6.007	Antev	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Alinh	0.04	168.715	Antep	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Flex	-14.51
	MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Hiperext	3.415	178.179	Antep	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Estend	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Hiperext	9.888	170.423	Antep	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Flex	-10.562
	MIP	93.831	Estend	3.831	169.893	Hiperext	10.106	173.725	Antep	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Estend	2.551
15	PI	85.542	Flex	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Antep	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Flex	-7.754
	MIP	86.867	Flex	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Antep	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Flex	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Antep	4.635	2.66	Alinh	2.66	90.961	Estend	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Antep	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Flex	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Alinh	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Alinh	-3.062	100.657	Estend	10.657
17	PI	85.235	< 90	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Antep	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Alinh	-0.003
	MIA	78.613	< 90	-11.386	179.279	Alinh	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Flex	-2.939
	MIP	86.526	Flex	-3.473	183.297	Alinh	3.297	179.824	Antep	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Estend	3.999
18	PI	89.365	Alinh	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Antep	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Flex	-3.48
	MIA	88.795	Alinh	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Antep	12.988	26.794	Antev	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Hiperext	4.728	174.504	Antep	5.495	9.953	Antev	9.953	100.941	Estend	10.941
19	PI	87.842	Alinh	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Antep	4.818	19.732	Antev	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Flex	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Antev	35.339	73.6	Flex	-16.99
	MIP	87.964	Flex	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Antep	1.497	14.901	Antev	14.901	98.735	Estend	8.735

Anexo 8 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 2 do GE3

(Concordância entre examinador 2 do GE3 com *software* APAS. Suj=Sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhamento, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

		Tornozelo			Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco		
Suj	Posição	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Alinh	-1.07	176.707	Alinh	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	Alinh	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Antev	22.238	81.997	Flex	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Antev	12.257	93.801	Estend	3.801
2	PI	87.264	Flex	-2.735	173.232	Hiperext	6.767	170.496	Antep	9.503	4.254	Antev	4.254	89.796	Alinh	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Flex	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Antep	4.48	-2.476	Alinh	-2.476	93.014	Estend	3.014
3	PI	86.44	Flex	-3.559	177.824	Alinh	2.175	174.265	Antep	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Alinh	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Flex	-3.477	183.422	Alinh	3.422	179.944	Antep	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Flex	-3.119	174.283	Hiperext	5.716	171.164	Antep	8.835	7.815	Antev	7.815	91.457	Alinh	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Antev	15.808	87.279	Flex	-2.72
	MIP	87.778	Flex	-2.221	176.905	Hiperext	3.094	174.683	Antep	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Flex	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Antep	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Alinh	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Alinh	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Flex	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Antep	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Estend	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Alinh	0.78	174.936	Antep	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Alinh	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Flex	-8.49
	MIP	85.812	Flex	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Antep	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Estend	4.614
7	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Antep	5.464	8.212	Antev	8.212	86.138	Flex	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Antep	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Flex	-8.887
	MIP	88.05	Flex	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Antev	3.388	97.233	Estend	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Antep	1.484	10.191	Antev	10.191	89.827	Alinh	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Alinh	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Semiflex	4.779	181.37	Antep	-1.37	6.283	Antev	6.283	95.472	Estend	5.472
9	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Antep	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Estend	1.207
	MIA	87.052	Flex	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Flex	-12.913

10	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Antep	3.851	2.216	Alinh	2.216	95.967	Estend	5.967
	PI	84.509	Flex	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Antep	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Flex	-2.611
	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Hiperext	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Flex	-12.896
	MIP	83.962	Flex	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Alinh	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Alinh	2.596	172.008	Antep	7.911	7.383	Antev	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Flex	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Antep	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Estend	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Hiperext	5.565	175.126	Antep	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Flex	-4.405
	MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Flex	-14.59
	MIP	88.775	Flex	-1.224	177.604	Semiflex	2.395	181.17	Alinh	-1.17	-2.346	Alinh	-2.346	92.836	Estend	2.836
13	PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Alinh	2.743	176.187	Antep	3.812	6.007	Antev	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Alinh	0.04	168.715	Antep	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Flex	-14.51
	MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Hiperext	3.415	178.179	Antep	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Estend	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Hiperext	9.888	170.423	Antep	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Flex	-10.562
	MIP	93.831	Estend	3.831	169.893	Hiperext	10.106	173.725	Antep	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Estend	2.551
15	PI	85.542	Flex	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Antep	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Flex	-7.754
	MIP	86.867	Flex	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Antep	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Flex	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Antep	4.635	2.66	Alinh	2.66	90.961	Estend	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Antep	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Flex	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Alinh	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Alinh	-3.062	100.657	Estend	10.657
17	PI	85.235	< 90	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Antep	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Alinh	-0.003
	MIA	78.613	< 90	-11.386	179.279	Alinh	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Flex	-2.939
	MIP	86.526	Flex	-3.473	183.297	Alinh	3.297	179.824	Antep	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Estend	3.999
18	PI	89.365	Alinh	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Antep	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Flex	-3.48
	MIA	88.795	Alinh	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Antep	12.988	26.794	Antev	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Hiperext	4.728	174.504	Antep	5.495	9.953	Antev	9.953	100.941	Estend	10.941
19	PI	87.842	Alinh	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Antep	4.818	19.732	Antev	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Flex	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Antev	35.339	73.6	Flex	-16.99
	MIP	87.964	Flex	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Antep	1.497	14.901	Antev	14.901	98.735	Estend	8.735

Anexo 9 - Análise cinemática pelo software APAS. Examinador 3 do GE3

(Concordância entre examinador 3 do GE3 com APAS. Suj=sujeito avaliado, Posição=posição do sujeito avaliado, APAS=valor angular obtido pelo APAS, Class=classificação segundo examinador, Variaç=variação do ângulo a partir do alinhado, PI=posição inicial, MIA=máxima inclinação anterior e MIP=máxima inclinação posterior)

Postura 1																
Tornozelo					Joelho			Pelve1			Pelve 2			Tronco		
Suj.	Posição	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç	APAS	Class	Variaç
1	PI	88.929	Alinh	-1.07	176.707	Alinh	3.293	175.636	Antep	4.363	13.462	Antev	13.462	90.856	alinhado	0.856
	MIA	85.408	Flex	-4.591	174.731	Hiperext	5.268	170.14	Antep	9.859	22.238	Antev	22.238	81.997	Flex	-8.205
	MIP	90.153	Alinh	0.153	178.446	Alinh	1.553	178.599	Antep	1.4	12.257	Antev	12.257	93.801	Estend	3.801
2	PI	87.264	Flex	-2.735	173.232	Hiperext	6.767	170.496	Antep	9.503	4.254	Antev	4.254	89.796	Alinh	-0.203
	MIA	82.421	Flex	-7.578	171.78	Hiperext	8.219	164.201	Antep	15.798	11.553	Antev	11.553	85.435	Flex	-4.564
	MIP	87.745	Flex	-2.254	177.774	Alinh	2.225	175.519	Antep	4.48	-2.476	Alinh	-2.476	93.014	Estend	3.014
3	PI	86.44	Flex	-3.559	177.824	Alinh	2.175	174.265	Antep	5.734	8.242	Antev	8.242	86.194	Flex	-3.805
	MIA	79.324	Flex	-10.675	179.105	Alinh	0.894	168.429	Antep	11.57	14.26	Antev	14.26	81.507	Flex	-8.492
	MIP	86.522	Flex	-3.477	183.422	Alinh	3.422	179.944	Antep	0.055	5.118	Antev	5.118	92.129	Estend	2.129
4	PI	86.88	Flex	-3.119	174.283	Hiperext	5.716	171.164	Antep	8.835	7.815	Antev	7.815	91.457	Alinh	1.457
	MIA	81.182	Flex	-8.817	172.165	Hiperext	7.834	163.348	Antep	16.651	15.808	Antev	15.808	87.279	Flex	-2.72
	MIP	87.778	Flex	-2.221	176.905	Hiperext	3.094	174.683	Antep	5.316	4.688	Antev	4.688	101.133	Estend	11.133
5	PI	82.952	Flex	-7.047	183.345	Semiflex	3.345	176.298	Antep	3.701	3.802	Antev	3.802	89.924	Alinh	-0.07
	MIA	78.489	Flex	-11.51	180.888	Alinh	0.888	167.6	Antep	12.399	12.586	Antev	12.586	82.935	Flex	-7.064
	MIP	83.859	Flex	-6.14	186.249	Semiflex	6.249	180.108	Antep	-0.108	-1.098	Alinh	-1.098	93.627	Estend	3.627
6	PI	85.717	Flex	-4.283	179.219	Alinh	0.78	174.936	Antep	5.063	14.888	Antev	14.888	88.397	Alinh	-1.6
	MIA	79.081	Flex	-10.918	179.178	Alinh	0.821	168.26	Antep	11.739	23.469	Antev	23.469	81.509	Flex	-8.49
	MIP	85.812	Flex	-4.187	181.583	Alinh	1.583	177.395	Antep	2.604	10.745	Antev	10.745	94.614	Estend	4.614
7	PI	87.954	Flex	-2.045	176.58	Alinh	3.419	174.535	Antep	5.464	8.212	Antev	8.212	86.138	Flex	-3.861
	MIA	83.312	Flex	-6.687	172.018	Hiperext	7.981	165.33	Antep	14.669	17.34	Antev	17.34	81.122	Flex	-8.887
	MIP	88.05	Flex	-1.949	176.831	Alinh	3.168	174.881	Antep	5.118	3.388	Antev	3.388	97.233	Estend	7.233
8	PI	83.053	Flex	-6.946	185.462	Semiflex	5.462	178.515	Antep	1.484	10.191	Antev	10.191	89.827	Alinh	-0.172
	MIA	78.913	Flex	-11.086	182.032	Alinh	2.032	170.945	Antep	9.054	19.051	Antev	19.051	82.98	Flex	-7.19
	MIP	86.591	Flex	-3.408	184.779	Semiflex	4.779	181.37	Antep	-1.37	6.283	Antev	6.283	95.472	Estend	5.472
	PI	92.975	Alinh	2.975	166.834	Hiperext	13.165	169.81	Antep	10.189	5.689	Antev	5.689	91.207	Estend	1.207

9	MIA	87.052	Flex	-2.947	164.9	Hiperext	15.099	161.952	Antep	18.047	18.213	Antev	18.213	77.086	Flex	-12.913
	MIP	90.563	Alinh	0.563	175.584	Alinh	4.415	176.148	Antep	3.851	2.216	Alinh	2.216	95.967	Estend	5.967
	PI	84.509	Flex	-5.49	182.232	Alinh	2.232	176.741	Antep	3.258	12.533	Antev	12.533	87.388	Flex	-2.611
10	MIA	80.747	Flex	-9.254	181.072	Hiperext	1.072	169.675	Antep	10.324	22.211	Antev	22.211	77.103	Flex	-12.896
	MIP	83.962	Flex	-6.037	188.71	Semiflex	8.71	182.672	Antep	-2.672	3.964	Antev	3.964	93.083	Alinh	3.083
11	PI	84.865	Flex	-5.314	177.403	Alinh	2.596	172.008	Antep	7.911	7.383	Antev	7.383	92.165	Alinh	2.165
	MIA	82.305	Flex	-7.694	174.04	Hiperext	5.959	166.345	Antep	13.654	15.762	Antev	15.762	84.298	Flex	-5.701
	MIP	88.771	Alinh	-1.228	178.308	Alinh	1.691	177.079	Antep	2.92	1.835	Alinh	1.835	98.989	Estend	8.989
12	PI	90.691	Alinh	0.691	174.434	Hiperext	5.565	175.126	Antep	4.873	6.392	Antev	6.392	85.594	Flex	-4.405
	MIA	84.963	Flex	-5.036	174.529	Hiperext	5.47	169.494	Antep	10.505	14.438	Antev	14.438	75.409	Flex	-14.59
	MIP	88.775	Flex	-1.224	177.604	Semiflex	2.395	181.17	Alinh	-1.17	-2.346	Alinh	-2.346	92.836	Estend	2.836
13	PI	83.443	Flex	-6.556	180.743	Alinh	2.743	176.187	Antep	3.812	6.007	Antev	6.007	87.212	Flex	-2.787
	MIA	78.755	Flex	-11.244	180.041	Alinh	0.04	168.715	Antep	11.284	16.629	Antev	16.629	75.489	Flex	-14.51
	MIP	84.763	Flex	-5.236	183.415	Hiperext	3.415	178.179	Antep	1.82	0.999	Alinh	0.999	96.309	Estend	6.309
14	PI	90.312	Alinh	0.312	170.111	Hiperext	9.888	170.423	Antep	9.576	11.807	Antev	11.807	88.129	Flex	-1.87
	MIA	86.976	Flex	-3.023	167.271	Hiperext	12.728	164.248	Antep	15.751	21.41	Antev	21.41	79.437	Flex	-10.562
	MIP	93.831	Estend	3.831	169.893	Hiperext	10.106	173.725	Antep	6.274	9.134	Antev	9.134	92.551	Estend	2.551
15	PI	85.542	Flex	-4.457	175.696	Alinh	4.303	171.239	Antep	8.76	8.443	Antev	8.443	89.494	Alinh	-0.505
	MIA	80.742	Flex	-9.257	174.357	Hiperext	5.642	165.1	Antep	14.899	16.403	Antev	16.403	82.245	Flex	-7.754
	MIP	86.867	Flex	-3.132	179.206	Alinh	0.793	177.661	Antep	2.338	3.968	Antev	3.968	92.63	Estend	2.63
16	PI	88.95	Flex	-1.049	176.414	Alinh	3.585	175.364	Antep	4.635	2.66	Alinh	2.66	90.961	Alinh	0.961
	MIA	85.155	Flex	-4.844	171.559	Hiperext	8.44	166.714	Antep	13.284	15.178	Antev	15.178	77.615	Flex	-12.384
	MIP	89.294	Alinh	-0.705	178.339	Alinh	1.66	177.364	Antep	2.365	-3.062	Alinh	-3.062	100.657	Estend	10.657
17	PI	85.235	< 90	-4.764	178.941	Alinh	1.058	176.294	Antep	3.706	11.758	Antev	11.758	89.996	Alinh	-0.003
	MIA	78.613	< 90	-11.386	179.279	Alinh	0.72	167.893	Antep	12.106	18.242	Antev	18.242	87.06	Flex	-2.939
	MIP	86.526	Flex	-3.473	183.297	Alinh	3.297	179.824	Antep	0.175	8.196	Antev	8.196	93.999	Estend	3.999
18	PI	89.365	Alinh	-0.634	170.611	Hiperext	9.388	169.976	Antep	10.023	15.826	Antev	15.826	86.519	Flex	-3.48
	MIA	88.795	Alinh	-1.204	168.216	Hiperext	11.783	167.011	Antep	12.988	26.794	Antev	26.794	65.657	Flex	24.342
	MIP	89.233	Alinh	-0.766	175.271	Hiperext	4.728	174.504	Antep	5.495	9.953	Antev	9.953	100.941	Estend	10.941
19	PI	87.842	Alinh	-2.157	177.339	Alinh	2.66	175.181	Antep	4.818	19.732	Antev	19.732	91.591	Alinh	1.591
	MIA	86.257	Flex	-3.742	171.42	Hiperext	8.579	167.678	Antep	12.321	35.339	Antev	35.339	73.6	Flex	-16.99
	MIP	87.964	Flex	-2.035	179.462	Alinh	0.537	178.502	Antep	1.497	14.901	Antev	14.901	98.735	Estend	8.735

Anexo 10 - Aprovação Cappelq - 1ª mudança de título

Ao

Departamento de Fisioterapia/Fonoaudiologia e Terapia Ocupacional

O Presidente da Comissão de Ética para Análise de Projetos de Pesquisa - CAPPesq da Diretoria Clínica do Hospital das Clínicas e da Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo, em 02.07.08, tomou conhecimento que o Protocolo de Pesquisa nº **0276/06**, intitulado: **"Postura, Estratégia de Equilíbrio e Mecânica Tóraco-Abdominal: Estudo Laboratorial e Clínico"**, aprovado por esta Comissão em 14.06.06, contempla o sub-projeto intitulado: **"Avaliação clínica das estratégias de equilíbrio"**, que será dissertação de mestrado da Sra. Carolina Miyuki Sugimoto, tendo como orientadora a Profa. Dra. Clarice Tanaka.

CAPPesq, 02 de julho de 2008.

PROF. DR. EDUARDO MASSAD
Presidente da Comissão Ética para Análise
de Projetos de Pesquisa

Ao

Departamento de Fisioterapia, Fonoaudiologia e Terapia Ocupacional

A Comissão de Ética para Análise de Projetos de Pesquisa - CAPPesq da Diretoria Clínica do Hospital das Clínicas e da Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo, em 01.07.2009, tomou conhecimento da **Mudança de Título** no Protocolo de Pesquisa nº **0276/06**, de "**Avaliação Clínica das Estratégias de Equilíbrio**" para "**Protocolo Clínico para Avaliação de Ajuste posturais antecipatórios: Desenvolvimento e Validação**" que será dissertação de mestrado da aluna **Carolina Miyuki Sugimoto** tendo como orientadora **Profa. Dra. Clarice Tanaka**.

CAPPesq, 03 de Julho de 2009.

PROF. DR. EDUARDO MASSAD
Presidente da Comissão de Ética para Análise
de Projetos de Pesquisa

Anexo 12 - Submissão para Congresso "Progress in Motor Control" 2009 I

Carolina Suguimoto

Para: carolina@suquimoto.com.br
Assunto: [PMC VII] Submission ID 702

Thank you for your submission to PMC VII. Below is a copy of the information submitted for your records.

Submission ID: 702

Title: Clinical protocol for assessment of anticipatory postural adjustments: development and validation

Student: T

Author 1 (CONTACT AUTHOR)

Name: Carolina Miyuki Suguimoto
Org: University of São Paulo
Country: Brazil
Email: carolina@suguimoto.com.br

Author 2

Name: Clarice Tanaka
Org: University of São Paulo
Country: Brazil
Email: cltanaka@uol.com.br

Author 3

Name: Carlos Hitoshi Morimoto
Org: University of São Paulo
Country: Brazil
Email: hitoshi@ime.usp.br

Author 4

Name: Silvia Esparrachiari Ghirotti
Org: University of São Paulo
Country: Brazil
Email: silvia.esparrachiari@gmail.com

Author 5

Name: Gabriel Bueno Lahoz Moya
Org: University of São Paulo
Country: Brazil
Email: gabiblm@yahoo.com.br

Other Authors: Name: Cássio Marinho SIQUEIRA
Organization: University of São Paulo
Country: BR Brazil
Email: casique@uol.com.br

Other Authors: Name: Renê Rogieri CAFFARO
Organization: University of São Paulo
Country: BR Brazil
Email: Renecaffaro@yahoo.com.br

Anexo 13 - Submissão para Congresso "Progress in Motor Control" 2009 II

Contact Alt Email: carolsuguimoto@usp.br Contact Phone: +55(11) 8425-5576

Keywords: Physical Therapy (Specialty); Biomechanics; Evaluation; Validation Studies; Musculoskeletal Equilibrium; Posture.

Abstract: It is known the relationship between postural adjustment and musculoskeletal disorders. However, proper tools to assess postural adjustments are not available yet; up to this moment evaluation is done by direct observation. A comprehensive examination is limited with high examiners variability. Functional diagnoses and the baseline for further follow-up are not well established. Objectives: 1. Develop a protocol to evaluate Anticipatory Postural Adjustment (APA). 2. Verify inter- and intra-rater agreement in the evaluation with and without protocol; and 3. Validate the protocol with kinematic analysis. Methods: spherical reflective markers were placed in eight landmarks on the right side of 19 able-bodied participants who were bending forward and backward over the ankle (APAs). Images were collected using a camera on the right side of the participant. From the video, 3 frames were selected: 1) initial posture, 2) maximum anterior and 3) maximum posterior displacement. These frames were evaluated by three groups with three physiotherapist each, for inter-rater agreement analysis: G1) no Global Posture Reeducation (GPR) experience and no protocol; G2) GPR experience and protocol; and G3) no GPR experience and protocol. Evaluation was repeated after 15 days to verify intra-rater agreement. The videos were analyzed in 2D mode using Ariel Posture Analysis System to validate the protocol with kinematic data. Software was developed to optimize the evaluation using the protocol, through kinematic calculation with angular and linear displacement providing a final score of APA Adjustments were possible. Results: Kappa values by segments (ankle, knee, pelvis and trunk) for intra-rater agreement ($p < 0.001$): G1=poor-moderate; G2=moderate-substantial and G3=almost perfect. Inter-rater agreement ($p = 0.000$): G1=fair-moderate; G2=moderate-substantial and G3=almost perfect. Percentage Values for agreement to kinematic analysis ($p = 0.000$): Ankle: G1=28%; G2=67,3%; G3=91,2%. Knee: G1=29,2%; G2=37,4%; G3=69,6%. Pelvis1: G1=18,1%; G2=46,8%; G3=82,5%. Pelvis 2: G1=36,8%; G2=86,0%; G3=88,9%. Trunk: G1=22,8%; G2=44,4%; G3=91,2%. Conclusion: Protocol revealed high agreement inter- and intra-rater.

Comments:

**Anexo 14 - Aceite do Congresso "Progress in Motor Control" 2009".
Apresentação de pôster**

Carolina Suguimoto

Para: carolina@suguimoto.com.br
Assunto: [PMC VII] Your submission has been accepted!

Dear PMC2009 participant,
it is my special pleasure to welcome you to the 7th edition of Progress in Motor Control, which will be held in Marseille (FRANCE) from July 23-25, 2009.

Your abstract submission ID 702 with the title Clinical protocol for assessment of anticipatory postural adjustments: development and validation has been accepted by our review committee for a poster presentation. We have included the reviewers' comments, if any, at the end of this message.

More details regarding the poster format, poster session number and date will be forwarded to you soon.

We strongly recommend starting to make your travel arrangements soon, since Marseille is an attractive vacation spot, in particular in summer.
Please do not forget to register and pay your registration fees. If you have not uploaded your abstract as a text file yet, please do so as soon as possible.

With our best regards,

On behalf of the organizing committee
Fred Danion
Chair of the organizing committee of PMC 7

Frederic Danion, PhD
UMR 6233 Movement Sciences Institute, CNRS Theoretical Neuroscience Group
163 avenue de Luminy
13288 Marseille, FRANCE
Email : frederic.danion@univmed.fr
Fax : 04-91-17-22-52
Tel : 04-91-17-22-78
WEB : <http://www.ism.univmed.fr:16080/~danion/>
Come and visit us for the next
Progress in Motor Control : www.pmc2009.fr

Reviewer comments, if any, are below:

The first statement is wrong there are plenty of studies in which APA have been studied in patients (Jover 2006, Massion 1999...). The rationale for the study is very hard to grasp. The meaning of the results is also very hard to infer from the numbers that are provided (What kappa means?). The conclusion is not very helpful either.

I would suggest a careful revision of the abstract by a native English speaker.

Anexo 15 - Pôster apresentado ao Congresso “Progress in Motor Control”

MEDICINA
USP

Clinical protocol for assessment of anticipatory postural adjustments: development and validation

Carolina M. SUGUIMOTO, Clarice TANAKA, Carlos Hitoshi MORIMOTO, Silvia Esparrachiar
GHIROTTI, Gabriel B. L. MOYA, Cássio Marinho SIQUEIRA e Renê R CAFFARO

Department of Physiotherapy, Communication Science &
Disorders, Occupational Therapy. Faculty of Medicine. University of São Paulo

7th edition of
PROGRESS IN MOTOR CONTROL

Background

It is known the relationship between anticipatory postural adjustment (APA) and musculoskeletal disorders. However, proper tools to clinically assess postural adjustments are not available yet.

Objectives

1. To develop a protocol to evaluate APA. 2. To verify inter- and intra-rater agreement 3. To validate the protocol with kinematic analysis, and 4. To develop a software to assess clinical posture for APA to optimize the evaluation using the protocol.

Method

- 19 young female university students were evaluated performing APA (Fig. 1)
- Reflective markers and camera for kinematic acquisition
- Selection of frames: 1) initial posture, 2) maximum anterior and 3) maximum posterior displacement.
- Elaborated clinical protocol was offered as shown in Table 1 to groups of examiners (test – retest)
- Gold standard - Ariel Posture Analysis System (APAS)
- Proposed software calculates angular and linear displacement providing a final score of APA (Fig. 2)

Table 1: Characterization of the Examiners			
Group	Examiners	Experience (years)	Working area
GE1	1	3	Dermatofunctional
	2	7	Manual therapy
	3	4	Cardiorespiratory
GE2	1	7	Posture rehabilitation – 5 years
	2	7	Posture rehabilitation – 5 years
	3	4	Posture rehabilitation – 2 years
GE3	1	2	Musculoskeletal
	2	4	Musculoskeletal
	3	3	Musculoskeletal

Fig. 1 Ankle strategy

Fig 2: Data collection example

Statistical Analysis

Kappa and Chi-square test was applied to assess the intra-rater agreement ($P \leq 0.0001$); for inter-rater agreement was applied kappa and Kruskal Wallis ($P \leq 0.0001$).

Results

The following kappa values were given by segments (ankle, knee, pelvis 1 – antepulsion / retropulsion, pelvis 2 – anteversion / retroversion and trunk) for intra-rater agreement ($p < 0.001$) and inter-rater agreement ($p < 0.001$). For agreement to kinematic analysis percentage values were presented ($p < 0.001$).

Conclusions

The elaborated protocol revealed high inter- and intra-rater agreement and high agreement with kinematic analysis.

TERMO DE CONSENTIMENTO

Hospital das Clínicas
da Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo
Caixa Postal, 8091 – São Paulo – Brasil

TERMO DE CONSENTIMENTO LIVRE E ESCLARECIDO

(Instruções para preenchimento no verso)

I - DADOS DE IDENTIFICAÇÃO DO SUJEITO DA PESQUISA OU RESPONSÁVEL LEGAL

1. NOME:.....

DOCUMENTO DE IDENTIDADE Nº: SEXO: M ☐ F ☐

DATA NASCIMENTO:/...../.....

ENDEREÇO: Nº..... APTO:

BAIRRO: CIDADE:.....

CEP:..... TELEFONE: DDD (.....).....

2. RESPONSÁVEL LEGAL.....

NATUREZA (grau de parentesco, tutor, curador etc.).....

DOCUMENTO DE IDENTIDADE:..... SEXO: M ☐ F ☐

DATA NASCIMENTO:/...../.....

ENDEREÇO: Nº..... APTO:

BAIRRO:..... CIDADE:.....

CEP:..... TELEFONE: (.....).....

II - DADOS SOBRE A PESQUISA CIENTÍFICA

1. TÍTULO DO PROTOCOLO DE PESQUISA

Protocolo clínico para avaliação de ajustes posturais antecipatórios: desenvolvimento e validação

2. PESQUISADOR: CAROLINA MIYUKI SUGUIMOTO

CARGO/FUNÇÃO: FISIOTERAPEUTA

INSCRIÇÃO CONSELHO REGIONAL Nº 45617-F

UNIDADE DO HCFMUSP: Instituto Central

3. AVALIAÇÃO DO RISCO DA PESQUISA:

SEM RISCO ☐ RISCO MÍNIMO ☒ RISCO MÉDIO ☐

RISCO BAIXO ☐ RISCO MAIOR ☐

(Probabilidade de que o indivíduo sofra algum dano como consequência imediata ou tardia do estudo)

4. DURAÇÃO DA PESQUISA: 3 anos

III - REGISTRO DAS EXPLICAÇÕES DO PESQUISADOR AO PACIENTE OU SEU REPRESENTANTE LEGAL SOBRE A PESQUISA CONSIGNANDO:

1. Justificativa e os objetivos da pesquisa:

O objetivo deste trabalho é fazer um protocolo para avaliar como seu corpo se comporta ao realizar inclinação anterior e verificar se este protocolo é confiável.

2. Procedimentos que serão utilizados e propósitos, incluindo a identificação dos procedimentos que são experimentais

O trabalho consiste em uma avaliação de aproximadamente 30-45 minutos. Você usará roupa de ginástica, e serão colocadas bolinhas de isopor em determinados pontos do seu corpo presas com adesivos.

Você se posicionará de lado à frente de uma câmera filmadora e serão feitos testes para o seu equilíbrio, como manter a posição parada e inclinar-se para frente e para trás movimentando somente o tornozelo.

Ao fim dos testes, as bolinhas de isopor são retiradas e você está liberado. As fotos e os vídeos serão usados para avaliar como o seu corpo se movimenta durante os testes e só serão utilizadas para o este estudo.

3. Desconfortos e riscos esperados

Você deverá se inclinar para frente e depois para trás o quanto conseguir, portanto não devem ocorrer quedas. Pode haver apenas um pouco de cansaço físico por ficar em pé e realizar as inclinações durante os testes.

4. Benefícios que poderão ser obtidos

Será feita uma avaliação de sua postura e, caso haja interesse, poderá receber orientações ou tratamento para cuidados e correções da postura.

5. Procedimentos alternativos que possam ser vantajosos para o indivíduo

Não há.

IV - ESCLARECIMENTOS DADOS PELO PESQUISADOR SOBRE GARANTIAS DO SUJEITO DA PESQUISA CONSIGNANDO:

1. Acesso, a qualquer tempo, às informações sobre procedimentos, riscos e benefícios relacionados à pesquisa, inclusive para dirimir eventuais dúvidas.

Sempre que precisar te daremos explicações para tirar qualquer dúvida a respeito do estudo.

2. Liberdade de retirar seu consentimento a qualquer momento e de deixar de participar do estudo, sem que isto traga prejuízo à continuidade da assistência.

Você pode desistir de participar do estudo a qualquer momento sem que isso lhe prejudique.

3. Salvaguarda da confidencialidade, sigilo e privacidade.

Todos os dados obtidos na sua avaliação serão confidenciais. Serão utilizados apenas para fins científicos e sua identidade não será revelada.

4. Disponibilidade de assistência no HCFMUSP, por eventuais danos à saúde, decorrentes da pesquisa.

Apesar de não haver riscos, em qualquer eventual dano à sua saúde decorrente dele, você terá acesso e será prontamente atendido no Hospital das Clínicas da FMUSP.

5. Viabilidade de indenização por eventuais danos à saúde decorrentes da pesquisa.

Apesar de não haver riscos, em qualquer eventual dano à sua saúde decorrente dele, você terá acesso e será prontamente atendido no Hospital das Clínicas da FMUSP.

**V. INFORMAÇÕES DE NOMES, ENDEREÇOS E TELEFONES DOS
RESPONSÁVEIS PELO ACOMPANHAMENTO DA PESQUISA, PARA CONTATO
EM CASO DE INTERCORRÊNCIAS CLÍNICAS E REAÇÕES ADVERSAS.**

Carolina Miyuki Sugimoto – Pesquisador: tel. (11) 8425-5576

Prof. Dra. Clarice Tanaka – Orientadora: tel. (11) 3069-6867 (horário comercial)

VI. OBSERVAÇÕES COMPLEMENTARES:

VII - CONSENTIMENTO PÓS-ESCLARECIDO

Declaro que, após convenientemente esclarecido pelo pesquisador e ter entendido o que me foi explicado, consinto em participar do presente Protocolo de Pesquisa

São Paulo, de de 20 .

Assinatura do sujeito da pesquisa ou responsável legal

Assinatura do pesquisador

Carimbo ou nome Legível

Anexo 17 - Submissão do artigo na revista Manual Therapy

Submissions Being Processed for Author Carolina Miyuki Suguimoto, PT					
Page: 1 of 1 (1 total submissions)			Display 10 results per page.		
Action	Manuscript Number	Title	Initial Date Submitted	Status Date	Current Status
Action Links		A video-based protocol to assess anticipatory postural adjustments	14 Jan 2010	14 Jan 2010	Submitted to Journal
Page: 1 of 1 (1 total submissions)			Display 10 results per page.		

<< Author Main Menu

Elsevier Editorial System(tm) for Manual Therapy

Manuscript Draft

Manuscript Number:

Title: A video-based protocol to assess anticipatory postural adjustments

Article Type: Original Article

Keywords: Physical Therapy (Specialty); Evaluation; Validation Study; Posture

Corresponding Author: mrs. Carolina Miyuki Suguimoto, PT

Corresponding Author's Institution: Faculty of Medicine - University of São Paulo

First Author: Carolina M Suguimoto, PT, Ms

Order of Authors: Carolina M Suguimoto, PT, Ms; Cassio M Siqueira, PT, Ms; Carolina Fu, PT, PhD;

Fátima A Caromano, PT, PhD; Clarice Tanaka, PT, PhD

Abstract: Despite the relationship between postural adjustments and musculoskeletal disorders, no reliable tools are available to assess anticipatory postural adjustment. Our objective was to develop and validate a video-based clinical protocol to evaluate anticipatory postural adjustment. Reflective markers were attached to seven anatomical references in 19 participants. They were videotaped performing maximum forward (MFI) and backward (MBI) inclination only moving the ankle. Three pictures representing starting position (SP), MFI and MBI were captured from video-recordings. Therapists non-specialists (GE1 and GE3) and specialists in posture (GE2) evaluated all pictures for inter-examiner (within-group) agreement analysis. GE1 and GE2 completed the evaluation by conventional visual observation; GE3 used the protocol. All the evaluations were repeated 15 days later in order to analyze intra-examiner agreement. To test the reliability of the protocol kinematic analysis was performed during 1s in SP, MFI, MBI. Kappa test for intra and inter-examiner analysis and percentage of agreement between examiners and kinematic data were performed. GE1, GE2, and GE3 obtained weak, moderate, and almost perfect intra-examiner agreement and poor, fair, and almost perfect inter-examiner agreement, respectively. GE3 obtained high agreement with kinematic data ($p < 0.001$). Our video-based assessment protocol of anticipatory postural adjustments showed to be valid and reliable.

January 11, 2010

Name: Carolina Miyuki Suguimoto

Adress: Av. Dr. Enéas de Carvalho Aguiar, 255. São Paulo – SP Brazil. CEP: 05403-000

Phone: +55 (11) 3069-6867

Email: carolsuguimot@usp.br or cltanaka@usp.br

Ref.: Submission of manuscript for possible publication in the *Manual Therapy*

Dear Editor:

I would like to submit this manuscript for consideration for possible publication in the *Manual Therapy*. My coworkers and I believe that this issue would be interesting for the readers of this journal.

Please find enclosed a paper entitled "A video-based protocol to assess anticipatory postural adjustments". The paper aims to develop a clinical protocol to evaluate anticipatory postural adjustments and validate it based on a gold standard process of kinematic analysis, since low cost and easy handling tools are not available yet. Up to this moment evaluation has been done by observation, despite of the important relationship between postural adjustment and musculoskeletal disorders.

The subject presented in this paper is highly related to the scope of the *Manual Therapy*. We have found in this journal crucial articles to build our study.

Please note that this paper is our original unpublished work and it has not been submitted to any other journal for reviews.

Finally, I declare no conflicts of interest related.

Thank you for your consideration.

Sincerely yours,

Carolina Miyuki Suguimoto

Title page

A video-based protocol to assess anticipatory postural adjustments

Carolina Miyuki Suguimoto*[§], Cássio Marinho Siqueira*, Carolina Fu**, Fátima Aparecida Caromano**, Clarice Tanaka**

*PT, Ms, Univesity of Sao Paulo

**PT, PhD., Universty of Sao Paulo

Department of Physiotherapy, Communication Sciences and Disorders and Occupational Therapy, Faculty of Medicine, University of São Paulo, SP, Brazil.

[§]Corresponding author

CMS carolina@suguimoto.com.br

Address: Av. Dr. Enéas de Carvalho Aguiar, 155 - 4ºandar -Bloco 2, 5403-000, São Paulo SP, Brasil

Phone: 55 11 3069 6867

ABSTRACT

Despite the relationship between postural adjustments and musculoskeletal disorders, no reliable tools are available to assess anticipatory postural adjustment. Our objective was to develop and validate a video-based clinical protocol to evaluate anticipatory postural adjustment. Reflective markers were attached to seven anatomical references in 19 participants. They were videotaped performing maximum forward (MFI) and backward (MBI) inclination only moving the ankle. Three pictures representing starting position (SP), MFI and MBI were captured from video-recordings. Therapists non-specialists (GE1 and GE3) and specialists in posture (GE2) evaluated all pictures for inter-examiner (within-group) agreement analysis. GE1 and GE2 completed the evaluation by conventional visual observation; GE3 used the protocol. All the evaluations were repeated 15 days later in order to analyze intra-examiner agreement. To test the reliability of the protocol kinematic analysis was performed during 1s in SP, MFI, MBI. Kappa test for intra and inter-examiner analysis and percentage of agreement between examiners and kinematic data were performed. GE1, GE2, and GE3 obtained weak, moderate, and almost perfect intra-examiner agreement and poor, weak, and almost perfect inter-examiner agreement, respectively. GE3 obtained high agreement with kinematic data ($p < 0.001$). Our video-based assessment protocol of anticipatory postural adjustments showed to be valid and reliable.

Keywords: Physical Therapy (Specialty), Evaluation, Validation Study, Posture

1. **BACKGROUND**

Postural evaluation is a frequent practice in routine physical therapy and is well documented in the literature on the subject. In clinics, this evaluation is usually made by observation, through visual estimation of postural alignment and identification of alterations (Watson & Mac Donncha 2000). This traditional method has been described by Kendall and McCreary (Kendall & McCreary 1995), where the postural alignment is examined with reference to a plumb-line. Another frequent method for assessing posture uses a photographic record based on markers attached to anatomical reference points (Viton et al 2000). However, these methods for postural alignment using plumb-line or photographs are lying on the uncertainty of the therapist visual estimation. In addition, the method using photography is still subjective because the photography corresponds to the moment the camera shoots; even in a quiet standing position, postural adjustments occur constantly with the body's natural oscillation (Duarte 2000).

Similarly to the assessment of postural alignment, the evaluation of postural adjustments has been done by visual estimation. Therefore, it is also a subjective measure of questionable reliability, with large intra- and inter-examiner variability (Watkins et al 1991) in addition to portraying only a moment of quiet posture.

The study of postural adjustments has primarily focused on regulating the standing position when disturbed by external forces, such as movement of the base of support (Nashner & McCollum 1985). However, the control of a quiet posture without disturbance is essential for the proper performance of voluntary movements (Frank & Earl 1990). The anticipatory postural adjustments (APAs) precede postural adjustments due to disturbances, minimizing their effects on posture control with anticipatory corrections (Massion 1998; Li X & Aruin 2005 and Laessoe & Voigt 2007).

Measuring postural adjustments is a difficult task (Horak 1987 and Huxham 2001) because they occur on scales of motion that are complicated to detect through simple observation. Moreover, there is no clear definition for expected behavior (Horak 1987). In the literature on anticipatory postural adjustments, there is little substantiation for quantitative assessment.

One of the tools commonly used for the clinical evaluation of anticipatory postural adjustments is the functional reach test, which measures the maximum forward distance reached by using a fixed base of support, without taking a step or losing balance. This test may be useful for detecting balance problems (Duncan 1990). A longer range would indicate greater stability limits, and, in turn, a better capacity for dynamic equilibrium. However, there are deviations from this relationship, as in some research on elderly subjects (Jonsson et al 2003) and subjects with Parkinson's disease (Brusse et al 2005), who demonstrated no correlation between the shift of the center of pressure and the distance achieved.

One of the factors that could affect the form of functional reach influencing dynamic balance is the type of strategy adopted. In other words, it is not only the distance reached, but also the pattern of movement that will play important roles in the dynamic of equilibrium (Liao & Lin 2007).

Thus, we set out to develop and validate a protocol for the assessment of anticipatory postural adjustments, using maximum forward and backward inclination as the task. The protocol uses photos based on videos of the maximum forward and backward inclination. It was validated by means of kinematic analysis and corrected by estimating the error due to the size of the marker used for kinematic analysis. The intra-and inter-examiner reproducibility was also tested.

2. METHODS

2.1 Subjects:

Nineteen subjects participated as evaluated group and nine physiotherapists participated as examiner group in this study.

2.1.1 Criteria for the selection of the Evaluated Group: The evaluated group consisted of 19 healthy women from 18 to 31 years of age, with a mean age of 22.9 ± 3 years and a BMI of 20.14 ± 1.5 . Subjects who had neurological, vestibular, or musculoskeletal disorders or who complained of pain at the time of testing, as well as subjects who were engaged in competitive physical activity were excluded of this study.

2.1.2 Criteria for the selection of the Examiner Group: The group consisted of nine physical therapists, aged 24 to 30 years, with experience ranging from 3 to 7 years of work, and with expertise in traditional clinical postural assessment. The group was divided into 3 sub groups, with 3 therapists each:

- G1 and G3: groups of therapists not specialized in posture; and
- G2: a group of specialists in posture.

Participants of evaluated group read and signed a consent form approved by the ethics committee of the Clinical Hospital, University of Sao Paulo, School of Medicine.

2.2 Instrumentation: For the acquisition of kinematic data, a digital Panasonic™ model PV-GS250 camera was used with a sampling frequency of 60 Hz. Spherical anatomical markers, measuring 2 cm in diameter, were covered with retro-reflective tape (3M™ high gain 7610) and positioned over anatomical landmarks. A personal computer was used to process the kinematic data using *Ariel Posture Analysis System* software (APAS).

2.3 Procedure

2.3.1 Acquisition of the data for the evaluation

For the acquisition of kinematic data, the participants wore tight athletic clothing without shoes. Reflective markers were attached to participants on the following right antimeric anatomical landmarks: head of V metatarsal, lateral malleolus, fibular head, greater trochanter, anterior superior iliac spine (ASIS), posterior superior iliac spine (PSIS) and spinous process of seventh cervical vertebra (C7). A camera was fixed on a tripod positioned 2 m from the right side of the participant up to the umbilicus in order to capture the movements on the sagittal plane.

Participants were asked to stand still on a stable surface, with their feet facing forward and separated by the width of the hips. Their arms remained loosely folded across the chest, with their heads facing forward. They were then requested to perform a maximum forward inclination (MFI) of the body using only the ankle joint. They remained in this position for 12 s, and then the participants were asked to return to the starting position (SP). The movement was repeated for the maximum backward inclination.

2.3.2 Processing the videos and preparation for the evaluation

The videos were transferred to a personal computer, and the markers were digitized for analysis in 2D using APAS. Three different photos were captured based on the video, respectively representing:

- (i) Starting position (SP): the initial position for the forward and backward inclination;
- (ii) Maximum forward inclination (MFI): picture extracted from the 11th second of video during the maximum forward inclination; and

- (iii) Maximum backward inclination (MBI): picture extracted from the 11th second of video during the maximum backward inclination.

Thus, we assessed the five segments (ankle, knee, pelvic sagittal position meaning antepulsion and retropulsion, pelvic tilt meaning anteversion and retroversion, and upper trunk) of the 19 participants, which generated 95 evaluation booklets (5x19), each containing three photos (SP, MFI and MBI) for a total of 285 photos.

Proposed Protocol for the Evaluation

The protocol was developed using straight lines of reference on the positioning of the ankle, knee, pelvic sagittal position, pelvic tilt and upper trunk. The responses on each segment were available in standard check box format with the following options:

- Ankle: aligned, flexed, or extended;
- Knee: aligned, hyperextended, or semiflexed;
- Pelvic sagittal position: aligned, antepulsion, or retropulsion;
- Pelvic tilt: aligned position, anteverted or retroverted; and
- Upper trunk: aligned, flexed, or extended.

A template with horizontal and vertical lines for reference to identify the position of the segments was established. Evaluating the photos with the use of the template to fill out the form meant using the evaluation protocol, while not using a template meant not using the evaluation protocol.

2.3.3 Clinical evaluation by the groups of examiners

The evaluation booklets were distributed to G1, G2, and G3, which performed the assessments twice for the purpose of the 15 day test-retest interval. In order to verify the influence of expertise (specialization in posture) for the use of the protocol, only G3 conducted assessments using the protocol.

2.3.4 Processing kinematic data

For kinematic analysis, three sets of one-second data acquisition were processed, corresponding to: SP (1 s acquisition in the standing starting position, before the inclination), MFI and MBI (1 s acquisition corresponding to the 11th- 12th s interval of the maximum forward and backward inclination, respectively). The angles of the body segments were acquired for SP, MFI and MBI and averaged for the 60 frames of video regarding to the data sampling frequency.

2.3.5 Scoring system developed for the protocol

A scoring system was produced for the protocol according to the combination of angles of each segment in the SP with the MFI and MBI, in other words, the combination of how a certain body segment was in the SP and how it was at MFI and MBI. The postural responses for the MFI and MBI were expected to vary from the inverted pendulum model and double segment model. The angular variation of the five segments was analyzed using the APAS software and was awarded scores ranging from 0 to 100, with maximum scores equal to 32 for the ankle, 12 for the knee, 18 for the pelvic sagittal position, 12 for the pelvic tilt, and 26 for the upper trunk. The higher value was awarded to what came closest to the model of the inverted pendulum model, and the lower value was given to what came closest to the double-segment model.

2.4 Data analysis

For the analysis of intra-examiner agreement, the Kappa statistical test was applied and judged with the respective values of reference (Table 1), considering the same examiner and two different moments (test and retest). Standard error and p value were also calculated.

(insert table 1 near here)

For the analysis of inter-examiner agreement, the same test was used, with the responses of each examiner compared to another one within each group.

For the validation of the protocol kinematic data were compared to GE1, GE2 e GE3 responses. A calculation of the percentage of concordant responses was made.

3. RESULTS

Intra-examiner Kappa values, standard error and p value were calculated considering the test-retest of the same examiner for each segment rated and they are showed in the table 2. Observe that G3 presented almost perfect agreement for all body segments with Kappa values ranging from 0.96 to 1.

(insert table 2 near here)

Figure 2 shows the intra-examiner Kappa values for each segment rated by examiner group ($p \leq 0.001$). As occurred in intra-examiner agreement, G3 presented almost perfect agreement for all body segments. Negative values for pelvic tilt and upper trunk showed in GE1 and GE2 means that agreement was worse than that expected by chance.

(insert figure 2 near here)

Figure 3 shows the percentage of agreement between examiners in the same group with the kinematic analysis on the test-retest.

Note that a double hit means an agreement on the test and retest, double error indicates a mismatch on the test and retest, and one hit/one error means agreement on the test or the retest ($p \leq 0.001$). The terms hit and error do not indicate the right and wrong answer, but rather they show the level of agreement with the kinematic data from the APAS software.

(insert figure 3 near here)

Table 3 shows the scoring system for each rated segment for MFI. The system to evaluate anticipatory postural adjustments was established based on variation of the MFI regarding to the SP, according to the APAS *software* and respective score for the protocol. A similar system for MBI will be later developed, after completion of the test for system for MFI.

(insert table 3 near here)

4. DISCUSSION

Our goal was to develop and validate a protocol for the assessment of anticipatory postural adjustments, using the task of maximum forward and backward inclination. According to Horak (1987) and Huxham (2001), the evaluation of postural adjustments is a complex task due to the difficulty of detecting the movements through simple observation, a fact that justifies the scarcity of literature on the subject. In addition, the expected behavior is not clearly defined (Horak 1987). Moreover, a movement analysis, a more appropriate tool to evaluate postural adjustments, is not easy to handle clinically. Hickey et al (2007) has shown that a sample of experienced manipulative physiotherapists had difficulty in determining the symptomatic status of patients with clinically diagnosed shoulder complaints by movement analysis alone

Our protocol uses photos based on videos of the maximum forward and backward inclination for the assessment of anticipatory postural adjustments. The analysis of complex movements during the adjustment was made easier because the position of each segment was evaluated individually with the aid of horizontal or vertical lines of reference. While the protocol used pictures based on video, the evaluation did not portray a specific frame of the pictured postural adjustment because it was validated through kinematic analysis during 1 s in the starting standing position, maximum forward and backward inclination. The reproducibility was tested, revealing a high level of intra-and inter-examiner agreement, even for professionals not specialized in posture (GE3).

A scoring system for the protocol was proposed in order to quantify the anticipatory postural adjustment while leaving open the possibility for further studies to improve functional diagnosis and follow-up. In order to establish the scores, all of the possibilities of SP vs. MFI or MBI variation were outlined for each segment through kinematic analysis, and a match was created for the protocol.

Intra-examiner agreement

Included in this study was a group of specialized examiners (G2) who revealed better performance than the group of not specialized examiners (G1) showing that experience in assessment improves the rate of intra-and inter-examiner agreement. Neither G1 nor G2 used the protocol to evaluate anticipatory postural adjustments in this study. According to Billis et al. (2003) professionals had better results when compared to students. However, another group of non specialized examiners (G3), but using the proposed protocol showed the best results in terms of intra- inter-examiners agreement.

Our results revealed greater intra-examiner agreement within GE2 than GE1 for all segments, with the exception of the knee. Further, the agreement within GE3 was greater than GE1 and GE2 for the all segments, with agreement ranging from perfect to almost perfect. It should be noted that in the test-retest, in the situations where the GE3 showed disagreement, the disagreement was between responses from nearby positions and not between extremes.

The concordance rate showed itself to be more homogenous with less disparate responses between examiners in GE2 than in GE1. This situation is consistent with the clinical practice of specialists in posture (GE2) who adopt a convention to evaluate pelvic tilt: the ASIS located 1inch below the horizontal line through the PSIS indicates that the pelvis is aligned. The position of the ASIS above or below this reference indicates retroversion or anteversion, respectively. In the literature, there is no such statement. However, once an agreement is established, the correlation increases.

For GE1, low agreement occurred in the less frequent responses (extended ankle, semiflexed knee, retropulsioned pelvis, retroverted pelvis, and flexed trunk). In the other hand, for GE1 and GE2, high agreement was related mainly to less frequent responses.

As noted in Table 2, a data of the pelvic tilt for GE3 is missing. It is due to absence of response for that group for retroverted pelvis. The Kappa value can only be calculated in the presence of the three options that are each given at least once. However, it is important to note that for this group and segment the concordance rate was high (they only disagreed twice out of 342 possibilities).

Inter-examiner agreement

Similar to the intra-examiner agreement, GE2 presented higher agreement than GE1 and lower than GE3. GE3 agreement was perfect or almost perfect, and when there was disagreement with the test-retest, the error was between nearby responses.

The best rate among the examiners in GE2 was the pelvic tilt. Authors believe that it is due to the convention among specialists for assessing pelvic alignment in transversal plane. Negative rates, such as those for pelvic tilt and trunk, reflected agreement worse than would be expected by chance.

Agreement with kinematic analysis

GE3 obtained a high agreement rate with the kinematic analysis. As for inter-examiners agreement, when the disagreement occurred, they were between nearby responses.

The agreement level for double hits of GE1 and GE2 was similar for ankle, knee, and trunk. However, for the pelvic tilt, the percentage of double hit was similar between GE2 and GE3. Note that GE2 examiners belong to a group of specialists who adopt a convention for pelvic tilt. GE3 examiners are not specialized, however the use of the protocol may have facilitated their performance.

4.6 Limitations of the work and future proposals

According to Horak (1987), quantitative tools for the assessment of postural adjustments should include an analysis of the functional capacity, sensitivity for detecting abnormalities, reliability, validity, difficulty of use, and cost.

Our proposed protocol for the evaluation of the anticipatory postural adjustments was designed to differentiate the movements of body segments. It is also reliable, relatively easy to use, and inexpensive. The protocol has inherent potential for clinical evaluation as it was applied in this study in participants without pathologies,

whose responses are subtle and difficult to detect. However, it is necessary to verify the sensitivity for detecting abnormalities in pathologies. For this reason, we are conducting an ongoing project using this protocol on patients with rheumatoid arthritis and chronic lower back pain.

The practicality of this protocol is also being improved. A software is currently being developed in which the calculation of the scoring system will be incorporated into the evaluation of the photos.

The lack of evaluation of the head and cervical column is an important limitation of this work that future studies should focus on. The cervical-cephalic segment is of great importance in assessing postural adjustment, but it is also difficult to assess given the lack of reliable anatomical landmarks.

5. CONCLUSION

A video-based protocol to evaluate the anticipatory postural adjustments was proposed in this study. The protocol showed in this research a perfect and almost perfect intra-and inter-examiner agreement considering a sample of therapists non-specialists in posture. The protocol also showed a high level of reliability when compared to a gold standard kinematic analysis.

ACKNOWLEDGMENTS

The authors would like to thank Professor André Fabio Kohn, founder and co-director of Biomedical Engineering Laboratory at USP for sharing his valuable knowledge and the laboratory in this study; also, authors would like to thank Gabriel Bueno Lahóz Moya for his help in the data acquisition.

REFERENCES

1. Billis EV, Foster NE, Wright CC. Reproducibility and Repeatability: Errors of Three Groups of Physiotherapists in Locating Spinal Levels by Palpation. *Manual Ther.* 2003; 8(4):223-32
2. Hickeya BW, Milosavljevica S, Bellb ML., Milburna PD. Accuracy and reliability of observational motion analysis in identifying shoulder symptoms. *Manual Therapy* 2007;12:263–270
3. Brusse KJ, Zimdars S, Zalewski KR, Steffen TM. Testing Functional Performance on Patients with Parkinson Disease. *Phys Ther* 2005;85:134-41
4. Duarte M. Stabilometric Analysis of the Quasi-static Erect Human Posture. [tese]. São Paulo (SP): Universidade de São Paulo; 2000
5. Duncan PW, Weiner DK, Chandler J, Studenski S. Functional Reach: A New Clinical Measure of Balance. *J Gerontol* 1990;45:M192–7.
6. Frank JS & Earl M. Coordination of Posture and Movement, *Phys Ther.* 1990;70(12):855-63
7. Horak FB. Clinical Measurement of Postural Control in Adults. *Phys Ther.* 1987;67(12):1881–5

8. Huxham FE, Goldie PA, Patla AE. Theoretical Considerations on Balance Assessment. *Aust J Physiother.* 2001;47:89-100
9. Jonsson E, Henriksson M, Hirschfeld H. Does the Functional Reach Test Reflect Stability Limits in Elderly People? *J Rehabil Med* 2003;35:26-30
10. Kendall FP, McCreary EK, Provance PG, Rodgers MM, Romani WA. *Muscles – Testing and Function with Posture and Pain.* 5th ed. Lippincott: Williams & Wilkins; 1995 p. 70-80
11. Laessoe U, Voigt M. Anticipatory postural control strategies related to predictive perturbations. *Gait Posture.* 2007Article in press xx(xx):xx-xx
12. Landis JR, Koch GG. The Measurement of Observer Agreement for Categorical Data. *Biometrics* 1977; 33: 159-174)
13. Li X, Aruin AS. The Effects of Changes in Body Mass Distribution on Feed-Forward Postural Control: a Pilot Study. *Engineering in Medicine and Biology* 27th Annual Conference Shanghai, China, 2005 September 1-4
14. Liao C-F, Lin S-I. Effects of Different Movement Strategies on Forward Reach Distance. *Gait & Posture* Article in Press xxx (2007) xxx-xxx
15. Massion J. Postural Control Systems from the Developmental Perspective. *Neuroscience and Biobehavioral Reviews.* 1998;22(4):465-72

16. Nashner L, McCollum G. The Organization of Human Postural Movements: A Formal Basis and Experimental Synthesis. *Behav Brain Sci.* 1985;8:135–72
17. Viton JM, Timsit M, Mesure S, Massion J, Franceschi JP, Delarque A. Asymmetry of Gait Initiation in Patients with Unilateral Knee Arthritis. *Arch Phys Med Rehabil.* 2000;81:194-200
18. Watkins MA, Riddle DL, Lamb RL, Personius WJ. Reliability of Goniometric Measurements and Visual Estimates of Knee Range of Motion Obtained in a Clinical Setting. *Phys Ther.* 1991;71(2):90-6. IN Poletto PR, Sato TO, Carnaz L, Lobo da Costa PH, Gil Coury HJC. Do Individuals Who Present Static Difference between their Knees also Present Differences during a March? *Rev. bras. fisioter. São Carlos.* 2007;11(1):43-8.)
19. Watson AWS, Mac Donncha C. A Reliable Technique for the Assessment of Posture: Assessment Criteria for Aspects of Posture. *J Sports Med Phys Fitness.* 2000;40:260-70

Table 1: Kappa reference values for agreement. (Landis & Koch 1977).

Kappa Values	Interpretation
<0	No agreement
0-0.19	Poor agreement
0.20-0.39	Fair agreement
0.40-0.59	Moderate agreement
0.60-0.79	Substantial agreement
0.80-1.00	Almost perfect agreement

Table 2 - Intrarrater agreement for GE1, GE2 e GE3. Kappa values and standard error for each segment

	group	kappa value	standard error
Ankle	G1	0.412	0.061
	G2	0.467	0.071
	G3	0.968	0.022
Knee	G1	0.624	0.053
	G2	0.469	0.055
	G3	0.98	0.014
Pelvic sagittal	G1	0.242	0.066
	G2	0.55	0.058
	G3	1	0
Pelvic tilt	G1	0.201	0.058
	G2	0.657	0.069
	G3	*	*
Trunk	G1	0.516	0.056
	G2	0.637	0.05
	G3	0.982	0.013

* Unable to calculate due to lack of 1 of 3 options available. $p \leq 0.001$ for all segments and groups

Table 3 – Protocol score. Variation of the MFI regarding to the SP for anticipatory postural adjustments, according to the APAS *software* and respective score for the protocol for all segments.

APAS software						Clinic Protocol		
	SP	SP angles	variation	MFI angles	score	SP	MFI	Score
Ankle	Aligned	89.1 to 90.9	Variation up to 2°	89.1 to 90.9	10	Aligned	Aligned	16
		89.1 to 90.9	Decreased up to 5°	89 to 84.1	20		Flexed	32
		89.1 to 90.9	Decreased more than 5°	≤84	30		Extend	4
		89.1 to 90.9	Increased 5°	91 to 95.9	5			
		89.1 to 90.9	Increased more than 5°	≥96	0			
	Flexed	≤89	Increased up to 5°	89.1 to 90.9	5	Flexed	Aligned	10
		≤89	Increased more than 5°	89.1 to 90.9	3		Flexed	20
		≤89	Decreased up to 5°	<89	15		Extend	0
		≤89	Decreased more than 5°	89 to 84.1	20			
		≤89	Increased up to 5°	91 to 95.9	2			
	Extended	≤89	Increased more than 5°	>95.9	0			
		≥91	Decreased up to 5°	89.1 to 90.9	10	Extended	Aligned	20
		≥91	Decreased more than 5°	89.1 to 90.9	15		Flexed	24
		≥91	Decreased up to 5°	89 to 84.1	20		Extend	0
		≥91	Decreased more than 5°	<89	25			
		≥91	Increased up to 5°	>91 to 95.9	5			
		≥91	Increased more than 5°	≥96	0			
Knee	Aligned	179.1 to 180.9	Variation up to 2°	179.1 to 180.9	12	Aligned	Aligned	12
		179.1 to 180.9	Decreased up to 3°	179 to 176.1	2		Hyperextension	4
		179.1 to 180.9	Decreased more than 3°	≤176	0		Semiflexion	6
		179.1 to 180.9	Increased up to 3°	181 to 183.9	6			
		179.1 to 180.9	Increased more than 3°	≥184	4			
	Hyperextension	≤179	Increased up to 3°	179.1 to 180.9	7	Hyperextension	Aligned	8
		≤179	Increased more than 3°	179.1 to 180.9	8		Hyperextension	2
		≤179	Decreased up to 3°	179 to 176.1	2		Semiflexion	6
		≤179	Decreased more than 3°	≤176	0			
		≤179	Increased up to 3°	181 to 183.9	5			
	Semi flexion	≤179	Increased more than 3°	≥184	3			
		≥181	Increased up to 3°	179.1 to 180.9	8	Semi flexion	Aligned	10
		≥181	Increased more than 3°	179.1 to 180.9	10		Hyperextension	0
		≥181	Increased up to 3°	179 to 176.1	2		Semiflexion	6
		≥181	Increased more than 3°	≤176	0			
		≥181	Decreased up to 3°	181 to 183.9	4			
		≥181	Decreased more than 3°	≥184	6			
Pelvic sagittal	Aligned	179.1 to 180.9	Variation up to 2°	179.1 to 180.9	8	Aligned	Aligned	1
		179.1 to 180.9	Decreased up to 3°	179 to 172.1	10		Antepulsion	18

		179.1 to 180.9	Decreased more than 3°	≤172	14				
		179.1 to 180.9	Increased up to 3°	180.9 to 187.9	2				
		179.1 to 180.9	Increased more than 3°	≥188	0				
		≤179	Increased up to 3°	179.1 to 180.9	6				
		≤179	Increased more than 3°	179.1 to 180.9	4				
		≤179	Decreased up to 3°	179 to 172.1	10				
		≤179	Decreased more than 3°	≤172	8				
		≤179	Increased up to 3°	180.9 to 187.9	2				
		≤179	Increased more than 3°	≥188	0				
		≥181	Decreased up to 3°	179.1 to 180.9	8				
		≥181	Decreased more than 3°	179.1 to 180.9	6				
		≥181	Decreased up to 3°	179 to 172.1	10				
		≥181	Decreased more than 3°	≤172	12				
		≥181	Increased up to 3°	180.9 to 187.9	2				
		≥181	Increased more than 3°	≥188	0				
Pelvic tilt	Aligned	-0.9 to +0.9	Variation up to 2°	-0.9 to +0.9	4	Aligned		Aligned	4
		-0.9 to +0.9	Increased up to 10°	≥1 to 9.9	14			Anteverted	12
		-0.9 to +0.9	Increased more than 10°	>10	8			Retroverted	1
		-0.9 to +0.9	Decreased up to 10°	≤-1 to -9.9	2				
		-0.9 to +0.9	Decreased more than 10°	<-10	0				
	Anteverted	≥1	Increased up to 10°	-0.9 to +0.9	2	Anteverted		Aligned	2
		≥1	Increased more than 10°	-0.9 to +0.9	4				
		≥1	Increased up to 10°	≥1 to 9.9	8			Anteverted	8
		≥1	Increased more than 10°	>10	6				
		≥1	Decreased up to 10°	≤-1 to -9.9	1			Retroverted	0
		≥1	Decreased more than 10°	<-10	0				
	Retroverted	≤-1	Increased up to 10°	-0.9 to +0.9	5	Retroverted		Aligned	5
		≤-1	Increased more than 10°	-0.9 to +0.9	4				
		≤-1	Increased up to 10°	≥1 to 9.9	6			Anteverted	8
		≤-1	Increased more than 10°	>10	8				
		≤-1	Decreased up to 10°	≤-1 to -9.9	2			Retroverted	1
		≤-1	Decreased more than 10°	<-10	0				
Trunk	Aligned	89.1 to 90.9	Variation up to 2°	89.1 to 90.9	30	Aligned		Aligned	26
		89.1 to 90.9	Increased up to 10°	91 to 100.9	10			Extended	10
		89.1 to 90.9	Increased more than 10°	≥101	6				
		89.1 to 90.9	Decreased up to 10°	89 to 79.1	4			Flexed	4
		89.1 to 90.9	Decreased more than 10°	≤79	0				
	Extended	≥91	Decreased up to 10°	89.1 to 90.9	16	Extended		Aligned	16
		≥91	Decreased more than 10°	89.1 to 90.9	10				

Flexed	≥91	Increased up to 10°	91 to 100.9	8	Extended	8
	≥91	Increased more than 10°	≥101	6		
	≥91	Decreased up to 10°	89 to 79.1	2		
	≥91	Decreased more than 10°	≤79	0		
	≤89	Increased up to 10°	89.1 to 90.9	20	Flexed	Aligned
	≤89	Increased more than 10°	89.1 to 90.9	16		
	4	Increased up to 10°	91 to 100.9	8		Extended
	≤89	Increased more than 10°	≥101	6		
	≤89	Decreased up to 10°	89 to 79.1	2		Flexed
	≤89	Decreased more than 10°	≤79	0		

Figures

Figure 1: Kappa values for intra-examiner agreement between groups and for each segment.

Figure 2: Kappa values for inter-examiner agreement between groups and for each segment

Figure 3: Agreement to kinematics analysis. Percentage of double hits, double misses, and one hit/one miss in the test/retest. Hit indicates agreement, and miss indicates disagreement with the kinematic data.