

Figura 12: Árvore de máxima verossimilhança obtida a partir de quatro genes concatenados (Cytb, ND4, NTF3 e ODC). Nos ramos estão representados os valores de *bootstrap*. As subespécies estão destacadas em cores. Os asteriscos correspondem às amostras que foram recuperadas em clados diferentes nas diferentes análises.

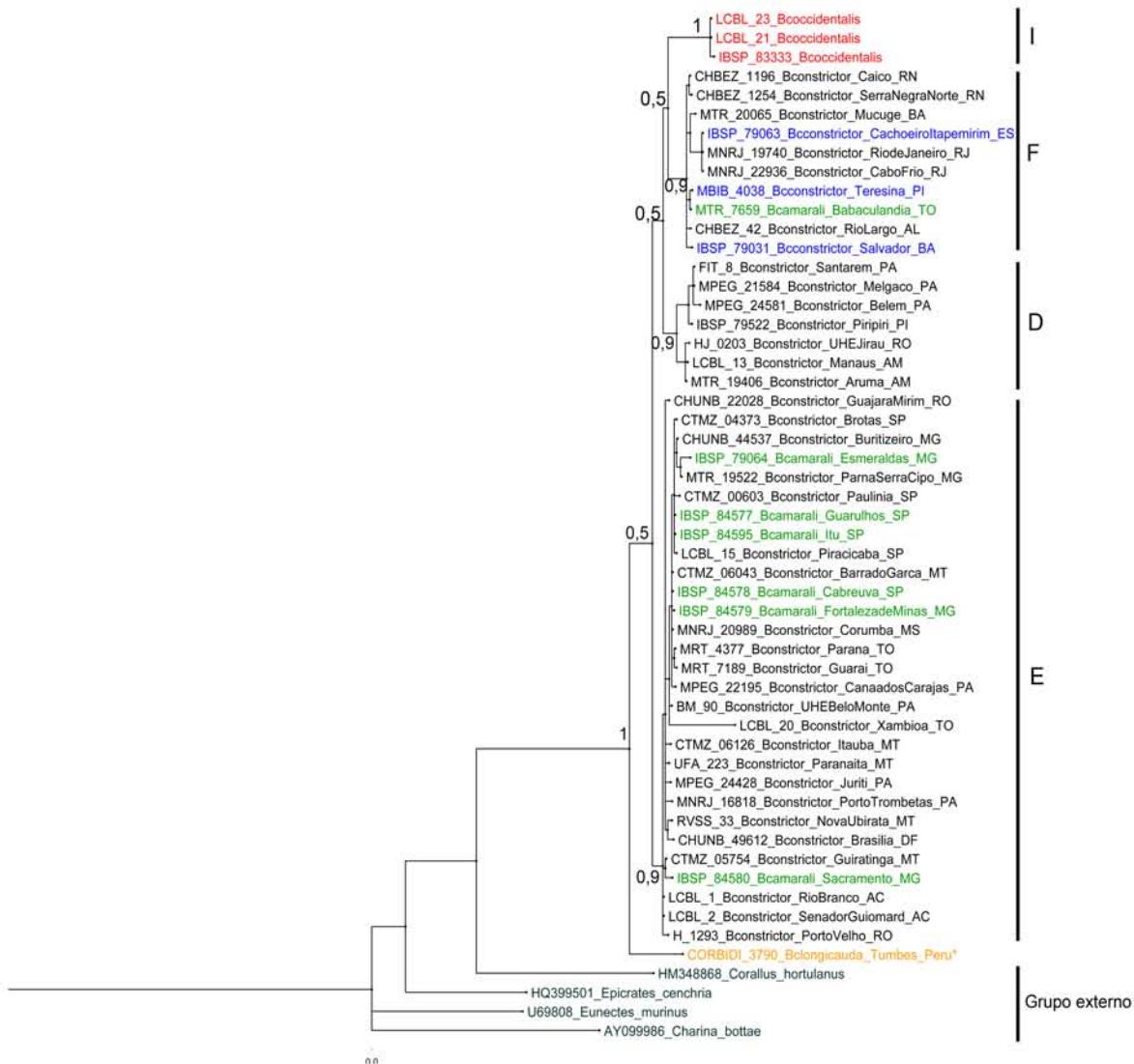


Figura 13: Árvore de inferência Bayesiana obtida a partir de quatro genes concatenados (Cytb, ND4, NTF3 e ODC). Nos ramos estão representados os valores de probabilidade posterior. As subespécies estão destacadas em cores. Os asteriscos correspondem às amostras que foram recuperadas em clados diferentes nas diferentes análises.

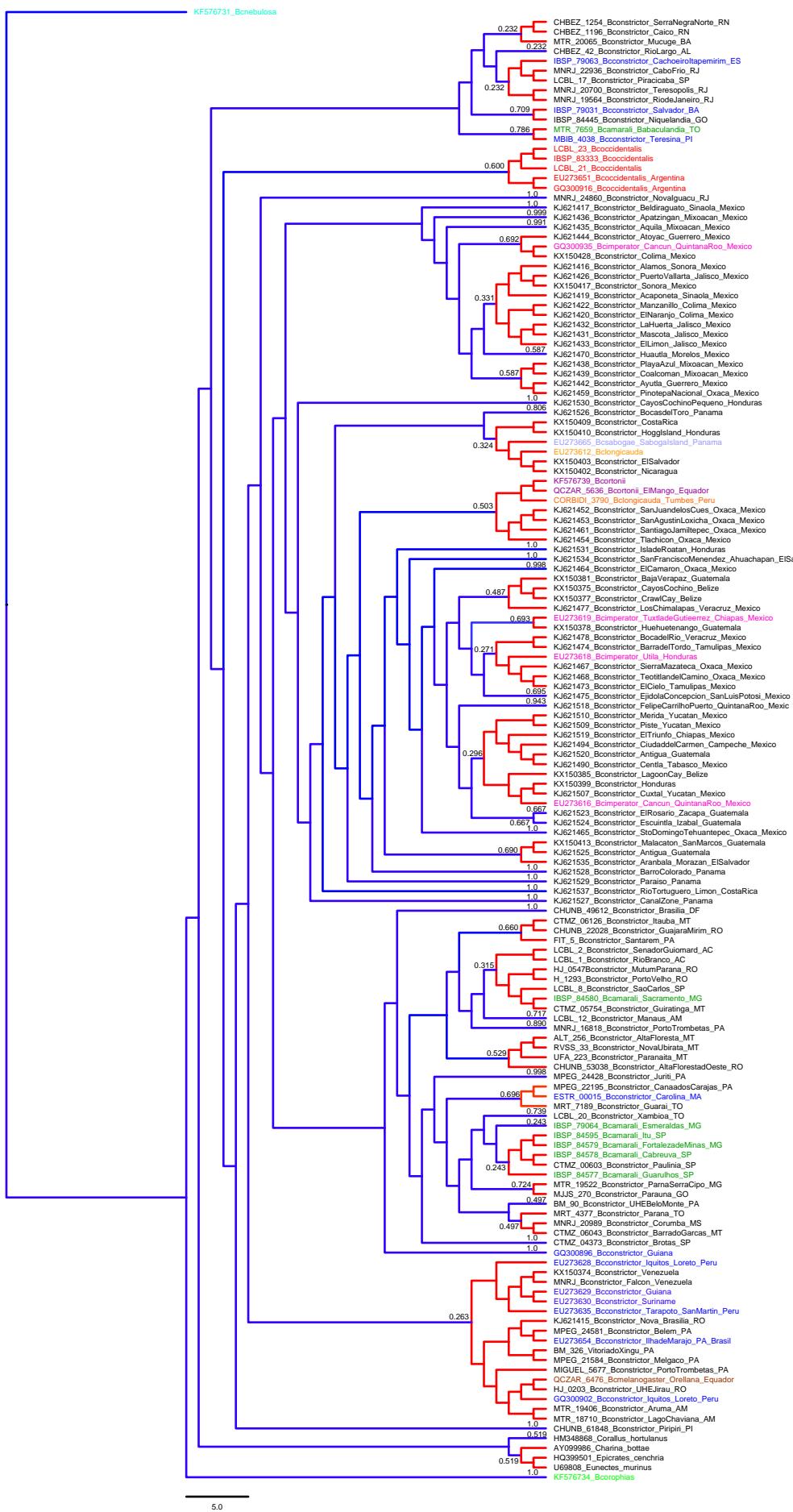


Figura 14: Análise de delimitação de espécie pelo método bPTP com árvore de entrada CyTb/MV. As linhas azuis representam as espécies putativas.

* Esta figura e a figura original encontram-se ampliadas no encarte anexo no final do documento.

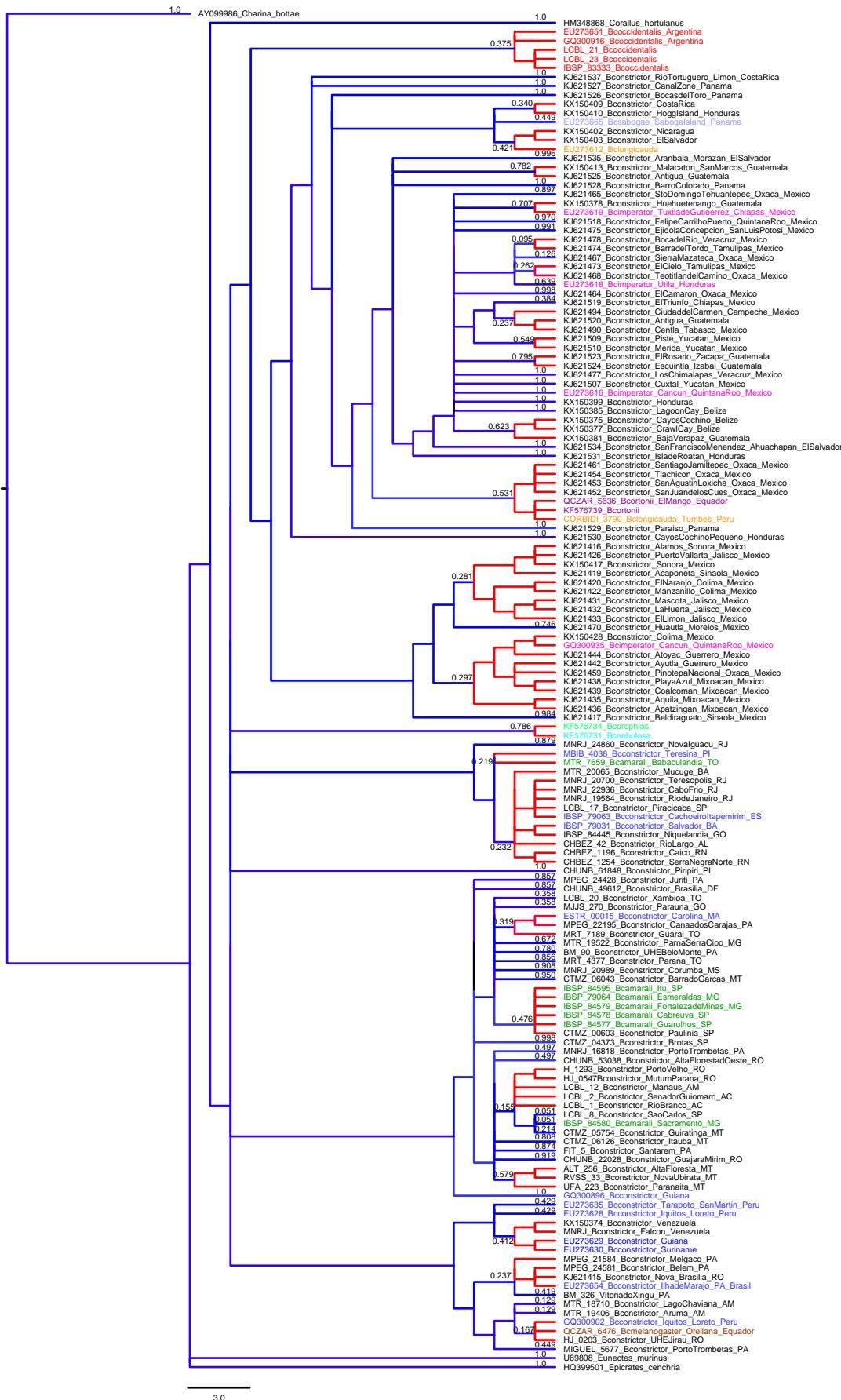


Figura 15: Análise de delimitação de espécie pelo método bPTP com árvore de entrada CyTb/IB As linhas azuis representam as espécies putativas.

* Esta figura e a figura original encontram-se ampliadas no encarte anexo no final do documento.

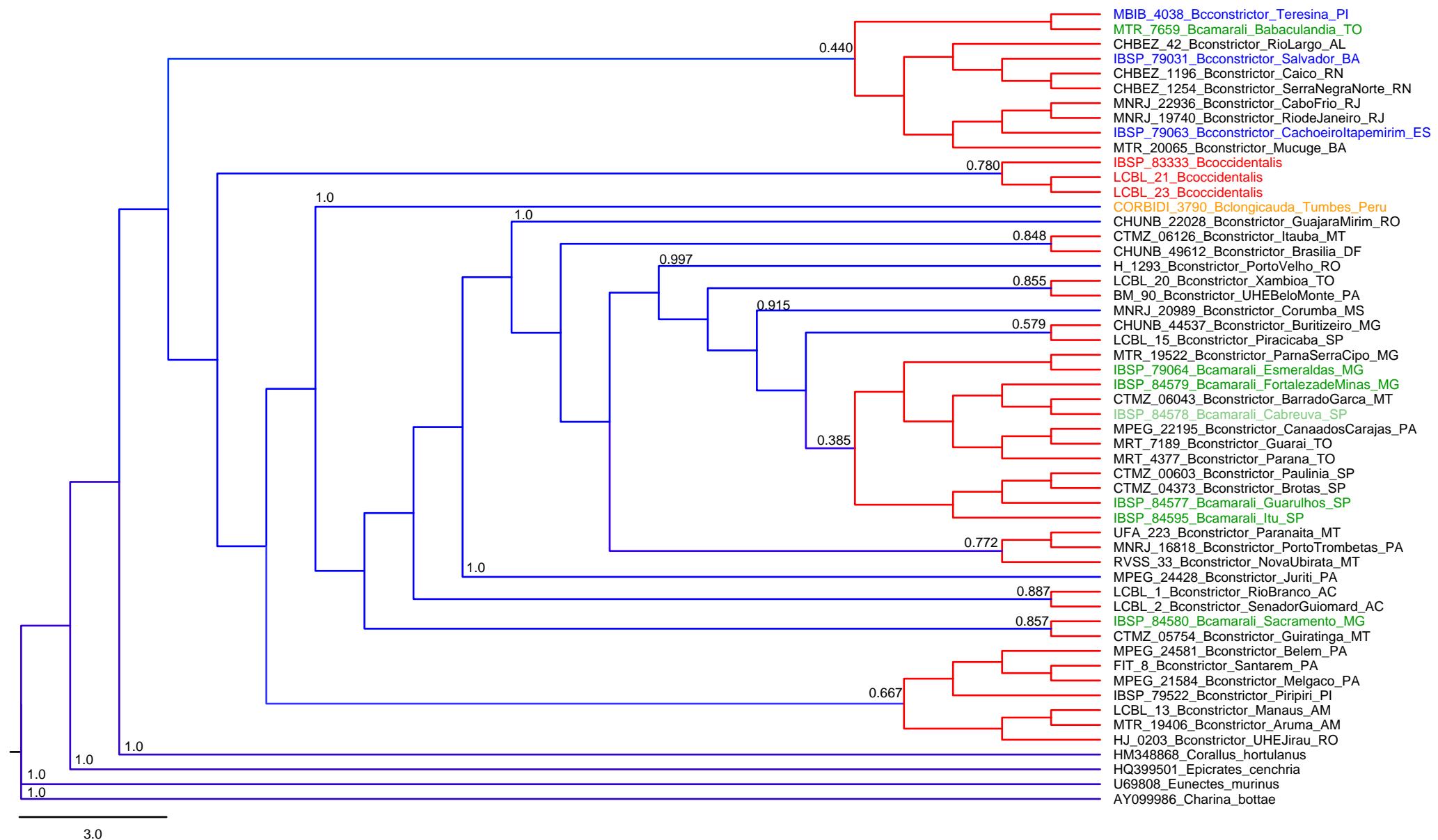


Figura 16: Análise de delimitação de espécie pelo método bPTP com árvore de entrada 4Genes/MV As linhas azuis representam as espécies putativas.

* A árvore original encontra-se ampliadas no encarte anexo no final do documento.

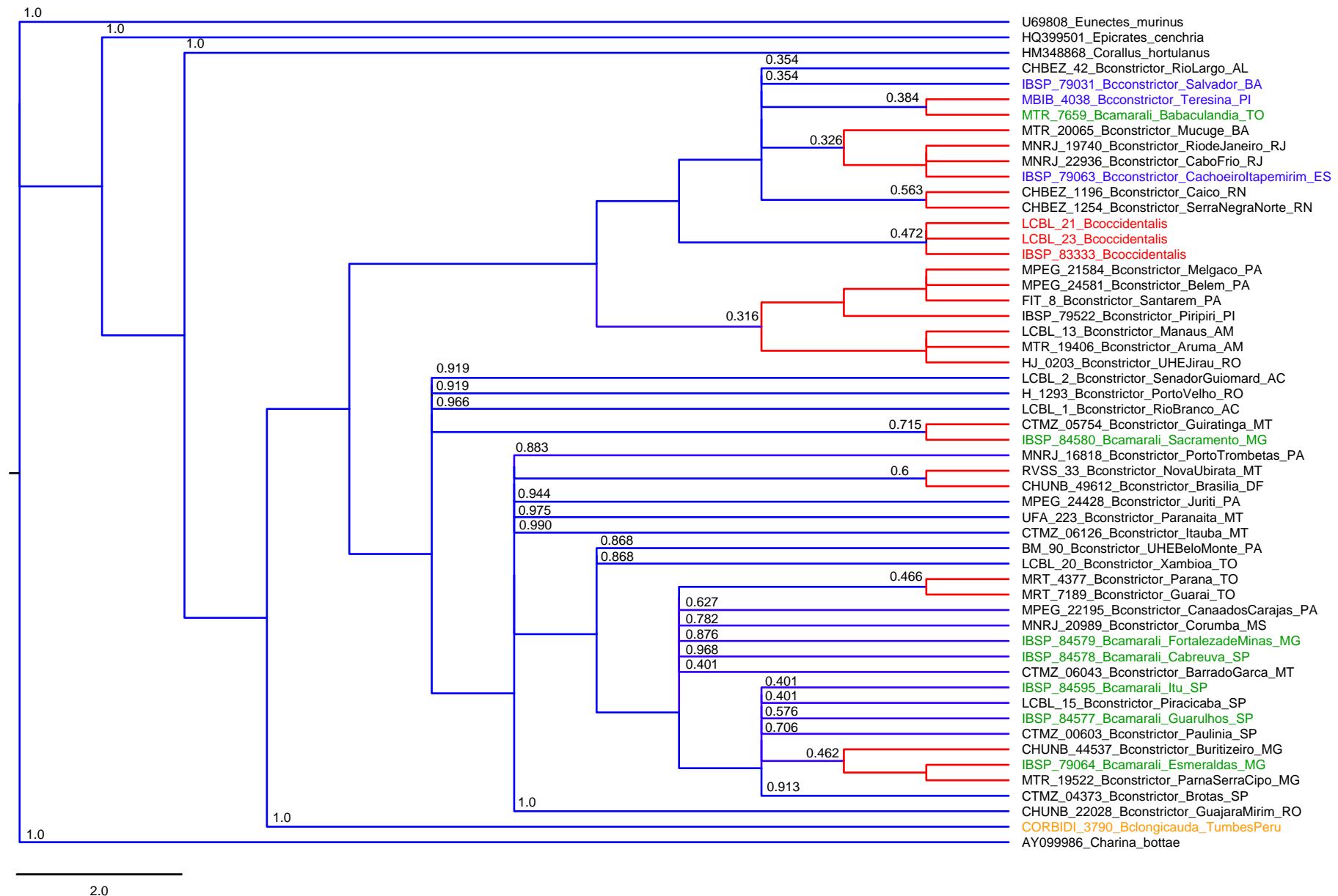


Figura 17: Análise de delimitação de espécie pelo método bPTP com árvore de entrada 4Genes/IB As linhas azuis representam as espécies putativas.

* A árvore original encontra-se ampliadas no encarte anexo no final do documento.

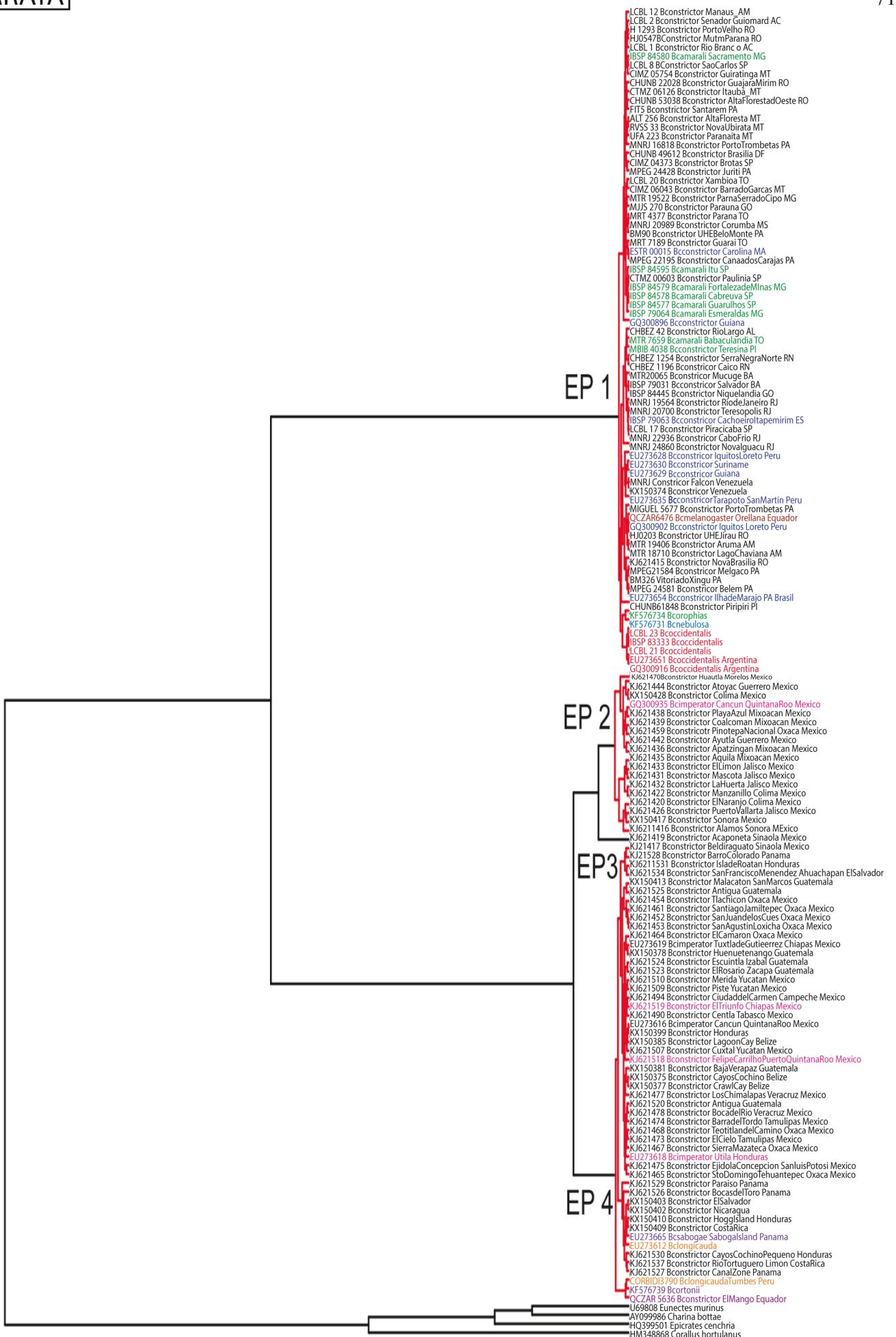


Figura 18: Análise de delimitação de espécie pelo método GMYC. As subespécies estão destacadas em cores

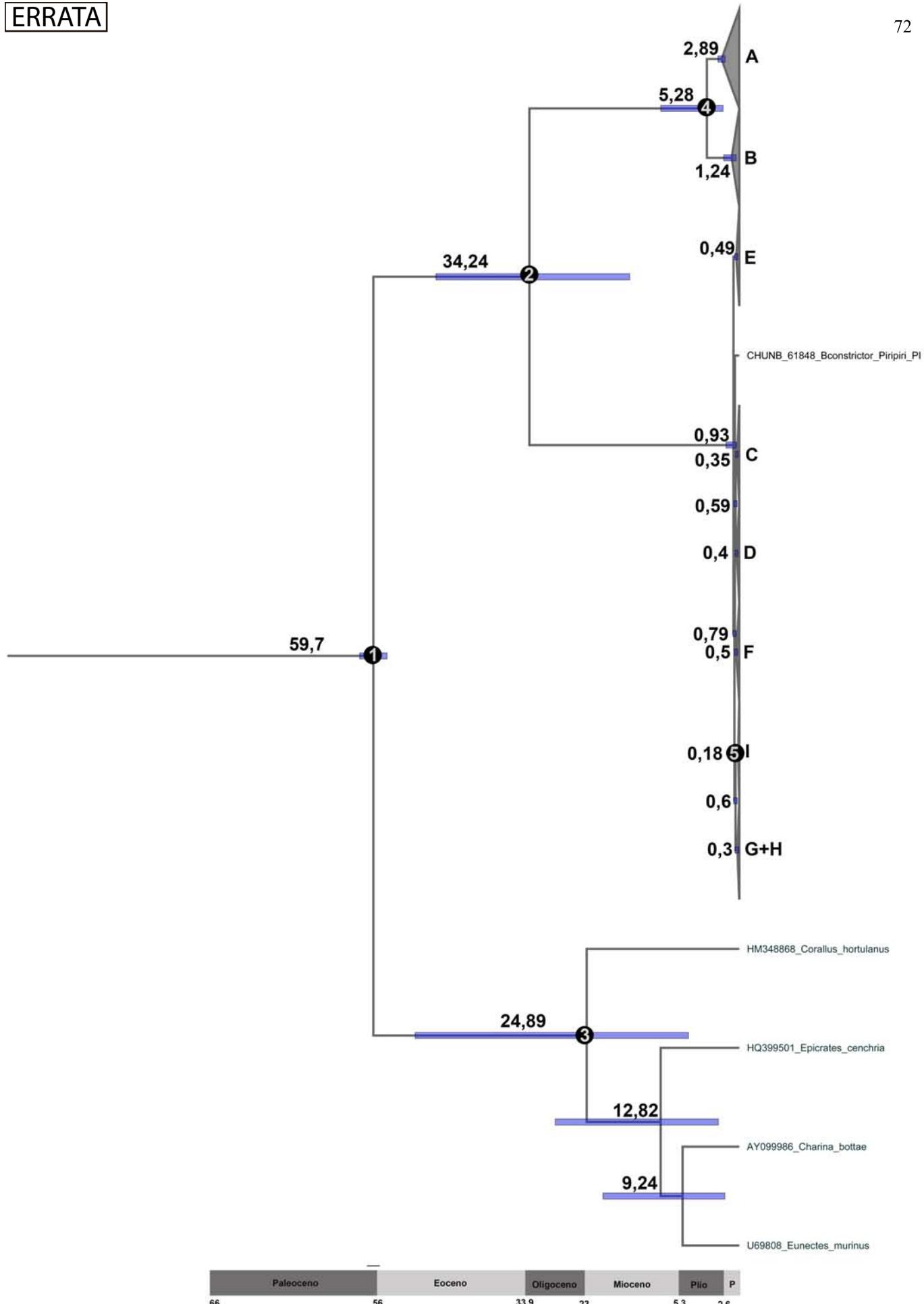


Figura 19. Datação molecular realizada com base no gene Cytb. Os números nos ramos representam a média da divergência em milhões de anos, e as barras indicam o intervalo de 95 % de confiança. Círculos pretos de 1 a 5 indicam os nós com calibração fóssil.